

**27832**

**SÜT SIGİRLARINDA DAMIZLIK DEĞERİN  
TAHMİNİNDE DEĞİŞİK YÖNTEMLERİN  
KULLANIMI**

**Kadir KIZILKAYA**

**YÜKSEK LİSANS TEZİ  
ZOOTEKNİ ANABİLİM DALI  
1993**

ANKARA ÜNİVERSİTESİ  
FEN BİLİMLERİ ENSTİTÜSÜ

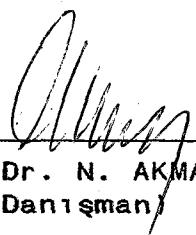
SÜT SİĞIRLARINDA DAMIZLIK DEĞERİN TAHMİNİNDE  
DEĞİŞİK YÖNTEMLERİN  
KULLANIMI

Kadir KIZILKAYA

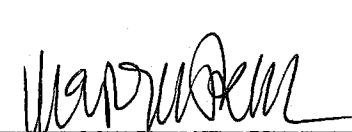
YÜKSEK LİSANS TEZİ

ZOOTEKNİ ANABİLİM DALI

Bu tez 07/10/1993 tarihinde aşağıdaki jüri tarafından  
100.(.Yüz...) not takdir edilerek Oybırılığı/Oyçokluğu ile kabul  
edilmiştir.



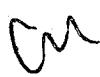
Prof.Dr. N. AKMAN  
(Danışman)



Doç.Dr. M. ERTUĞRUL



Yard.Doç.Dr. M. ÖZDER



ÖZET

Yüksek Lisans Tezi

SUT SIGIRLARINDA DAMIZLIK DEĞERİN TAHMINİNDE  
DEĞİŞİK YÖNTEMLERİN  
KULLANIMI

Kadir KIZILKAYA

Ankara Üniversitesi  
Fen Bilimleri Enstitüsü  
Zootekni Anabilim Dalı

Danışman : Prof.Dr. Numan AKMAN

1993, Sayfa:124

Juri : Prof.Dr. Numan AKMAN  
Doç.Dr. Mehmet ERTUĞRUL  
Yard.Doç.Dr. Muhittin ÖZDER

Araştırma materyali olarak, Ankara Şeker Fabrikası Çiftliği, Siyah-Alaca sığır sürüsünde 1975-1991 yılları arasında tutulan kayıtlardan, 13 boga ve bunların 131 dişi döлüne ait 322 laktasyon süt verimi kullanılmıştır.

Çalışmada bu bilgiler kullanılarak, farklı metodlarla (Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma, Çağdaşları Karşılaştırma ve En İyi Doğrusal Yansız Tahmin Metodları) erkeklerin ve dişilerin damızlık değerleri (DD) ile dişilerin Gerçek Verim Kabiliyetleri (GVK) tahmin edilmiştir. Ayrıca sürede 1981-1989 yılları arasındaki genetik yönelik de hesaplanmıştır.

Farklı metodlarla tahmin edilen DD'leri arasındaki korelasyonlar erkekler için 0.852-0.993, kişiler için 0.756-1.000; bunların sıralama değerleri arasındaki ilişkiler de yine aynı sıra ile 0.841-0.989, 0.744-0.999 arasında bulunmuştur.

Akrabalığın dahil edildiği, Tekrarlanan Verimlerle Birlikte Akrabalığın Kullanılması(EDYTA1), İlk Laktasyon Verimine Akrabalığın Dahil Edilmesi(EDYTA2), metodlar ile diğer metodlar arasındaki ilişkiler görece düşük bulunurken, kişilerin DD'leri ile GVK'leri arasındaki korelasyon da 0.772-0.992 arasında tahmin edilmiştir.

Korelasyon katsayılarına dayanılarak, farklı metodların mukayesesini yapılmış ve metodlar arasında önemli bir fark bulunmamıştır. Bununla beraber, eldeki tüm verilerin değerlendirilmesine ve daha detaylı sonuçlar elde etmeye olanak sağlayan EDYTA1 metodunun kullanımı önerilmiştir.

**ANAHTAR KELİMELER :** Damızlık Degeri, Aktarım Kabiliyeti, Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma, Çağdaşları Karşılaştırma, En İyi Dogrusal Yansız Tahmin, Akrabalık Matrisi, Gerçek Verim Kabiliyeti, Genetik Yönelim

ABSTRACT

Masters Thesis

APPLICATION OF DIFFERENT METHODS IN  
THE ESTIMATION OF BREEDING  
VALUES IN DAIRY CATTLE

Kadir KIZILKAYA

Ankara University  
Graduate School of Natural and Applied Sciences  
Department of Animal Science

Supervisor: Prof.Dr. Numan AKMAN

1993, Page:124

Jury : Prof.Dr. Numan AKMAN  
Assoc.Prof.Dr. Mehmet ERTUGRUL  
Asst.Prof.Dr. Muhittin ÖZDER

As research material, 322 lactation milk yields recorded between 1975 and 1991 from 131 daughter cows of 13 sires of the black and white dairy herd in the Ankara Sugar Factory Farm were evaluated.

In this study, breeding values of sires and dams have been estimated with different methods (Herdmate Comparison, Contemporary Comparison, Best Linear Unbiased Prediction(BLUP) Methods), as well as the real producing ability of dams . Also, the genetic trend of the herd was found for the years between 1981 and 1989.

The correlations among breeding values estimated through different methods were found to be 0.852-0.993, 0.756-1.000 for sires and dams respectively, and rank correlations among them, in the same order, were estimated 0.841-0.989, 0.744-0.999.

Although the relations between methods (BLUPR1, BLUPR2) considered relationship and the other methods were low, correlations between breeding values and real producing ability of dams were calculated 0.772-0.992.

The comparison of methods based on the correlation coefficients showed that the methods were not significantly different. But, it was suggested to prefer BLUPR1 since this method used the whole data and gave more detailed results.

**Key Words :** Breeding value, Transmitting ability, Herdmate comparison, Contemporary comparison, Best linear unbiased prediction, Relationship matrix, Real producing ability, Genetic trend

## TEŞEKKUR

Yüksek Lisans tez çalışması olarak, güncel bir konu seçtiği ve bu konunun araştırılmasının her aşamasında, sahip olduğu kaynaklardan ve bilgi birikiminden yararlanmamda maddi ve manevi her türlü kolaylığı gösterdiği ayrıca, ileriki yaşamımda da faydalı olacagına inandığım bilgi ve becerileri kazandırdığı için Sayın Hocam Prof.Dr. Numan AKMAN'a çok teşekkür ederim.

Bu çalışma için gerekli materyalin sağlanmasında yardımcı olan başta Doç.Dr. Turan TOKER olmak üzere, tüm Ankara Şeker Çiftliği çalışanlarına, konunun anlaşılması ve uygulanması açısından kaynak bulmamda yardımcı olan Prof.Dr. Yücel AŞKIN'a, Dr. Hakan ŞAKUL'e, Dr. Zeynel CEBECİ'ye ve Araş.Gör. Muhib ÜZKAN'a da teşekkür ederim.

## İÇİNDEKİLER

<b>ÖZET.....</b>	<b>i</b>
<b>ABSTRACT.....</b>	<b>iii</b>
<b>TEŞEKKUR.....</b>	<b>v</b>
<b>SİMGELER DİZİNİ.....</b>	<b>viii</b>
<b>ŞEKİLLER DİZİNİ.....</b>	<b>ix</b>
<b>ÇİZELGELER DİZİNİ.....</b>	<b>x</b>
<b>1. GİRİŞ.....</b>	<b>1</b>
<b>1.1. Döl Kontrolunun Tarihçesi.....</b>	<b>7</b>
<b>1.1.1. Yapay tohumlamadan önceki dönem.....</b>	<b>7</b>
<b>1.1.2. Yapay tohumlama dönemi.....</b>	<b>14</b>
<b>1.1.3. Damızlık populasyonun yapısı.....</b>	<b>17</b>
<b>1.1.4. Diğer özellikler.....</b>	<b>19</b>
<b>1.1.5. Daha sonraki gelişmeler.....</b>	<b>19</b>
<b>2. KAYNAK ARAŞTIRMASI.....</b>	<b>25</b>
<b>3. MATERİYAL VE METOT.....</b>	<b>41</b>
<b>3.1. Materyal.....</b>	<b>41</b>
<b>3.2. Metot.....</b>	<b>46</b>
<b>3.2.1. SürÜ arkadaşlarını karşılaştırma (SAK) metodu.....</b>	<b>46</b>
<b>3.2.2. Çağdaşları karşılaştırma (ÇK) metodu.....</b>	<b>49</b>
<b>3.2.3. Dogrusal modeller.....</b>	<b>50</b>
<b>3.2.3.1. Tekrarlanan verimlerin kullanılması (EDYT1).....</b>	<b>58</b>
<b>3.2.3.2. Tekrarlanan verimlerle birlikte akrabalığın kullanılması(EDYTA1)...</b>	<b>72</b>

3.2.3.3. İlk laktasyon veriminin kullanılması (EDYT2).....	77
3.2.3.4. İlk laktasyon verimine akrabalığın dahil edilmesi (EDYTA2).....	79
3.2.3.5. Gerçek verim kabiliyeti.....	80
3.2.3.6. Genetik yönelim.....	83
4. ARAŞTIRMA SONUÇLARI.....	85
4.1. Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma (SAK) Metodu.....	85
4.2. Çağdaşları Karşılaştırma (ÇK) Metodu.....	86
4.3. Dogrusal Modeller.....	88
4.3.1. EDYT1 metodu.....	88
4.3.2. EDYTA1 metodu.....	91
4.3.3. EDYT2 metodu.....	93
4.3.4. EDYTA2 metodu.....	95
4.3.5. Gerçek verim kabiliyeti.....	96
4.3.6. Genetik yönelim.....	97
5. TARTIŞMA.....	101
KAYNAKLAR.....	107
EKLER.....	114
EK-1.....	114
EK-2.....	117
EK-3.....	120
EK-4.....	123
ÜZGEÇMİŞ.....	124

## SİMGELER DİZİNİ

A	Akrabalık Matrisi
AK	Aktarım Kabiliyeti
ÇK	Çağdaşları Karşılaşturma
DD	Damızlık Değeri
EDYT	En İyi Dogrusal Yansız Tahmin
EDYT1	Tekrarlanan Verimlerin Kullanıldığı EDYT Metodu
EDYTA1	Tekrarlanan Verimlerle Birlikte Akrabalığı Kullanan EDYT Metodu
EDYT2	İlk Laktasyon Verimini Kullanan EDYT Metodu
EDYTA2	İlk Laktasyon Verimiyle Birlikte Akrabalığı Kullanan EDYT Metodu
EK	En Küçük Kareler
GENTP	Genotipik Değer
GOSV	Günlük Ortalama Süt Verimi
GVK	Gerçek Verim Kabiliyeti
KME	Karışık Model Eşitlikleri
MÇK	Modifiye Edilmiş Çağdaşları Karşılaşturma
MDD	Mutlak Damızlık Değeri
ML	Maximum Likelihood
REK	Regresse Edilmiş En Küçük Kareler
SA	Sürü Arkadaşları
SAK	Sürü Arkadaşlarını Karşılaşturma
S.ÇEV.	Sabit Çevre Etkisi
USDA	United States Department of Agriculture

**ŞEKİLLER DİZİNİ**

<b>Şekil 4.1.</b>	<b>SAK, EDYT1 ve EDYTA1 metodlarına göre hesaplanan genetik yönelim.....</b>	<b>100</b>
<b>Şekil 4.2.</b>	<b>ÇK, EDYT2 ve EDYTA2 metodlarına göre hesaplanan genetik yönelim.....</b>	<b>100</b>

## ÇİZELGELER DİZİNİ

Çizelge 1.1. Ana ve kız verimlerinin yer aldığı çeyrekler....	8
Çizelge 1.2. Doğu Prusya'da bogaların yağ verimi bakımından sınıflandırılmasında kızları ile kızların sürü arkadaşları arasında dikkate alınacak farklar (Peters 1934).....	11
Çizelge 1.3. Döl kontroluna alınan bogaların sayısı ve yaşı..	13
Çizelge 2.1. 1988-1992'de dogaların DD'ni tahmin için farklı metodları kullanan Ülke sayıları (Philipson and Banos, 1992).....	26
Çizelge 2.2. Simental bogaların farklı yöntemlerle hesaplanan DD'leri arasındaki sıralama korelasyonları.....	29
Çizelge 2.3. DD'lerine ait sıralamalar arası korelasyonlar...	34
Çizelge 2.4. DD'leri ve bunların sıralamalar arası korelasyonları.....	37
Çizelge 3.1. Degerlendirmeye dahil verimlerin yıllara, bogalara ve laktasyon sırasına dağılımı.....	42
Çizelge 4.1. SAK metodunda yıl-laktasyon ortalamaları.....	86
Çizelge 4.2. Bogaların SAK metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	87
Çizelge 4.3. ÇK metodunda yıl ortalamaları.....	88
Çizelge 4.4. Bogaların ÇK metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	89
Çizelge 4.5. EDYT1 metoduna göre yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları.....	90
Çizelge 4.6. Bogaların EDYT1 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	91
Çizelge 4.7. EDYTA1 metoduna göre yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları.....	92
Çizelge 4.8. Bogaların EDYTA1 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	93

Çizelge 4.9. EDYT2 metodunda yıllara ait EK ortalamaları.....	94
Çizelge 4.10. Bogaların EDYTA2 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	95
Çizelge 4.11. EDYTA2 metodunda yıllara ait EK ortalamaları...	96
Çizelge 4.12. Bogaların EDYTA2 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri.....	97
Çizelge 4.13. Gerçek verim kabiliyetini tahminde kullanılan yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları... .	98
Çizelge 4.14. Genetik yönelim değerleri.....	99
Çizelge 5.1. Bogaların farklı metodlarla tahmin edilen damızlık değerleri.....	102
Çizelge 5.2. Bogaların damızlık değerlerine göre sıralama değerleri.....	103
Çizelge 5.3. Bogaların damızlık değerleri ve sıralama değerleri arası korelasyonlar.....	103
Çizelge 5.4. Dişilerin damızlık değerleri ve sıralama değerleri arası korelasyonlar.....	104

## 1. GİRİŞ

Dünya'da olduğu gibi Türkiye'de de et ve süt üretiminin önemli bir bölümü, sığırdan sağlanmaktadır. Sığır, Dünya süt üretiminde % 93, Türkiye süt üretiminde de % 75'lik paya sahiptir (Anonymous 1991, Akman vd 1992).

Ülkelerin gelişmişlik düzeyine bağlı olarak, hayvansal üretimde sığırın payı artmaktadır. Bu artış, tarım kesiminde çalışan nüfusun toplam nüfustaki payının azalmasına parel seyretmektedir. Çünkü gelişmiş ülkelerde tarımda çalışan nüfus her geçen gün azalmakta, dolayısıyla toplumun besin maddeleri ihtiyacının daha az bir nüfus tarafından karşılanması gündeme gelmektedir. Bu da mevcut üretim kaynaklarının daha etkin kullanımını, bir başka ifadeyle, entansif şartlarda üretim yapmayı zorunlu hale getirmektedir. İşte bu noktada, entansif tarıma diğer türlere göre daha uygun olan sığırın önemi iyice belirginleşmektedir. Özellikle süt üretimi açısından ele alındığında, süt verim kapasitesinin diğer türlerden daha yüksek, bir başka ifadeyle, birim başa verimin bir koyundan yada keçiden elde edilenin 8-10 hatta 20 katına çıkabilmesi sığır için önemli bir avantaj oluşturmaktadır. Gerçekten de yaşama payı dikkate alındığında birim alandan elde edilen kaba yemden bir inek, koyun ve keçiye göre daha ucuz süt proteinini ve enerjisi üretimine imkan vermektedir (Haiger and Sölkner 1992). Ayrıca, tarım alanında çalışan nüfusun azalması ve nüfus artışı ile refah düzeyinin yükselmesine bağlı olarak, artan ihtiyacın, daha az hayvan kullanılarak karşılanması mümkün kilmaktadır. Sığırın bu

niteligi, bunların bakım-idaresi için işçilik giderlerinin azalmasına ve üretim biriminin (hayvan) alım bedelinin görece daha düşük olmasına yol açmaka ve işletme için önemli bir ekonomik avantaj oluşturmaktadır.

Bunlara ek olarak, insanlar tarafından doğrudan değerlendirilemeyen kaynakları, özellikle süte dönüştürmede, sigırdan daha üstün niteliklere sahip bir başka türün olmaması da sigırın entansif tarımda tercih edilmesinde büyük rol oynamaktadır. Sigırın bu avantajları dikkate alındığında, hem süt ve et üretiminde kullanımının hem de birim başa veriminin artırılması bir zorunluluk haline gelmektedir.

Hayvanların verimlerini artırabilmek için, iki yol vardır. Bunlardan biri, çevrenin iyileştirilmesidir. Ancak bu yolla ulaşılabilcek verim seviyesi genotipin izin verdiği düzeye kadar olabilir. İşte bu yüzden, ikinci yol olarak nitelenen genotipik seviyenin yükseltilmesi yönünde de çaba harcanmaktadır. Fakat, ulaşılan genotipik seviyenin, istenen düzeyde verim olarak ortaya çıkması için gerekli çevre şartlarının sağlanması da zorunludur. Bu nedenle, verim artırma çabalarında bu iki yol, birlikte dikkate alınır. Bir başka ifadeyle, bir yandan çevre şartları iyileştirilmeye diğer yandan da genotipik değerin artırılmasına çalışılır.

Genotipik değerin yükseltilmesi, seleksiyonla mümkündür. Melezleme, bu işlem için düşünülse de bundaki başarı, çiftleştirilecek ırkların veya genotiplerin doğru seçimine yanı ırklar veya genotipler arası seleksiyona ve bundaki isabete

baglidir. Bilindiği gibi seleksiyon, gelecek generasyonun ebeveynlerini belirleme işlemidir. Uygun olanla olmayanı ayırmada bireylerin fenotipik değerleri kullanılır. Ne varki, amaç genotipik değerin yükseltilmesidir. O halde, asıl yapılmak istenen genotipik değeri yüksek bireylerin belirlenmesidir. Bundaki isabet, biri araç digeri hedef olan iki değişken, yani fenotip ve genotip arasındaki korelasyon katsayısıyla ölçülür. Bilindiği üzere, bunun karesi belirleme katsayısıdır ve hayvan ıslahında bu parametre, kalıtım derecesi olarak bilinir. Bu haliyle kalıtım derecesini, fenotipik varyansta genotipik varyansın payı olarak ifade etmek mümkündür.

Damızlık seçiminde kullanılan fenotipik değerler, hayvanların kendilerinde ölçülen veya belirlenen değerler olabildiği gibi, yatay ve düşey akrabalarına yani kardeşlerine, döllerine ya da ebeveynlerine ait değerler de olabilir. Bazı hallerde bunların bir kaçını bir arada kullanarak farklı bir ölçüt elde etmek de mümkündür.

Seleksiyonda ölçüt olarak kullanılacak bilginin ne olacagini karar vermede sınırsız seçenekler değil aksine, bir takım sınırlılıklar vardır. Bunlardan biri, kalıtım derecesinin değeridir. Örneğin kalıtım derecesinin değeri, sıfır ise fenotipik üstün olanlar ile üstün olmayanlar arasında genotipik olarak herhangi bir farklılıktan söz edilemez. Başka bir ifadeyle, böyle bir özellik bakımından populasyonlar arası seleksiyon dışında genotipik ıslah söz konusu degildir. Kalıtım

derecesi bir olduğunda ise, fenotipik farklılığın tamamı genotipik farklılıktan kaynaklanmaktadır denir. Bu durumda, fenotipik değer bakımından üstün olduğu için seçilen hayvanlar, genotipik değer bakımından da üstündürler ve bu üstünlük döllere tam olarak aktarılabilir. Bir başka ifadeyle seleksiyonda isabet tamdır.

Genelde hayvancılıkta üzerinde durulan verimler, ekonomik önemi olan verimlerdir. Çok büyük bir bölümü kantitatif nitelikli olan bu verimler, etkileri çevre şartlarına bağlı olarak değişebilen küçük etkili çok sayıda gen tarafından determine edilir. Bu nedenle, bu tip özelliklerin kalitım derecesi, genellikle bire degil sıfırı daha yakın değerler almaktadır. Bir başka ifadeyle, ekonomik önemi olan bu özelliklerin hemen tamamı için, seleksiyonda isabet derecesi düşüktür.

Bu bilgilerin ışığında, kalitım derecesi düşük olan özellikler için, bireylerin kendi fenotipik değerlerini kullanmanın sağladığı isabetin düşük olduğu ve bunun genotipik değeri artırma çabalarını sınırlayacağı kolayca söylenebilir.

Süt verimi gibi tek cinsiyette görülen ve ölçülen özellikler bakımından, bu verimi göstermeyen cinsiyettedeki bireyleri kendi değerlerine göre değerlendirmek şimdilik mümkün degildir. Bu yüzden, düşük kalitım dereceli ve özellikle de tek cinsiyette görülen verimlerden olan süt verimi için erkek damızlıklar mutlaka ya dişi ebeveynlerine ya kız kardeşlerine veya dişi döllerine ait verimlerle değerlendirilmek durumundadır.

Verim sayısının azlığı nedeniyle ebeveyn verimleri ön seçim dışında pek kullanılmaz ve daha çok döl ve kardeş verimleri üzerinde durulur.

Döl veya kardeş gruplarının değerlerinden çeşitli şekillerde yararlanmak mümkündür. Bu tip değerlendirmelerdeki isabet, kardeş ve döl gruplarının fenotipik ortalaması ( $\bar{P}$ ) ile damızlığa ayrılacak hayvanların genotipik değeri (G) arasındaki korrelasyon katsayısının ( $r_{GP}$ ) büyüklüğü ile ölçülür (Düzungüneş vd 1991). Söz konusu korelasyon katsayısi, grup büyütüğü, kalitim derecesi ve akrabalık derecesi dikkate alınarak;

$$r_{GP} = (r^{G1}) \sqrt{\frac{n h^2}{1 + (n-1)r^{G2} h^2}} \quad (1.1)$$

şeklinde yazılabilir.

Bu unsurun alacağı değer de (1.1) sayılı eşitlikten görüleceği gibi, söz konusu özelliğin kalitim derecesi ( $h^2$ ), verimleri ölçüt olarak kullanılan akraba grubun büyütüğü (n) ve bunların hem birbirleri ( $r^{G2}$ ), hem de damızlık değeri hesaplanacak hayvanla akrabalık derecesine ( $r^{G1}$ ) bağlıdır.

Süt verimi bakımından erkeklerin seçiminde, kardeş veya döl gruplarının fenotipik ortalamaları kullanıldığında ve n ile  $h^2$ 'nin iki durumda da aynı olduğu kabul edildiğinde,  $r_{GP}$ 'nin alacağı değer  $r^{G1}$  ve  $r^{G2}$ , ye bağlıdır. Bilindiği gibi, döllere göre değerlendirmede  $r^{G1}=1/2$  ve  $r^{G2}=1/4$  olurken, kardeşlere göre değerlendirmede her ikisi de 1/4 değerini alır. Bu birinci

durumda r<sub>GP</sub> değerinin ikinci durumdakinden daha büyük olmasına neden olur. Bir başka ifadeyle, döllerin verimine dayalı seçimdeki isabet, kardeşlere göre yapılan seçimdeki isabetten daha yüksektir. Bununla birlikte döllere dayalı seçim (döl kontrolü) daha uzun sürede, örneğin sığırarda yaklaşık 5.5 yılda gerçekleştirilebilmektedir. Degerlendirmenin bu kadar uzun süre alması,一代alar arası sürenin uzaması nedeniyle yıllık genetik ilerlemenin azalması bir yana, seçilecek hayvanları ve bunların döllerinin elde bulundurulmasını gerektireceğinden, bakım-idare ve ekonomik açıdan önemli problemler doğurur. Gerçek bu problemleri azaltabilmek için, döl kontrolüne alınacak adaylar, kardeşlerine veya ebeveynlerine göre bir ön degerlendirme sonucu seçilirler. Ayrıca döl kontolunun getireceği yükü azaltmak için, belirli miktarlarda sperma stoklandıktan sonra adayların kesilmesi gibi önlemler alınabilir.

Döllerin verimlerine dayalı seleksyonun sadece erkeklerin değil, dişi damızlıkların seçiminde de uygulanmasının yararlı olacağı düşünülebilir. Fakat, dişilerden erkekler gibi çok sayıda döl almaktı mümkün değildir. Günümüzde bir ölçüde de olsa buna imkan veren teknikler vardır. Ama, uygulamanın güçlüğü, verimliliği ve masraflarının çokluğu bu tekniklerin, bu amaçla kullanımını hiç olmazsa şimdilik sınırlamaktadır.

Geliştirilen ve uygulanması olagan işler arasına giren yapay tohumlama, büyük populasyonlar için bile çok az sayıda

erkek damızlığının yeterli olmasına imkan vermektedir. Böylece erkeklerden sağlanan seleksiyon üstünlüğü, buna bağlı olarak da genetik ilerlemeye erkeklerin payı artırılabilmektedir. Yapay tohumlamanın sağladığı bu imkandan en etkili şekilde yararlanmak, uygulamasının yaygınlaştırılması yanında büyük ölçüde kullanılacak erkeklerin isabetle seçimi'ne de bağlıdır.

Damızlıkların özellikle de erkek damızlıkların seçiminde isabeti artırmaya yönelik çabalar, tarihi gelişimi de gözönüne alınarak, aşağıda özetlenmeye çalışılmıştır.

#### 1.1. DöI Kontrolünün Tarihçesi

##### 1.1.1. Yapay tohumlamadan önceki dönem

Birinci Dünya Savaşı'ndan önce Doğu Rusya'da ve İşveç'te ineklerin kendi verimleriyle sürü arkadaşlarının(SA) verimlerini mukayese eden çalışmalar yapılmıştır. Hansson 1913 yılında orta seviyede kalitsal olduğu kabul edilen yağ oranı bakımından bogaların aktarılmak kabiliyetinin(AK) tahminini amaçlayan bir indeks önermiştir(Pirchner 1984). Yeni Mendel Genetiginin ve kanatlıılarda yapılan deneysel çalışmaların verdiği umutların bir sonucu olarak, 1920'li yıllarda ABD'de sütçü bogaların denenmesine ilgi artmıştır. Pearl et al (1919), bogenin genetik değerini belirlemek için ceyrek sistemde kızların ve anaların performansının dağılımını, bogenin AK'nin bir ölçüsü olarak almışlardır(Pirchner 1984). Bu yaklaşım aşağıdaki örnekle

açıklanmaya çalışılmıştır (Çizelge 1.1.). Çizelge 1.1. de görüldüğü gibi mevcut 5 kızın ikisi ve bu kızların anaları birinci, kızlardan biri ikinci ve anası birinci, geri kalan iki kız üçüncü ama anaları ikinci grupta bulunduğuunda bogenin AK'ni şu formülle ifade etmişlerdir,

$$AK = 40(AA) + 20(AB) + 40(BC) \quad (1.2)$$

Çizelge 1.1. Ana ve kız verimlerinin yer aldığı çeyrekler

Kız No	Kız Verimi	Ana Verimi
1	1(A)	1(A)
2	1(A)	1(A)
3	2(B)	1(A)
4	3(C)	2(B)
5	3(C)	2(B)

Yapp (1924), Hansson'dan 12 yıl sonra bogenin AK için daha önce Hansson'un önerdiği;

$$DD = 2\bar{Y} - \bar{X} \quad (1.3)$$

eşitliğini yeniden gündeme getirmiştir (Kutsal 1960).

DD = Damızlık Degeri,

$\bar{Y}$  = Bogenin Kızlarının Verim Ortalaması,

$\bar{X}$  = Kızların Analarının Verim Ortalamasını ifade eden bu eşitlik daha sonraları Hansson-Yapp İndeksi adı altında yaygın şekilde kullanılmıştır. Aynı yıllarda, Turner (1925), AK'ni hesaplamak için kızın anaya regresyonunu dikkate alan aşağıdaki formülü kullanmıştır (Pirchner 1984).

$$DD = \frac{1}{0.85} * (\bar{Y} - 0.15\bar{X}) = \bar{Y} + 0.176 * (\bar{Y} - \bar{X}) \quad (1.4)$$

Burada;

$DD$  = Damızlık Degeri,

$\bar{Y}$  = Boganın Kızlarının Verim ortalaması,

$\bar{X}$  = Kızların Analarının Ortalama Verimi.

Bir boganın AK'ni tahmin için, kızlar ile anaları arasındaki farkın kullanılması, Graves'in (1926) önderlik ettiği bir çalışmada ortaya konulmuş ve USDA(United State Department of Agriculture) tarafından uygulanmıştır (Pirchner 1984). Goodale (1927), de Gowen (1920)'in analiz ettiği melezleme deney sonuçlarından çıkardığı ve daha sonraları yaygın şekilde kullanılan Mount Hope indeksi'ni gündeme getirmiştir. Goodale ırk içi karşılaştırmalarda aşağıdaki eşitlikleri kullanmıştır.

$$DD = \frac{3}{4} * (\bar{Y} - \bar{X}) + \bar{Y} \quad \bar{Y} > \bar{X} \text{ ise} \quad (1.5)$$

$$DD = \frac{7}{3} * (\bar{X} - \bar{Y}) + \bar{Y} \quad \bar{X} > \bar{Y} \text{ ise}$$

$DD$  = Damızlık Degeri,

$\bar{Y}$  = Boganın Kızlarının Ortalama Verimi,

$\bar{X}$  = Boganın Çiftleştiği Anaların Ortalama Verimi (Pirchner 1984).

Gifford (1930), yukarıda açıklananların aksine AK'ni tahmin için anaların performansını ihmal edip, sadece kızların performansını kullanmanın doğru olacağını ileri sürmüştür.

Wright (1931), kız sayılarının farklı olması nedeniyle ortalamanın, kız sayısına(n) göre düzeltilmesini teklif etmiş ve damızlık değerinin hesaplanmasında tari faktörü dikkate alınmazsa Hansson-Yapp indeksine eşit olan, aşağıdaki eşitliğini kullanmıştır.

$$DD = \bar{A} + \frac{n}{n+2} * (2\bar{Y} - \bar{X} - \bar{A}) \quad (1.6)$$

DD = Damızlık Değeri,

$\bar{Y}$  = Bogenin Kızlarının Verim Ortalaması,

$\bar{X}$  = Bogenin Çiftleştiği Anaların Verim Ortalaması,

$\bar{A}$  = İrk Ortalaması.

Edward (1932), 30'lu yılların başına kadar yapılan döй kontrolü çalışmalarını özetlemiştir. Ayrıca, kızların ortalamasına ait hatanın, kız sayısı arttıkça azaldığını göstermiş ve AK için bogenin döй kontrolünün, inegin kendi performansına göre çok daha isabetli tahmin ediciler sağlayacağına dikkat çekmiştir. Bununla birlikte, değişik çevre faktörlerinin etkileri ve bunları giderme yolları üzerinde de durmuştur. Ayrıca, verimleri ne olursa olsun bütün kızların ortalamaya dahil edilmesinin önemini belirtmiştir.

Yukarıda belirtilen hususların yanında Edward, çağdaşlarının çoğu gibi, düşük seviyede yemleme ile süt verimi için yem değerlendirme bakımından farklılıkların ortaya çıkacagini kabul ederken, süt verim potansiyeli bakımından farklılıkların ortaya çıkması için de yüksek seviyede baslemenin gereğine inanmıştır. Edward ayrıca, kızları analarının

verimlerine göre iki gruba ayırip o güne kadar yayımlanmış formüllere dayalı tahminler yapmış ve bu formüllerin verimliliğini irdelemiştir. Değişik formüllerden hesaplanan tahminlerin benzer olduğunu belirten araştırcı en iyi tahminin kız ortalamalarını kullanarak sağlanabildigini vurgulamıştır.

Dogu Prusya Frizyanları ile yaptığı çalışmayı özetleyen Peters (1934), kızların verimlerini benzer yaştaki sürü arkadaşlarının(SA) verimleriyle karşılaştırmıştır. Bu karşılaştırmada bir bireyin üstün olarak nitelenebilmesi için kızlarının ortalamasının SA'dan kız sayısı ile ters orantılı olarak değişen bir fazlalık göstermesi gerektiğini kabul etmiştir. Araştırcının değerlendirmesinde farklı gruplara ayrılacak bogalar için gereken sapma oldukça sınırlı ve sabit gözükmekle birlikte, 25-50 kızın ortalamasına duyulacak güvenle 100 kızın ortalamasına duyulacak güven arasındaki fark, oldukça büyütür (Çizelge 1.2.). Bir başka ifadeyle araştırcı, 25-50 kız'a ait ortalamaya, 100 kız'a ait ortalamaya göre daha az değer vermiştir.

Çizelge 1.2. Doğu Prusya'da bogaların yağ verimi bakımından sınıflandırılmasında kızları ile kızların sürü arkadaşları arasında dikkate alınacak farklar (Peters 1934).

Boğa Sınıfı	Kız Sayısı(n)		
	25-50	51-100	>100
+	3.5	2.5	1.5
++		5.0	3.0
+++			5.0

Lush (1931, 1933, 1935), performans testiyle mukayese ederek, döl kontrolünün yararlılığını, kızları değerlendirmede ana verimlerine ne ölçüde ağırlık verileceğini ve damızlık değerini(DD) tahmindeki isabete, kız sayısının etkisini tartışmıştır. Lush tarafından yayımlanan çalışmalar, hayvan İslahı ile ilgili sorunlarda Karışık Model teorisinin uygulanmasına kadar yapılan çalışmaların yol göstericisi olmuştur (Pirchner 1984).

Rice (1942), kızların ortalamasından; anaların ortalamasının 0.5(b) kadarının çıkarıldığı bir indeks önermiştir. Söz konusu indeks bir ölçüde Hansson-Yapp indeksinin bir modifikasyonu niteligidir. Lush (1944), indeksin genel prensiplerini detaylı bir şekilde açıklayarak, ana ve kız sayısı 5-10 arasında olduğunda b için alınan 0.5 değerinin doğru kabul edilebileceğini belirtmiştir. Bu tip indeksler, kızların ortalaması kullanılarak yapılan değerlendirmeye göre % 120 daha etkili bulunmuştur. Bununla birlikte, bu tip indekslerin üstünlüğünün ana ve kız arasındaki çevresel korelasyona ve anaların performansı arasındaki korelasyona oldukça bağımlı olduğu unutulmamalıdır. Sürü etkisini gideren ana-kız indeksi, ve ana-kız karşılaşmalarından elde edilen sonuçlar USDA tarafından 1962 yılına kadar yayımlanmıştır.

Almanya'da ana-kız mukayeseleri, sürü ortalamasının %'si olarak ifade edilen değerlere dayalı olarak yapılmıştır. Bu yöntemin modifiye edilmiş hali Doğu Almanya'da son zamanlara kadar kullanılmıştır (Schwab 1984).

Zaman farkının sebep olduğu sapsalar nedeniyle ana-kız mukayesesinin etkinliği tartışılagelmiştir. Bununla beraber, çağdaşların mukayesesine dayalı değerlendirmeler, yıl farklılığından kaynaklanan sapsaları ortadan kaldırmakta, sürü etkisinin önemli bir bölümü ile analara uygulanan seleksiyondan kaynaklanan sapsaların etkisini azaltmaktadır.

Yapay tohumlamaının yaygın olmadığı dönemlerde, sütçü bogaların döl kontrolüne tabi tutulmasının yararları konusunda oluşan kuşkuları gidermek için bazı uygulamalar yapılmıştır. Örneğin, genç bir boganın, 12-15 inekle çiftleştirildikten sonra 5-6 kızının verimi belirleninceye kadar tekrar kullanılmaması kabul edilmiş, bu süre içerisinde, kiralama veya ödünç verme çok önerilen uygulamalar arasında yer almıştır. Lush and Lacy (1932), bogaların kızların verimlerine göre seçilmelerine kadar elde tutulma imkanlarını incelemiştir (Çizelge 1.3.).

Çizelge 1.3. Döl kontrolüne alına bogaların sayısı ve yaşı

Bogaların Yaşı	Sayısı
1.5 - 2.0	1000
5.0 - 6.0	900
	Hastalıklara bağlı olarak her yıl 25 tanesi çıkarıldı.
8.0	600
9.0	300
	İlk seleksiyon sonucu seçilenler ilk seleksiyondan sonra kalanların en iyi yarısı
16.0	15
	Hastalık ve yaş gibi nedenlerden dolayı elden çıkarıldı.

Yapay tohumlama olmaksızın uygulanacak döl kontrolünün maliyetinin oldukça yüksek, yaygın olarak kullanımının da çok zor olduğu bir geçektir. Daha isabetli bir değerlendirme için, döl

kontrolunun avantajı kabul edilse de bu uygulamanın genetik ilerlemeyi artırıp artırmadığı sorunu her yönüyle tartışılmıştır. Döl kontrolu uygulamasıyla generasyonlar arası sürenin arttığı ve seleksiyon üstünlüğünün sınırlandığı bunların sonucu olarak, seleksiyonda isabetin artmasından sağlanan avantajın tamamen olmasa da önemli derecede ortadan kalktığı gösterilmiştir. Bu nedenle, döl kontrolunun yalnızca, kalitim derecesi düşük, generasyonlar arası sürenin kısa ve döl veriminin yüksek olduğu koşullarda avantajlı olduğu belirtilmiştir. Düşük kalitim dereceli bir özellik olan süt verimi bakımından döl kontrolüne dayalı etkin seçimi ve seçilen erkek hayvanların genetik üstünlüklerini yaygınlaştırmak için gerekli olan geniş çaplı kullanımı ancak, yapay tohumlamanın uygulamaya girmesiyle sağlanabilmistiştir.

#### 1.1.2. Yapay tohumlama dönemi

Yapay tohumlamanın geniş çaplı uygulanması, döl kontrolünden geçmiş bogalara ilgiyi de artırmıştır. Danimarka'da yapay tohumlama, diğer ülkelerden daha önce yaygın hale gelmiştir. Bu ülkede, II. Dünya savaşı sırasında görülen kesif yem sıkıntısı, yapay tohumlama bogalarının çiftleştiği ineklerin kızlarına göre daha düşük verim vermelerine neden olmuştur. Bu durum, ana-kız mukayesesinin sınırlılığını daha iyi göstermiştir. Benzer problemler, savaş sonrası Almanya'sında da yaşanmıştır (Lamprecht 1949). Bir çok ülkede yapay tohumlamanın yaygın hale

gelişi, süt kontrollerine katılımda meydana gelen artışla birlikte olmuştur. Analarla kızların maruz kaldıkları farklı bakım ve beslemenin ortaya çıkardığı problemi çözmek için Danimarka'lilar, döl kontrolü istasyonları kurmuşlardır. Bu uygulama oldukça dikkat çekmiş ve diğer ülkelerde de Danimarka'dakine benzer istasyonlar kurulmaya başlanmıştır. Bir çok makalede uygulama açıklanmış ve bu uygulamadan ileri gelen sorunlar tartışılmıştır (Touchberry et al 1960, Johansson 1954, Robertson and Mason 1956). Bu uygulama esnasında ilginç interaksiyonlar gözlenmiş ve döl grupları arasında sahada saptanan farkın, istasyonda saptanandan daha küçük olduğu bildirilmiştir. Buna bağlı olarak, istasyon testlerine son verilirken, sahadan elde edilen verilere dayalı değerlendirmeler önem kazanmıştır. Bununla birlikte, test istasyonlarındaki çalışmaların yem değerlendirme gibi, sahada ölçülemeyen özelliklerin saptanmasına imkan verdiği de unutulmamalıdır.

Robertson and Rendel (1950), bogaların AK'ni tahminde, temel tahmin yöntemi olarak çağdaşları karşılaştırmayı önermişlerdir. Metot bir çok ülkede, o ülkenin koşullarına uyarlanarak kullanılmıştır. Örneğin, Bavaria'da küçük işletmeler(12'den az inegi olan) verim seviyelerine göre gruplanıp, kızların çağdaşlarıyla mukayesesini bu gruplarla yapılarak başarılı bir uygulama gerçekleştirilmiştir (Kräublich et al 1970). Buna ek olarak, kızların kooperatifler içi veya bogaların kullanım alanları içi mukayese edilmesi önerilmiştir. Amerika, Yeni Zelanda ve Güney Batı Almanya'da bir

bogenin kızları, SA'nın yaşı göre düzeltilmiş ortalama verimleriyle mukayese edilmiştir.

Conrad and Gravert (1966), verimleri beklenen degerden sapmaya neden olan çevresel faktörlerin etkilerini gidermek için çoklu regresyon kullanmasını önermiştir. Avusturya Simental populasyonunda SA ile karşılaştırma yönteminin çağdaşları karşılaştırmaya göre daha uygun olduğu ileri sürülmüştür (Pirchner 1970). SA karşılaştırmanın modifiye edilmiş şekli USDA tarafından uzun süre kullanılmıştır.

Skjervold and Sanvik (1959), genç bogaların spermalarının birkaç sürüde aynı anda kullanılması halinde, mevsim etkisi gibi çevresel etkilerin ortadan kalkacağını ve sürü etkisinin de ihmäl edilebileceğini düşünerek, isabetli tahminler yapılabileceğini ileri sürmüştür. Ayrıca, test aşamasında, maliyet ve yatırım faizleri değerlendirilerek döl kontroluna bir de ekonomik boyut katılmıştır. Soller et al (1966), sığır ıslahında, etçilik ve sütçülük özelliklerini birlikte dikkate almıştır.

Farklı döl gruplarında bulunan kızlar arasında kızlara uygulanan seleksiyondan kaynaklanan sapmalar meydana gelebileceği de düşünülmüştür. Bu nedenle Danimarka'daki test istasyonlarında ilk laktasyon dönemlerinde hiç seleksiyon uygulanmamıştır. İsveç'te seçilmiş düvelerin, kısmi laktasyon verimlerinin genişletilerek kullanılması 1953 yılında başlatılmıştır (Johansson 1961). Diğer Ülkelerde de seleksiyondan kaynaklanacak problemi azaltmak için 100 günlük verim, birinci ile üçüncü test günü

verim ortalaması gibi kısmi laktasyona dayalı değerlendirmeler kullanılmış ve kullanılmaktadır(Kräüßlich et al 1970).

Bereskin and Lush (1965), SA metodunun değişik formlarının, DD'ni tahmin etmedeki isabetini test etmek için, bölünmüş döl örnekleri arasındaki korelasyonları kullanmışlardır. Farklı sürülerde SA'dan sapma olarak alınan döl performansları arası korelasyonları, önemli sayabilecek derecede, beklenen değerin altında bulmuşlardır. Benzer yorumlar Almanya'ya ait verimleri inceleyen Rittler et al (1968), tarafından yapılan araştırmalarдан da çıkarılabilir mektedir. Bunun aksine, Heidhues et al (1961), bogaların ilk ve toplam değerleri arasında beklenen ve gerçekleşen korelasyonların yeterince uyumlu olduğunu bildirmiştir. Bunula birlikte seleksiyon kriteri, genelde kabul edildiği gibi, sapma oluşturmadiğça geniş örneklerde beklenen degere daha çok yaklaşmaktadır. Ürnegin Van Vleck et al (1961), bogaları sıralamak için, kız sayısı 60-100 gibi büyük bir değer olduğunda, sıralama bakımından non-parametrik yöntemlerle SA'na göre karşılaştırma arasında pratikte bir fark bulamamıştır.

#### 1.1.3. Damızlık populasyonun yapısı

Genetik ilerlemede döl kontrolünün isabetine ek olarak; kaç boganın test edileceği, döl grubunun sayısı, kayıtlı inek sayısı, denenmiş bogalarla çiftleştirilecek inek sayısı gibi populasyon yapısı ile ilgili değerler de önem taşır. Robertson and Rendel (1950), genetik ilerlemeyi, ileri sürdürükleri 4 ize

göre açıklamışlardır. Sığırarda yapay tohumlamanın uygulanması ile genetik ilerlemenin 2/3'ünün bogaların, 1/3'ünün de boga analarının seçimiyle sağlandığına işaret etmişlerdir. Robertson and Mason (1956), seleksiyon entansitesi ile isabet derecesi arasındaki etkileşimi açıklamıştır. Ayrıca, genetik ilerlemenin bu ikisinin çarpımıyla orantılı olduğuna işaret etmişlerdir. Bunun sonucu olarak, belirli bir test kapasitesinde fazla sayıda kızla sağlanan oldukça isabetli bir tahmin, düşük seleksiyon intensitesine sebep olarak daha düşük genetik ilerlemeye yol açabilir. Skjervold and Langholz (1964), populasyon yapısının değişik unsurları ile genetik ilerleme arasındaki etkileşimleri incelemiştir. Araştıracıların sonuçları; en fazla genetik ilerlemenin, populasyonun büyük bir bölümünü aday bogalara ayıran ve isabetli bir seleksiyon uygulayarak bogalardan en iyi 2-3'nün seçilmesini öngeren programlarla sağlanabileceğini ortaya koymuştur.

Brascamp (1973), farklı zaman aralıkları ve bu aralıklardaki ilerlemeyi değerlendirmiştir. Bu değerlendirme, ebeveynden döle giden ize görece daha fazla ağırlık verilmesi gerektiğini ortaya çıkarmıştır. Van Vleck (1964), en fazla ilerleme sağlayan yapıya benzer olarak, en fazla gelir sağlayan populasyon yapısını bulmuştur. Haring (1972), Niebel (1974) ve Niebel and Fewson (1974), gelirin yatırıma dönüşümü açısından, damızlık populasyonun optimum yapısı üzerinde durmuşlardır.

#### 1.1.4. Diğer Özellikler

Döl kontrolü yoluyla damızlık seçimi, süt verimi yanında diğer özellikler için de kullanılmaktadır. Düşük kalitım dereceli özellikler açısından damızlık seçiminin isabetli yapılması geniş döl grupları gerektirmektedir. Baptist and Gravert (1973), verime etki eden çevre faktörlerinin bu etkilerini gidermek için, test bogalarından sağlanan spermanın planlı kullanımının gerekliliğini belirtmişlerdir. Kräublich et al (1977), Fimland (1977), Maijala (1978) ve Janson (1981), Bavaria'da ve İskandinavya'da, dişilerin döl verimi için döl kontrolü olanaklarını tartışmışlardır.

Son zamanlarda güç doğum üzerinde oldukça fazla durulmaktadır. Bogalar, hem buzağılarının güç doğumunu hem de dişi döllerinde görülen doğum güçlükleri bakımından test edilebilir. Bavaria'da 1970'li yıllarda beri bogalar düzenli bir şekilde güç doğum yönünden test edilmektedir. Ayrıca döl kontrolü çalışmalarında süt akış hızı üzerinde de durulmaktadır. Mastitis, ketosis ve süt humması gibi süt sigirlarında yaygın olan hastalıklar için döl kontrolu çalışmaları oldukça artmıştır. Ama çok düşük kalitım derecesi veya kayıt tutmada ortaya çıkan zorluklar, bu tip özelliklerde genetik ilerlemeyi artırmak için döl kontrolünün etkili ve geniş kullanımını engellemiştir.

#### 1.1.5. Daha sonraki gelişmeler

Yapay tohumlama ile yaygınlaşan döl kontrolü uygulamalarında meydana gelen bir çok gelişme boga değerlendirme

açısından bazı sorunlar da yaratmıştır. Hem Çağdaşları Karşılaştırma hem de SA Karşılaştırma metodlarıyla yapılan değerlendirmelerin dayandırıldığı varsayımlardan sapmalar bu sorunların önemlilerindendir. Her iki metodun temel varsayımları şunlardır;

- Genç ve denenmiş boğalar, bir populasyondan çekilmiş rastgele örneklerdir.
- Bunların döller, sürülere ve yıl-mevsime rastgele dağılmıştır.
- İnekler rastgele olarak seçilmiştir.

Kolayca anlaşılabileceği gibi, genetik ilerleme meydana geldiğinde ilk varsayıım açıkça doğruluğunu yitirmektedir. Birçok durumda, farklı gruplardan sperma kullanımını rastgele olmadığı gibi ineklerin ayıklanması da sürülerde veya sürü arkadaşı gruplarında aynı şekilde yapılmamaktadır. Bu da ineklerin seçimindeki rastgeleliği bozar. Fakat, iyi planlanmış test projeleri, son iki durumun sapma meydana getirmesini belirli ölçüde önleyebilir.

Henderson(1973), EDYT'in gelişimini ve kullanımını açıklamıştır. Gelişmiş bilgisayarlar, bu metodun dünya çapında kabul görmesine yardımcı olmuştur. Söz konusu metod günümüzde boğaların değerlendirilmesinde standart bir işlem olarak düşünülmektedir. Buna rağmen, isabetli ve yansız döl kontrolü, genç boğanın genotipini belirleyen rastgele yarılarının oluşturduğu değeri doğru tahmin edemeyebilir. Bu nedenle, boğanın AK'ni kendi fenotipinden tahmin etmek için birçok girişimde yapılmıştır. Ne varki boğanın tip puantajından elde edilen değeri ile kızlarının

performansı arasındaki ilişki düşüktür. İskandinavya'lı araştırmacılar, süt üretimi açısından AK'ni tahmin için thyroxin hormonunun azalma değerini kullanmış ve bu iki özellik arasında yüksek korelasyon bulmuşlardır. Tilakaratne et al (1980), yüksek verimli ineklerde görülen metabolik stresi gerçekleştirmek için bogaları aç bırakmışlar, düşük ve yüksek AK'lı bogalardan elde edilen erkek buzagıları bu metotla ayıratılmışlardır. Ayrıca Schwab (1984), aç bırakılan bogaların plazma hormon seviyeleriyle döл ortalamaları arasında uygun korelasyonlar bulmuştur. Fakat, değişik deney sonuçları birbiriyle çok uyumlu değildir (Reinecke et al 1984). Bununla birlikte, genetik kurallar ile bağlantılı olarak süt üretim fizyolojisine ait bilgilerdeki ilerlemeler, bogaların süt üretimine ait genetik değerini çok daha doğru tahmin etmeyi sağlayacağı belirtilmektedir (Geldermann 1976).

Buraya kadar anlatılanları kısaca özetlemek gerekirse; genetik açıdan ıslah yapmanın ilk şartı, ıslah edilecek özellik veya özellikler için damızlıkta kullanılma şansı olabilecek her hayvanın damızlık değerini veya genetik değerini belirlemektir (Foley et al 1973). Bu aynı zamanda üzerinde durulan karakteri determine eden genlerin ortalama etkilerinin toplamının bulunması demektir.

Bir genin ortalama etkisi, o gene sahip genotiplerin populasyon ortalamasından sapmalarının ortalamasıdır. Bunu teoride elde etmek mümkündür. Fakat daha önce de açıkladığı gibi, hayvancılıkta ekonomik önemi olan verimler, düşük etkili

çok sayıda gen tarafından determine edilmektedir. Bu sebeple, bireylerin genotiplerini tespit etmek mümkün degildir. İşlemin pratige aktarılmasındaki bu güçlüğe karşılık, her bireyin dölune kendi genotipinin herhangi bir yarısını geçirmesi de hesaplama için bir kolaylık sağlamaktadır. Böylece damızlık adayının, populasyonu temsil eden bir grup hayvanla vereceği döllerin ortalamasının populasyon ortalamasından sapması, döllere aktarılan genlerin ortalama etkileri toplamı için de bir ölçü olacaktır. Bu sapma bireyin genotipik değerinin yarısına karşılık gelen bir ölçü olduğundan, bunun iki katının alınmasıyla da DD elde edilebilecektir.

Bu açıklamalardan da anlaşılabileceği gibi, bir hayvanın DD, döllerinin populasyon ortalamasından gösterdikleri fenotipik sapmaların ortalamasının iki katıdır ve;

$$DD_i = 2 * (\bar{Y}_i - \bar{P}_i) \quad (1.7)$$

şeklinde ifade edilebilir. İfadenin geçerliliği, doğal olarak, bireyin genotipinin rastgele herhangi bir yarısını taşıdığı kabul edilen döllerin sayısına bağlı olarak artacaktır. Ne var ki, dişilerin döl sayıları çoğunlukla sınırlı olduğundan, dişiler için bu eşitliğin güvenle kullanımı söz konusu olmaz. Bu yüzden, ifade genellikle erkekler için kullanılır. Eğer dişi başına döl sayısını artırıcı teknikler uygulamaya aktarılabilirse sınırlı da olsa, bu düşünceden hareketle dişiler için de DD hesaplanabilir.

Süt sigircılığında genetik ilerlemeye, bogaların önemli bir payı vardır ve ıslahı düşünülen populasyonda kullanılacak bogaların seçimi de yukarıdaki eşitlige uygun olarak yapılır. Fakat gerçekte durum hiçbir zaman bu kadar basit degildir. Bir başka ifadeyle, döl grubunun ortalaması ile populasyon ortalaması arasındaki farkın sadece bogalardan kaynaklanması ve bunun bogayı temsil edecek güvenilirlikte olması söz konusu degildir. Örneğin, her babanın çiftleştiği ana gruplarının farklı değerli olmaları veya kız gruplarının maruz kaldıkları çevre şartlarının farklılığı yada boga başına kız sayılarının az veya eşit olamaması söz konusu olabilir. Bunlar ve bunlara benzer etkiler dikkate alınır ise kız grupları arasındaki farkların sadece bogadan kaynaklandığını, dolayısıyla hesaplanan DD'nin doğru olduğunu ileri sürmek mümkün olamaz.

DD teorisinin gerektirdiği koşullar sağlananın bile, kızların populasyon ortalamasından farklıları dikkate alındığı için, bogaların damızlık değerleri populasyondan populasyona değişebilir. Örneğin, kızlarının ortalaması 6000 Kg olan bir boğanın DD, ortalaması 5000 Kg olan bir populasyon için +2000 olduğu halde kızlarının ortalaması 8000 Kg olan bir boğanın, ortalaması 9000 Kg olan bir populasyon için damızlık değeri -2000 olarak bulunur. Böyle durumlarda, bogaları benzer bazda mukayese etmek gereklidir. Bu da populasyon ortalamasını içeren bir değerlendirmeyle sağlanabilir. (1.7) eşitliğine populasyon ortalamasının eklenmesiyle DD, o populasyon için özelleştirilmiş olmaktan çıkar ve genel bir değer kazanmış olur.

$$MDD_i = 2 * (\bar{Y}_i - \bar{P}) + \bar{P} = 2\bar{Y}_i - \bar{P} \quad (1.8)$$

$MDD_i$  = i. boganın mutlak damızlık değeri,

$\bar{Y}_i$  = i. boganın kızlarının ortalaması,

$\bar{P}$  = populasyon ortalaması (Düzungüneş vd 1991).

Bu ifadeye yukarıda verilen örnek uygulandığında, farklı iki populasyonda kullanılan bogaların MDD 7000 Kg olarak hesaplanabilir

DD'ni tahminde muhtemel hata kaynaklarını en aza indirmek ve işlemleri hayvancılık pratigine uygun kilmak için degişik yollar izlenmiştir. Önceleri sapma meydana getiren çevre faktörleri bakımından, verilerin standartizasyonu yoluna gidildigi gibi faktörler içi değerlendirmeler de yapılmıştır. Daha sonraları, sapma meydana getiren genetik ve çevresel faktörleri içeren doğrusal modeller geliştirilmiştir. Eu çalışmadaki amaç da hata kaynaklarını en aza indirmek için geliştirilen metodlardan dünyada çok kullanılmış ve kullanılmakta olan,

- Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma Metodu (SAK)
- Çağdaşları Karşılaştırma Metodu (ÇK)
- Doğrusal Modeller

incelenecektir.

## 2. KAYNAK ARAŞTIRMASI

Genetik ilerleme saglayabilmek için gerekli koşullardan biri, fenotipine göre damızlığa ayrılan hayvanların genotipik olarak da yüksek değerli olmalarıdır. Bu da ancak damızlık değerinin doğru olarak tahmini ile mümkündür. Hayvanların genotiplerini iyileştirmeye yönelik çalışmaların tümü bu amaca hizmet etmek üzere geliştirilmiştir. Ne varki, ülkelerin bilgi toplama sistemleri ve üzerinde durdukları özelliklerin nitelikleri başta olmak üzere farklı koşullara sahip olmaları, damızlık değerini tahminde farklı yaklaşımalar ve metodlar geliştirilmesine yol açmıştır. Bu konudaki yaklaşım farklılıklarını Bölüm 1.1.'de verilmeye çalışılmıştır.

Dünyada çeşitli teknolojilerin, özellikle bilgisayar teknolojisinin gelişimi damızlık değerinin tahminindeki doğruluğun artırılmasını hedefleyen yeni metodların ortaya atılmasına ve kullanımına imkan sağlamıştır. Henderson tarafından 1973 yılında açıklanan fakat geçmişi 1950'li yıllara kadar uzanan EDYT методу ancak bilgisayar teknolojisinde sağlanan ilerlemelerle damızlık değeri tahmininde geniş ölçüde kullanılabilir hale gelmiştir. Günümüzde özellikle gelişmiş ülkelerde kullanılan bu metod hızla diğer ülkeler tarafından da benimsenmektedir. DD tahmininde mevcut metodların kaç ülke tarafından kullanıldığına ilişkin bilgi Çizelge 2.1.'de verilmiştir. Çizelgede de görüldüğü gibi 1988 yılında 27 ülke içerisinde sadece 5'inde CK metodу diğerlerinde de EDYT yöntemleri kullanılmaktadır. Bilgisayar teknolojisindeki

illerlemelere bağlı olarak EDYT yöntemleri içinde Boga Modeli'ne göre daha karmaşık olan fakat sonuçta daha fazla bilgi veren Hayvan Modeli (Animal Model)'nın kullanımını yaygınlaşmıştır (Çizelge 2.1).

**Çizelge 2.1.** 1988-1992'de bogaların DD'ni tahmin için farklı metotları kullanan Ülke sayıları (Philipsson and Banos 1992)

Damızlık Degeri Metotları	1988	1992
EDYT Yöntemleri		
- Hayvan Modeli	4	12
- Boga Modeli	14	7
- Boga/MGS Modeli	4	4
Çağdaşları Karşılaştırma	5	4

Bu metotlar ve metot içinde bulunan değişik modeller arasında kullanılan bilgiler, kabul edilen varsayımlar ve uygulama kolaylığı açısından farklılıklar mevcuttur. Eu yüzden özellikle gelişmekte olan ülkeler, kendi şartlarında hem uygulama açısından kolay, hem de mümkün olduğunda doğru tahmin veren metot veya metotları tespit için çeşitli araştırmalar yapmaktadır. Bu araştırmalarda daha çok farklı metotlarla elde edilen tahmin değerleri arasındaki korelasyonlar ve tahmin değerlerinin hata varyanslarının azlığı üzerinde durulmaktadır.

Yaklaşık 500 kg. canlı ağırlıkta kesilen hayvanların karkas ağırlığının, yaşa bölünmesiyle elde edilen günlük karkas ağırlık artışı bakımından Simental(S), Kırmızı Alaca(KA), KA x S, KA x (KA x S) ve Siyah Alaca(SA) genotipinde olan bogaların DD'leri Schneeberger et al (1977) tarafından dört farklı metotla

hesaplanmıştır. Araştıracılar herhangi bir hayvanda ölçülen değeri(gözlem değerini) tanımlamak için aşağıdaki eşitliği kullanmışlardır.

$$Y_{ijklmn} = B_i + S_{ij} + G_k + H_{kl} + D_m + e_{ijklmn}$$

$Y_{ijklmn}$  = i. ırk grubundaki j. babanın k cinsiyetinde l sürüsünde bulunan m anasından olma n. dölünün ortalama günlük karkas ağırlık artışı,

$B_i$  = i. ırk grubunun etkisi (Simental, %50 KA, %75 KA ve Siyah Alaca olmak üzere dört hali söz konusudur),

$S_{ij}$  = i. ırk grubundaki j. babanın etki miktarı,

$G_k$  = k. cinsiyetin etkisi(Erkek ve kastre),

$H_{kl}$  = k. cinsiyette l. sürünen etkisi,

$D_m$  = Ana yaşıının etkisi(Düve veya inek),

$e_{ijklmn}$  = Hata.

Ortalama günlük karkas ağırlık artışına ait kalıtım derecesi ( $h^2$ ), önceki araştırmalara dayanılarak 0.25 kabul edilmiş ve bu özellik bakımından, babaların damızlık değerini tahminde kullanılan dört metot da şu şekilde açıklanmıştır.

#### i) Regrese edilmiş en küçük kareler(REK) metodu

DD'ni tahmin için kabul edilen model,

$$Y = Zu + Xb + e$$

eşitliği ile ifade edilmiştir. Burada;

$y$  = Gözlemler vektörü,

(1)

$Z$  = Babalara ait dizayn matrisi,

-----  
1

Dizayn matrisi, 1 ve 0 değerlerinden oluşan bir matristir. Matrisin satır sayısı gözlem sayısına, sütun sayısı da modelde yer alan faktörlerin halleri toplamına eşittir. 1 değeri faktörün hangi halinin gözlem değerini etkiledigini belirtmektedir.

$X$  = Diger bütün etkilere ait dizayn matrisi,

$u$  = Babaların etki miktarı veya aktarım kabiliyeti ( $u^2$  damızlık degeri),

$b$  = Diger bütün faktörlerin etki miktarları (Sabit faktörler),

$e$  = Hata.

Modelin temel varsayımları;  $E(e)=0$  ve  $Var(e)=I\sigma^2_e$  dir ve babalara ait etki miktarları  $W_j/(W_j+K)$ 'den elde edilen değerlerle tartılmıştır.

$W_j/(W_j+K)$  eşitliği her babaya düşen kız sayısı ve  $h^2$ 'yi dikkate alan tari faktörüdür. Burada  $K$  ve  $W_j$ ;

$$K = \sigma^2_e / \sigma^2_s = (4 - h^2) / h^2 = 15 \quad (h^2=0.25),$$

$$W_j = \Sigma \frac{N_{kj} * n_{kj}}{N_{kj} + n_{kj}} \quad \text{eşitliği ile hesaplanmıştır.}$$

$N_{kj}$  = j. bogenin döllerini hariç, k. sürüde bulunan bütün döller,

$n_{kj}$  = k. sürüde bulunan j bogasına ait bütün döller.

ii) Her babanın döllerine ait yalnız bir(ilk) verimin kullanıldığı EDYT metodu (EDYT2)

$$\begin{bmatrix} ZZ + I\sigma^2_e / \sigma^2_s & Z'X \\ X'Z & X'X \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} u \\ b \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} Z'y \\ X'y \end{bmatrix}$$

$$\frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_s} = 15 \quad \text{hesaplanmış ve}$$

$E(u)=0$ ,  $Var(u)=I\sigma^2_s$  olarak kabul edilmiştir.

iii) İlk verimle birlikte akrabalığı da dikkate alan EDYT metodu (EDYTA2)

Babalar arası akrabalığı da dikkate almayı amaçlayan metotta kabul edilen modelin matris gösterimi aşağıda verilmiştir.

$$\begin{bmatrix} ZZ + A^{-1} \sigma^2_e / \sigma^2_s & Z'X \\ X'Z & X'X \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} u \\ b \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} Z'y \\ X'y \end{bmatrix}$$

Babalara ait varyans-kovaryans matrisi  $\text{Var}(u) = A\sigma^2_s$  olarak kabul edilmiştir. Burada A, babalar arası akrabalık matrisidir.

iv. Çağdaşları karşılaştırma(ÇK) metodu

Farklı modifikasyonları olan metot, Robertson and Rendel (1954) tarafından önerildiği şekilde kullanılmıştır. Degerlendirmeyi genotipler içi yapan araştırmacılar, Simental genotipinde olan babalar için farklı metodlarla tahmin edilen DD'lerinin sıralamaları arasındaki korrelasyonları, Çizelge 2.2.'deki gibi bulmuşlardır.

Çizelge 2.2. Simental bogaların farklı yöntemlerle hesaplanan DD'leri arasındaki sıralama korelasyonları

EDYT2	EDYTA2	ÇK
REK	0.9992	0.9733
EDYT2	0.9852	0.9747
EDYTA2		0.9630

Bu sonuçlara göre, farklı tahmin metodlarının bogaların DD'lerine göre sıralanmalarını etkilemediği ve hesaplanan DD'leri arasındaki farklar incelendiğinde de REK ile EDYT metodundan elde edilen tahminlerin birbirine çok yakın olduğu bildirilmiştir.

Gurnani and Nagarcenkar (1982), döllerinin 1936 ile 1971 yılları arasında bulunan ilk laktasyon verimlerini kullanarak 28 bogenin DD'lerini tahmin etmişlerdir. Laktasyon uzunlukları 100 günden az olan ve 305 günlük süt verimini tamamlamadan sürüden çıkan inekleri dikkate almayan araştırcılar, en az 10 dölu olan bogaları değerlendirmeye almışlardır. DD tahminlerini EDYT2 ve ÇK metoduyla yapmışlardır. EDYT2 metoduyla tahminde,

$$y_{ijkl} = \mu + X_i + t_j + s_k + b_{yz}(Z_{ijkl} - \bar{Z}) + e_{ijkl}$$

modelini kullanmışlardır. Burada;

$y_{ijkl}$  = i. yılda j. mevsimde k. babanın l. kızının ilk laktasyon süt verimi,

$\mu$  = Populasyon ortalaması,

$X_i$  = i. yılın etkisi  $i=1.....36$  (Sabit faktör),

$t_j$  = j. mevsimin etkisi  $j=1..3$  (Sabit faktör),

$s_k$  = K. babanın etkisi  $k=1...28$  (Şansa bağlı faktör),  $E(s)=0$  ve  $V(s) = \sigma^2_s$ ,

$b_{yz}$  = Y (süt verimi)'in Z (ilk buzgilama yaşı)'ye göre regresyon katsayıısı,

$\bar{Z}$  = İlk buzgilama yaşıının populasyon ortalaması,

$e_{ijkl}$  = Hata (Ortalama 0, varyans  $\sigma^2_e$  olduğu kabul edilmiştir.)

Mevsim faktörünün halleri belirlenirken, iklim koşulları ve ay ortalamaları arası verim farkının en az olması üzerinde durulmuştur. Bunun sonucu olarak;

Kasım - Şubat arası 1. mevsim,

Mart - Haziran arası 2. mevsim,

Temmuz - Ekim arası 3. mevsim

olarak nitelenmiştir.

İlk laktasyon süt verimine ait kalıtım derecesini ( $h^2$ ) 0.193 kabul eden araştırmacılar  $\sigma_e^2/\sigma_s^2$  unsurunu da 19.725 olarak hesaplamışlardır.

ÇK metodunda,

$$DD = (\bar{X} + s_i) = \frac{n_i * h^2}{4 + (n_i - 1) * h^2} * (\bar{X}_i - \bar{X}) + \bar{X}$$

denklemini kullanmışlardır. Kalıtım derecesi yine 0.193 olarak alınmıştır. Burada;

$n_i$  = i. babanın kızlarının sayısı,

$\bar{X}_i$  = i. babanın kızlarının ilk laktasyon süt verimi ortalaması,

$\bar{X}$  = Süt verimi bakımından populasyon ortalamasıdır.

Araştırmacılar bu iki metotla elde edilen DD'nin sıralamaları arasındaki korelasyonu 0.915, hesaplanan DD'leri arasındaki korelasyonu da 0.824 bulmuşlardır( $p < 0.01$ ).

Cordovi et al (1986), süt verimi bakımından, 20 Holstein-Friesian bogenin DD'lerini dört farklı metotla tahmin etmişlerdir. Bunlar;

- ÇK metodu(1),
- EK metodu(2),
- İlk laktasyon verimini dikkate alan EDYT metodu (EDYT2) (3)
- İlk laktasyon verimiyle birlikte akrabalığı da dikkate alan EDYT metodu (EDYTA2) (4).

Toplam 1274 laktasyonu dikkate alan araştırmacılar 4 metotla elde ettikleri DD'lerinin sıralamaları arasında 0.95 - 0.99 korelasyon hesaplamışlardır.

Khinkovski et al (1986), 40000'i ilk laktasyon olmak üzere yaklaşık 500000 laktasyona ait süt verimi, yağ oranı ve yağ verimi üzerinde durmuşlardır. En az 25 kızı olan bogaları değerlendirmeye alan araştırmacılar bu verimler bakımından, farklı genotiplerden (Holstein-Friesian, Friesian, Brown Swiss, Danimarka Kırmızısı, Bulgaristan Simentali, Bulgaristan Kırmızısı, Friesian ve melezleri, Ayrshire ve melezleri ve Brown Swiss ve melezleri) bogaların DD'ni iki farklı metot ile tahmin etmişlerdir. Çeşitli genotipleri dikkate alarak yapılan değerlendirmelerde, bogaların ÇK ve EDYT metodu ile tahmin edilen DD'leri arasındaki korelasyonlar süt verimi için 0.04-0.49 arasında (Ayrshire dişileri dahil edildiğinde -0.79); % yağ verimi için; 0.03-0.48 arasında (Ayrshire ve Brown Swiss dişiler dahil edildiğinde -0.73 ve 0.09); yağ verimi için de 0.07-0.33 arasında (Ayrshire dişiler dahil edildiğinde -0.67) bulunmuştur. Bu sonuçları değerlendiren araştırmacılar, Bulgaristan'da kullanıldığı şekliyle ÇK metodunun etkinliğinin yetersiz olduğunu ileri sürmüştürlerdir.

Sobek (1986), Polonyanın Poznan Bölgesi'nde bulunan pedigrili sürülerde, en az 30 dölu olan 62 bogenin yağ verimi bakımından damızlık değerini aşağıda açıklanan metodlarla tahmin etmiştir.

(i) ÇK metodu'na göre,

$$RGV = \frac{2 * b * (\bar{X}_i - X)}{\bar{X}} * 100$$

formülünü kullanarak DD tahminlerini elde etmiştir.

RGV= Nisbi damızlık değeri,

b= Regresyon katsayısı,

$(\bar{X}_i - X)$ = Kızlar ile çağdaşları arasındaki fark,

$\bar{X}$ = Bogenin değerlendirmeye dahil döllerinin bulunduğu sürülerin sıralı ortalamasıdır.

(ii) EDYT2 metoduna göre,

$$Y = Xb + Zu + e$$

genel modelden yararlanarak, farklı değişkenleri dikkate alan aşağıdaki modelleri uygulamak suretiyle DD tahminlerini yapmıştır.

#### Model 1

$$y_{ij} = \mu + s_i + e_{ij}$$

$\mu$ = Populasyon ortalaması,

$s_i$ = Boga etkisi (Şansa bağlı faktör),

$e_{ij}$ = Hata.

## Model 2

$$Y_{ijk} = \mu + g_i + s_{ij} + e_{ijk}$$

$g_i$  = Genetik grupların etkisi (Sabit faktör),

$s_{ij}$  = Boga etkisi (Şansa bağlı faktör),  $e_{ijk}$  = Hata.

## Model 3

$$Y_{ijk1} = \mu + g_i + s_{ij} + HYS_k + e_{ijk}$$

$HYS_k$  = Sürü-Yıl-Mevsim etkisi,  $e_{ijk1}$  = Hata.

Çalışmada yağ verimine ait kalıtım derecesi ( $h^2$ ) 0.30 olarak alınmış ve yukarıdaki metodları kullanarak tahmin edilen DD'lerinin sıralamaları arası korrelasyon katsayıları Çizelge 2.3.'deki gibi bulunmuştur.

Çizelge 2.3. DD'lerine ait sıralamalar arası korelasyonlar

	Model 1	Model 2	Model 3
Ç.K.	*	*	-0.031
Model 1	0.795	0.627	*
Model 2		0.799	-0.076
			-0.167

\*: P<0.01

Sobek(1986), 4 farklı metotla 62 bogayı değerlendirdiği bu çalışmada; sürü, yıl ve buzağılama mevsimi gibi çevresel faktörleri içermeyen (ÇK, Model1 ve Model2) metodlarla tahmin ettiği damızlık değerlerinin sıralamaları arası korelasyonu önemli bulmuştur. Buna karşılık, bahsedilen çevresel faktörleri içeren modelle (Model3) diğer metodlardan elde ettiği DD sıralamaları arası korrelasyonu da öneksiz bulmuştur. Ayrıca,

araştırmacı bu çalışmayı benzer fenotipik özellikler gösteren sütçü sigır sürüleri için sınırlandırmış olmakla birlikte, belirtilen çevresel faktörlerin fenotipik değeri, sonuçta da bogaların isabetli değerlendirilmesini önemli derecede etkiledigini tespit etmiştir. Araştırmadan elde edilen sonuçları aşağıdaki şekilde özetlemiştir.

- i) Bogaların DD'i sıralamaları Üzerine, sabit faktör olarak alınan genetik grupların etkisi önemli degildir.
- ii) DD'leri sıralaması sürü-yıl-mevsim gibi diğer sabit faktörlerden önemli derecede etkilenmektedir.
- iii) Model1 ve Model2'den elde edilen sonuçlar, ÇK'dan elde edilenlerle uyum içerisindeindir.
- iv) Sürü-yıl-mevsim etkisinin dikkate alındığı durumda, ÇK metodu yerine EDYT'nin kullanılması uygundur.

Ignashkina and Kuznetsov (1989), Rusya Black Pied ırkından 846 bogenin 76 sürüde bulunan kızlarının 132570 ilk laktasyon süt verimlerini kullanmışlardır. Sürü, yıl ve mevsimi de hesaplamalara dahil eden araştırmacılar aynı bogenin ÇK ve EDYT metotlarıyla tahmin edilen DD'ne ait korelasyonları 0.835-0.913 arasında ve metotların isabet derecesini de sırayla % 75 ve % 80.4 olarak bulmuşlardır.

Mityu'ko (1989), de yine Rusya Black Pied ırkından olan 371 bogenin 21 sürüde bulunan 9883 dişi döluünün ilk laktasyon süt verimi, yağ oranı ve yağ verimini kullanarak bogaların DD'ni 3 farklı metotla (ÇK, Modifiye Edilmiş Çağdaşları Karşılaştırma(MÇK) ve EDYT metotları) tahmin etmiş ve bu metotlarla hesaplanan DD'leri arasındaki korelasyonları sırasıyla

0.963-0.976, 0.947-0.958 ve 0.956-0.970 olarak bulmuştur. EDYT'ın doğruluğunu tam kabul eden araştırmacı ÇK ve MÇK metodlarının buna göre doğruluğunu da sırasıyla 0.964 ile 0.982 olarak hesaplamıştır.

Mingfeng et al (1988), Xinong Saanen tekelerinin süt verimi bakımından damızlık değerini, EDYT metodunun çeşitli modifikasyonları ile tahmin etmişlerdir. Araştırmada 58 tekenin 1960 ile 1985 yılları arasında bulunan 675 dişi dölenin 300 günlük ilk laktasyon süt verimlerini kullanmışlardır. Çalışmada gözlem değerleri,

$$Y_{ijkl} = \mu + h_i + g_j + s_{jk} + e_{ijkl}$$

temel eşitliği ile ifade edilmiştir. Yalnız DD'nin hesaplanmasıında bu eşitlikten bazı ayrılışlar söz konusu olmuştur. Bu eşitliği esas alan 4 farklı model uygulanmıştır.

#### Model 1 (EDYT2)

Uygulanan bu model babaların döllerine ait ilk laktasyon verimlerini kullanmaktadır. Söz konusu modelin  $h$  ve  $s$  için çözülmüş matris gösterimi aşağıda verilmiştir.

$$\begin{bmatrix} h \\ s \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'X & X'Z \\ Z'X & Z'Z + 115 \end{bmatrix}^{-1} * \begin{bmatrix} X'y \\ Z'y \end{bmatrix}$$

**Model 2 (EDYTA2)**

Tekeler arası akrabagı dikkate almak için, Model 1'deki karışık model eşitliklerinde  $I$  matrisi yerine  $A^{-1}$  (akrabalık matrisinin inversi) kullanılmıştır.

**Model 3 (EDYT2)**

Tekeleri, yaşlarına göre gruplamak suretiyle genetik gruplar oluşturulmuş, Model 1'e bu unsur eklenmiştir.

**Model 4 (EDYTA2)**

Model 4; Model 3'e  $A^{-1}$  matrisi eklenerek oluşturulmuştur.

Yukarıda bahsedilen 4 farklı model ile elde edilen DD'leri ve bunların sıralamaları arasındaki korelasyonlar Çizelge 2.4'te verilmiştir.

**Çizelge 2.4. DD'leri ve \* bunların sıralamalararası korelasyonları**

Model	1	2	3	4
1	...	0.987	0.505	0.458
2	0.900	...	0.504	0.461
3	0.458	0.446	...	0.998
4	0.340	0.325	0.993	...

\*: Üst diagonal DD'leri, alt diagonal de sıralamalararası korelasyonları göstermektedir.

Mingfeng et al (1988), bu 4 metodla buldukları DD'leri arasındaki korelasyonun sıralamalar arasındaki korelesyonдан daha büyük olduğunu bildirmiştir.

Geissler and Zelfel (1988), Almanya'nın iki bölgesinde 480 ve 527 bogenin sırasıyla 17742 ve 229390 kızına ait verimleri kullanarak ÇK ve EDYT metodlarıyla DD tahminleri yapmıştır. İki metodun da tatminkar sonuç verdigini belirten araştırcılar, EDYT metodunda isabetin süt verimi için % 14, yağ oranı için % 2.3 ve yağ verimi için de % 23.7 daha yüksek olduğunu belirtmişlerdir.

Werf et al (1990), simulasyon yoluyla 15 yıllık verimleri kullanarak sürü-içi EDYT ve Seleksiyon İndeksi Metotlarını kullanarak inekler için elde ettikleri DD'lerini karşılaştırmışlardır. Bu iki metotla tahmin edilen DD'leri arası korelasyon inekler selekte edildiginde 0.94; selekte edilmediginde de 0.98 olarak bulunmuştur. Sürü-yıl-mevsim faktörünün hallerinin sayılarındaki değişimin DD'ne ait hata kareler ortalamasına etkisi düşük olmuştur. Araştırcılar seleksiyon indeksi metodıyla genetik yönelimin gerçeginden daha küçük bulunduğu ve hata kareler ortalamasının EDYT metodundakinden % 14 daha büyük tahmin edildigini bildirmiştir. Ineklerin seçilmiş olmasından ileri gelen sapmanın çok daha doğru tahminini verdiği için EDYT metodunun tercih edildigi vurgulanmıştır.

Süt, yağ oranı ve yağ verimi bakımından 35 bogenin damızlık değerlerinin tespit edilmesini amaçlayan Jovanovac

(1990), bunun için boğaların 4801 kızına ait 305 günlük ilk laktasyon verimlerini dikkate almıştır. EDYT ve ÇK metodıyla tahmin edilen DD'leri arasındaki Korelasyonları da süt verimi, yağ oranı ve yağ verimi için sırasıyla 0.77, 0.88 ve 0.69 olarak bulmuştur.

Taneja and Rai (1990), 29 Holstein boğanın melez (bilinmiyor) 1257 ve 8 Sahiwal boğanın da Sahiwal x Friesian melezi 519 kızına ait verilerden yararlanarak; SAK metodu(1), laktasyon süresi ve iki doğum arası süre bakımından düzeltilmiş bir indeks(2), En Küçük Kareler(EK) metodu(3), Regrese Edilmiş En Küçük Kareler(REK) metodu(4) ve EDYT2(5) metodu ile boğaların DD'lerini tahmin etmişlerdir. Değişik metodlarla tahmin edilen DD'leri arasındaki sıralama Korelasyonlarını yüksek bulan araştırmacılar EDYT2 ile diğer 4 metod arasındaki Korelasyonları da 0.80'den büyük bulmuşlardır. Ayrıca her hayvanın az sayıda dölünün olmasından kaynaklanan sapmanın da EDYT2 ve REK metodlarında en küçük olduğunu bildirmiştirlerdir.

Polonya'da genel olarak, büyük sürülerden elde edilen verilere göre seçilen sütçü boğaların küçük sürülerde(10 baştan küçük) kullanımının yetersiz kalabileceğini ileri süren Zuk et al (1981), aynı boğanın farklı sürülerdeki döllerine göre genetik değerlerinin birbiriyle benzerliğini irdelemiştir. Bunun için, Polonya'nın güney batı bölgesinde 1978 ile 1988 yılları arasında küçük sürülerde bulunan 7032, büyük sürülerde bulunan 16937 baş Kırmızı Beyaz ineğin, ilk laktasyon verimleri kullanılmıştır. Daha sonra köyleri, devlet işletmelerini ve üretim seviyelerini

dikkate alarak sürü-yıl grupları oluşturulmuş ve bunlar da kendi içlerinde rastgele 2 kısma ayrılmışlardır. Her grupta, iki farklı metotla (ÇK ve EDYT2) elde edilen DD tahminlerinin sıralamalar arası korelasyon katsayıları negatif veya sıfıra yakın bulunmuştur. Boğaların küçük ve büyük sürülerdeki kızlarına göre bulunan DD'lerini karşılaştırılan araştırmacılar, bunlar arasındaki korelasyon katsayılarının hemen hemen negatif çıktılığını ve bu yönelimin EDYT metodunda daha açık olduğunu vurgulamışlardır.

### 3. MATERİYAL VE METOT

#### 3.1 Materyal

Araştırmancının materyalini Ankara Şeker Fabrikası Çiftliği Siyah-Alaca sığır sürüsünde 1975-1991 yılları arasında tutulan kayıtlar oluşturmuştur. Söz konusu sürede pedigiri olan 48 baba ile bu babalara 1-20 arasında dağılan ve laktasyon sayıları 1-6 arasında değişen toplam 195 döл tespit edilmiştir. Bu bilgilerden yararlanarak, dört ve daha fazla diş döлüne ait verim değerleri olan 13 baba seçilmiş ve bunların 131 döлünün 1981-1991 yılları arasında bulunan toplam 322 laktasyon süt verimi kullanılmıştır. Laktasyonların yıllara, laktasyon sırasına ve bogalara göre dağılımı Çizege 3.1.'de verilmiştir.

Ineklerin laktasyon süt verimlerinin hesaplanması, dünyanın çeşitli ülkelerinde farklı metotlar kullanılmaktadır. Bu çalışmada, laktasyon süt verimleri ve laktasyon süreleri bunlardan en yaygın şekilde kullanılmakta olan ve Gönül (1971) tarafından Hollanda Metodu olarak isimlendirilen metot ile hesaplanmıştır. Metodun esası, laktasyon süresi ve günlük ortalama süt veriminin hesaplanmasıdır. Bu çalışmada her laktasyonun başlama tarihi, 15 günde bir yapılan süt kontrolleri ve ineklerin laktasyonu tamamlama nedenleri çiftlik kayıtlarından tespit edilmiştir.

Laktasyon süresi, laktasyonun doğumun ertesi günü başladığı ve son kontrolden sonra, kontrol aralığının yarısı kadar devam ettiği varsayımyla hesaplanmıştır. Laktasyon

Cizelge 3.1. Değerlendirilmeye dahil verimlerin yıllara, bölgelere ve lektasyon sırasına dağılımı

Y I L	LAKT. SIRASI	E O G A N U M A R A S I												TOPLAM LAKTASION	
		385	407	305	409	410	585	2847	3257	3303	3495	3519	3559	3641	
81	1		4	-											11
82	1		7	3	2										12
	2		2	5											7
83	1		4	1	5	5									15
	2		6	4	1										11
	3		2	4											6
84	1			1		4									5
	2		4	1	5	2									12
	3		4	3	1										6
	4		1	2											3
85	1	3				7	1								11
	2			1		4									5
	3		3	2	5	1									11
	4		3	1	1										5
86	1	7		1		4		3							14
	2	2				6									5
	3		1		2										3
	4		1	1	2	1									5
87	1	6				1		3	1						11
	2	5				4		1							10
	3				2										2
	4	1	1		1										3
88	1					1	9	5		1					16
	2	8				2		2	1						13
	3	4				3		1	1						9
89	1						6	2			1	1			10
	2					1	7	4							12
	3	7				2									9
	4	3				2		1							6
90	1						3	4		4	2	3	4		20
	2						6	1			1				8
	3	1				1	4	3	2	1					12
	4	3				2									5
91	1						2	1		2	1				6
	2						2	1			1		3		7
	3						5			1					6
	4	1				1	2	1							5
T O P L A H	DOL (1LK LAKT.)	16	15	12	7	16	7	20	12	6	8	4	4	4	131
	LAKTAS YON	50	42	35	22	35	25	46	22	13	12	6	4	7	322

süresinin bulunmasında,

$$L = n * KA - ( KA/2 - A ) \quad (3.1)$$

formülü kullanılmıştır. Burada;

$L$  = Laktasyon Süresi,

$n$  = Kontrol Sayısı,

$KA$  = Kontrol Aralığı,

$A$  = Dogum ile İlk Kontrol Arasında Geçen Süredir.

İşletmede süt kontrolleri 15 günde bir yapıldığı için formül;

$$L = n * 15.2 - ( 7.6 - A ) \quad (3.2)$$

şeklinde değiştirilmiştir.

Süt verim kontrollerinden günlük ortalama süt veriminin hesaplanabilmesi için de;

$$GOSV = \sum_{i=1}^n KV_i/n \quad (3.3)$$

formülü kullanılmıştır. Burada;

$GOSV$  = Günlük Ortalama Süt Verimi,

$KV_i$  = i. Kontroldeki süt verimi,

$n$  = Kontrol sayısıdır.

Bir laktasyondaki süt verimi de laktasyon süresi ile günlük ortalama süt veriminin çarpılmasıyla elde edilmiştir (Eliçin ve Akman 1984).

$$SV = L * GOSV \quad (3.4)$$

İneklerde ait toplam 322 laktasyon süt veriminin hesaplanması için, DBASE III PLUS bilgisayar programlama dilinden yararlanılarak hazırlanan bir bilgisayar programı kullanılmıştır.

Elde edilen bu süt verimlerinden yararlanabilmek için mevcut kayıtlardan 305 günlük süt verimleri ayrıca hesaplanmıştır. Hesaplamalarda aşağıdaki hususlar dikkate alınmıştır.

1) Damızlık veya kasaplık olarak satılma, ölüm gibi genellikle genotipe bağlı olmayan nedenlerle 305 günden önce biten laktasyonlar "tamamlanmamış laktasyon" kabul edilmiş ve Türkiye'de Eker vd (1982) tarafından, Siyah-Alaca ırkı için hesaplanan katsayılar kullanılarak 305 günlük verim tahmin edilmiştir.

2) Normal kuruya çıkma, mastitis, ketosis ve diğer hastalıklar gibi kısmen de olsa genotipe bağlı nedenlerle biten laktasyonlar, "tamamlanmış laktasyon" kabul edilmiş ve düzeltme yapılmamıştır. Ancak bu tip laktasyonlar 180 günden daha kısa olduklarıında değerlendirilmeye de alınmamışlardır.

3) Laktsyon süresi 305 günden fazla ise, 305 günlük verim, süt kontrol sonuçlarından hesaplanmıştır. Süt kontrolleri 15 günde bir yapıldığından 305 günlük verimin bulunmasında ilk 20 kontrol değerlerinden yararlanılmıştır. Bunun için ilk 20 süt kontrol sonucuna dayalı GOSV ve laktasyon süresi hesaplanmıştır.

Eğer 20 kontrol dikkate alınarak hesaplanan laktasyon süresi 305 günden küçük ise, bunun 305 günden farkı 21. kontrol süt verimiyle çarpılarak bulunan değer, ilk 20 kontrol kullanılarak bulunan süt verimine eklenmiştir.

ilk 20 kontrol sonucu bulunan laktasyon uzunluğu 305 günden büyük olduğunda da bunun 305 günden farkı 20. kontroldeki süt verimiyle çarpılarak, ilk 20 kontolle bulunan değerden çıkarılmıştır.

Süt verimine etkili olan yıl faktörünün belirlenmesinde takvim yılına uyulmamıştır. Çünkü, laktasyonların herbirinin başlama ve bitiş yılları farklı olabilmektedir. Bundan dolayı, aynı hayvan için aynı yılda başlayan iki laktasyon söz konusu olduğunda, laktasyonun ilk 6 ayını içeren yıl, o laktasyonun başlama yılı olarak kabul edilmiştir. Bunun sonucu olarak da takip eden laktasyon, başladığı yıla değil bir sonraki yıla dahil edilmiş ve böylece, her hayvan için her yılda bir laktasyon olacak şekilde düzenleme gerçekleştirilmiştir.

### 3.2. METOT

Araştırmada kullanılan damızlık değeri tahmin metodları mümkün olduğunca detaylı bir şekilde açıklanmaya çalışılmıştır.

#### 3.2.1 Sürü arkadaşlarını karşılaştırma(SAK) metodu

Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma(SAK) metodu 1954 yılında geliştirilmiştir. Aynı sürüde yılın yaklaşık olarak aynı zamanında verime başlayan ineklere sürü arkadaşları(SA) denir. Böylece bir boganın kızları, SA kabul edilen diğer bogaların kızları ile karşılaştırılır. Bu karşılaştırmaların bütünü bogalar arası farkların bir tahminini verir (Schmidt and Van Vleck 1974).

Bu metotta bir inegin verimiyle, aynı sürüde aynı zamanda sağlanan diğer ineklerin verimi karşılaştırıldığından bütün ineklerin aynı makro çevre etkilerine maruz kaldıkları, dolayısıyla çevrenin her gruba etkisinin aynı olduğu düşünülür. Bunun yanında, bu metoda dayalı DD tahmimlerinde aşağıdaki varsayımlar kabul edilir.

- 1) Populasyonda genetik ilerleme yoktur. Karşılaştırılacak inek ve SA yaşları ihmal edilerek, aynı genetik seviyeli bir populasyonun rastgele örnekleri olarak kabul edilirler.
- 2) Bütün SA'nın ana ve babaları, populasyonun genetik değerinin rastgele örnekleridir.
- 3) Bütün ineklerin SA, aynı ayıklama hızına maruz bırakılmışlardır.

4) Karşılaştırılacak inek ve SA aynı bakım ve beslemeye tabi tutulmuşlardır. Mevcut durum bu varsayımların dışında olduğu zaman, DD tahminlerinde sapmalar söz konusu olabilir.

Herhangi bir özellik bakımından hayvanların DD tahmin edilirken kullanılan verilerin, üzerinde durulan özelliği etkileyen faktörler bakımından standardize edilmeleri gereklidir. Süt verimi bakımından hayvanların DD'leri tahminleri yapılırken de laktasyon süresi, laktasyon sırası, hayvanın yaşı ve günlük sagım sayısı dikkate alınarak gerekli düzeltmeler yapılır. Bu çalışmada karşılaştırmalar, aynı yılda aynı laktasyon sırasında olanlar arasında yapıldığı için süt verimi sadece 305 güne göre düzelttilmiştir. Dogum mevsiminin etkisi önemsiz bulundugundan, bu faktör bakımından bir düzeltmeye gerek duyulmamıştır.

Bir inegin DD'nin tahmin edilmesinde aşağıdaki formül kullanılmıştır.

$$DD_i = h^2_n * \frac{\sum_k (P_{ijk} - \bar{P}_{jk})}{n} \quad (3.5)$$

$DD_i$  = i. inegin damızlık değeri,

$n$  = inegin değerlendirmeye dahil verimlerinin sayısı,

$P_{ijk}$  = i. inegin j. yıldaki k. laktasyon verimi,

$\bar{P}_{jk}$  = j. yılda k. laktasyonda olan sürü arkadaşlarının üzerinde durulan verim bakımından ortalaması,

$h^2_n$  = inegin muhtelif dönemlerdeki verimlerinin sapmalarına ait kalitim derecesi olup,

$$h^2_n = \frac{n h^2}{1 + (n-1)r} \quad (3.6)$$

eşitliğiyle hesaplanmıştır. Burada;

$r$  (Tekrari anma derecesi) = 0.40,  $h^2$  (Kalitim derecesi) = 0.25 alınmıştır.

Bir boganın DD, döllerinin (3.5) sayılı formülle bulunan DD'lerinin ortalamasının iki katı olarak hesaplanır. Fakat her boganın eşit sayıda dölü olmadığından, DD'lerinin hesaplanmasında döl sayılarının da dikkate alınması gereklidir. Bu nedenle bogaların damızlık değerini hesaplamada kızlara ait DD ortalaması ile kız sayısını ( $n_d$ ) da dikkate alan  $b_{GP}$  değeri kullanılmıştır (Düzgüneş vd 1991).

$$b_{GP} = \frac{2 n_d h^2}{4 + (n_d - 1)h^2} \quad (3.7)$$

$$= 2 * \frac{n_d}{\frac{4 - h^2}{n_d + \frac{h^2}{h^2}}} = 2 * \frac{n_d}{\frac{n_d}{n_d + \delta}} = \frac{2n_d}{n_d + 15}$$

$$\delta = \frac{4 - h^2}{h^2} = 15 \quad (h^2 = 0.25).$$

### 3.2.2 Çagdaşları karşılaştırma(ÇK) metodu

Çagdaşları Karşılaştırma metodu, yalnızca ilk laktasyon verimlerinin kullanılması dışında SAK metodıyla aynı prensiplere sahiptir. Degerlendirilen hayvanların çağdaş oldukları ve ilk verimlerine yaklaşık olarak aynı zamanda başladıkları kabul edilir.

ÇK metodunun SAK metoduna göre bir çok avantajları vardır.

- 1) Kullanılan ilk verimlerin aynı zamanda başlamış olması, populasyondaki genetik yönelimin etkisini en aza indirir.
- 2) İlk verimlerin kullanımı, yaşa göre düzeltme yapma gereğini ortadan kaldırır ve böylece bu düzeltmeden kaynaklanacak sapmalar en aza indirilir.
- 3) İlk verimlerin kullanılması, daha sonraki verimlerin dahil edilmesiyle doğabilecek sapmalardan kaçınmaya imkan verir (Foley et al 1974).

ÇK bu avantajlarına rağmen, DD'ni tahminde kullanılacak birey sayısının SA göre yapılacak değerlendirmekinden daha az olmasının bir dezavantaj olduğu unutulmamalıdır. Çünkü her sürüde, SA olarak nitelenenlerin sayısı, çağdaş olarak nitelenenlerden daha çoktur. Bu kusuru gidermek için, genellikle ilk verim kayıtlarını kullanan bir çok ülke, artık SA'nın uygun olan bütün kayıtlarını kullanmaktadır.

Bu çalışmada ilk verimler belirtilen yıllara dağılmış durumdadır. Verimlerin yıllara göre düzeltilerek kullanılması yerine, değerlendirmeler yıllar içi yapılmıştır.

Inegin DD'nin tahmininde,

$$DD_i = P_i - \bar{P} \quad (3.8)$$

formülü kullanılmıştır.

$DD_i$  = i. Inegin damızlık değeri,

$P_i$  = i ineginin i. laktasyon süt verimi,

$\bar{P}$  = Damızlık değeri tahmin edilecek inegin veriminin bulunduğu yılda ilk laktasyonda olanların ortalaması.

Her bogenin farklı sayıda dölu olduğu için bogalara ait damızlık değeri, bogaların döllerinin sapmalarına ait ortalama (3.7) nolu eşitlikten elde edilen değer ile çarpılarak tahmin edilmiştir.

### 3.2.3. Dogrusal modeller

Tabiattaki olayların hangi şartlarda, nasıl olduğunu ve sonuçlandığını açıklamak için çeşitli modeller geliştirilmiş olup, bunlar deterministik veya nondeterministik (stokastik, probabilistik) olarak adlandırılmaktadır. Deterministik model; belirli bir olayın, belirli koşulların her yerine getirilişinde aynı şekilde sonuçlanacağı kabul edilen durumlar için

geliştirilmiştir. Bu modelin ifade ettiği bu tür olaylara kesin olaylar denir. Bunlar belirli koşulların sağlandığı her durumda, modele göre beklenen teorik sonuçla müşahede edilen (ampirik) sonuç arasında açık bir benzerlik vardır. Ne var ki, küçük de olsa, teorik sonuçla ampirik sonuç arasında farklar olacaktır. Bu farklar, modelin gerçegə uygunluğunu ifade etmeye engel olmayacak kadar küçüktür. Deterministik modelde ilişkiler hata terimi olmaksızın,

$$Y = f(X_1, \dots, X_k)$$

şeklinde fonksiyonel olarak da ifade edilebilir.

Deterministik modelin açıklamaya yetmediği, tesadüf olayları için nondeterministik modeller kullanılır. Tesadüf olayları; belirli koşulların her sağlanmasında farklı şekilde sonuçlandığından, fonksiyonel olarak ifade edilirken hata teriminin de fonksiyona dahil edilmesi gereklidir (Kavuncu 1991). Bu nedenle fonksiyon,

$$Y = f(X_1, \dots, X_k, \epsilon)$$

şeklinde yazılmalıdır. Biyoloji ve ziraat alanlarında aşağıdaki hususlardan dolayı nondeterministik modeller kullanılır.

- a) Modellerin her zaman her unsuru dikkate alarak her şeyi izah etmesi mümkün değildir.
- b) İlişki fonksiyonel bile olsa her zaman mümkün olan ölçme hataları nedeniyle, fonksiyonu ifade eden eğri etrafında bir serpilme meydana gelir.

c) Tanımlanan ilişkinin fonkiyonel şekli ile ilgili yanlışlıklar da olabilir. Örneğin hiperbolik bir ilişki doğrusal kabul edilebilir (Korum 1971).

Model kurma istatistiksel analizde önemli olup; analizdeki başarıya, verileri tanımlamak için kurulan modele bakılarak karar verilir. Bu model, verilerin nasıl örneklendigini yeterince göstermeli ve biyolojik problemi ifade edebilmelidir. Dogru model, verileri mükemmel şekilde tanımlayan modeldir. Biyolojik problemlerin çözümünde ne yazık ki tam doğru modelden söz edilemez. Duruma ve örnekleme işleminin genel şartlarına mümkün olduğunda bağlı kalınarak, gerçeğe en yakın olacak şekilde bir model oluşturulmaya çalışılır. Hemen her zaman bu model, analize uygunluk, eksik bilgi ve hesaplamadaki sınırlılıklar göz önüne alınarak gerçek modelin sadeleştirilmiş şeklidir.

Verileri tanımlamak için kurulan modelde gözlem vektörü veya gözlem değerlerini ifade eden y değişkeni, çalışılan deneysel ünitelerde subjektif veya objektif ölçümülden elde edilen elementleri içermektedir. y vektörünün kuramsal olarak aynı uzunlukta vektörlerden oluşan geniş bir vektörler populasyonundan, rastgele elde edilmiş bir vektör olduğu kabul edilir. y'nin elementleri olan gözlem değerleri bir çok değişken tarafından etkilenirler. Bir başka ifadeyle y'nin elementleri çok değişkenli bir dağılım gösterir. Genellikle ölçümler bu dağılımin normal bir dağılım olmasını sağlar.

Kurulan modelin y'deki varyasyonu açıklayan en uygun faktörleri içermesi gerekdir. Modeldeki faktörler, y'nin

elementleriyle ilişkili olan veya y'nin elementlerini etkileyen kesikli veya sürekli değişkenleri ifade etmektedir. Modeldeki değişkenlerden kesikli varyasyon gösterenlerin sabit(fixed) mi yoksa şansa bağlı(random) mı olduğuna karar vermek gereklidir. Araştırcı tarafından verilecek bu kararda, tecrübe haricinde yardımcı olacak önemli bir prensip de yoktur. Yinede araştırciya yardımcı olması açısından bazı hususlar aşağıda açıklanacaktır.

Gözlem yapılabilen muhtemel bütün sınıfları içeren bir başka ifadeyle tüm hallerinde gözlem yapılabilen faktörlere, sabit faktörler denir. Örneğin hayvanların cinsiyeti erkek, dişi, kastre edilmiş erkek, kastre edilmiş dişi veya hermafrodittir. Ama genelde cinsiyet denildiğinde ilk iki grup, anlaşılır. Bir faktördeki sınıf sayısı az ve örneklemeye sonsuz kere yapıldığında bu sayı sınırlı kalıyorsa, o zaman faktör açıkça sabittir. Örneklemeye ikinci kez yürütüldüğünde, iki örneklemeye esnasında aynı kalan faktörler de sabit faktör olarak kabul edilir.

Bir şansa bağlı faktörün seviyelerinin, sonsuz genişlikteki bir populasyonun elemanları olduğu ve bu populasyondan rastgele çekildiği düşünülebilir. Bir denemedeki sıgırlar, uygun gruptardan seçilmiş olabilir. Aynı deneme daha sonraki bir tarihte yürütüldüğünde farklı bir sıgır grubu yine uygun sıgır gruplarından seçilir. Ne varki sıgır populasyonunun büyülüğu sınırsız değildir. Bununla birlikte, bütün pratik amaçlar için populasyonun sınırsız ve yeterli genişlikte olduğu kabul edilir. Burada sıgır etkisi, şansa bağlı bir faktör

olacaktır. Eğer sigırlar ağırlık veya başka özelliklerine göre seçilirse, yukarıdakinin aksine sigır etkisinin, geniş bir populasyondan gelse bile sabit olduğu kabul edilir. Çünkü, bir başka zamanda aynı ağırlıkta sigırlar seçmek de mümkündür.

Faktörlerin sabit veya şansa bağlı olacağına karar vermede sonuçların nasıl kullanılacağı da yardımcı olabilir. Rasyonlarla ilgili bazı hususları ortaya koymayı amaçlayan bir besleme denemesinde, elde edilen sonuçlar, denemedede kullanılan rasyonlar için özeldir. Bu sonuçlara bakılarak denemedede kullanılmayan rasyonlar hakkında hükmü vermek yanlış olur. Böylece rasyon etkileri sabit faktör kabul edilir. Aksine modelde hayvan etkileri yer alduğında, bir hayvanın kullanılan rasyona reaksiyonu hakkında sonuçlar çıkarmak gerekebilir veya denemedeki sonucu iptal edebilecek şekilde hayvanlara ait özel herhangi bir şey bulunmayabilir. Bu durumlarda, hayvan etkileri şansa bağlı faktör olabilir. Böylece eldeki mevcut sonuçların sınırlamaları, sabit ve şansa bağlı etkilere karar vermede yardımcı olabilir(Schaeffer 1987).

Hayvancılıkta genetik ilerlemenin ilk koşulu, kullanılan damızlıkların genetik değerlerinin doğru tahmin edilmesidir. Bu doğrulugun sağlanmasında, gözlem değerlerinin aynı şartlarda elde edilmesinin önemli payı vardır. Fakat yetiştirmeye koşullarından, hayvanlardan ve üzerinde durulan verimden kaynaklanan nedenlerden dolayı aynı şartların sağlanması mümkün degildir. Bu durum, farklı şartlarda elde edilen verileri, farklılık yaratan

faktörler bakımından düzelterek kullanmayı yada bu verilerden aynı özelliklere sahip olanları, bir başka değişle aynı şartlarda elde edilenleri, değerlendirmeyi gündeme getirmektedir. Bu yollardan ilki izlendiğinde düzeltmelerden dolayı yeni hatalar ortaya çıkabilmekte, ikincisinde de mevcut bilgilerin tümü değerlendirilmediği için bilgi kaybı meydana gelmektedir. Bu olumsuzluklardan kaçınmak için, üzerinde durulan özelligi etkileyen faktörlerin bütünübir doğrusal model içerisinde ele alımaya dayanan ve böylece daha doğru tahminler elde etmeyi amaçlayan metodlar geliştirilmiştir. Bunlardan Henderson tarafından 1949-1975 yılları arasında sütçü bogalar arası genetik farkları(damızlık değerini) tahmin için geliştirilmiş olan EDYT metodu yaygın olarak kullanılmaktadır. Metodun esası, üzerinde durulan özellikte farklılık meydana getiren faktörleri içeren uygun bir doğrusal modelin kurulmasına dayanır. Kurulan doğrusal modele metodun uygulanması sonucunda elde edilen sonuçların özellikleri şu şekilde sıralanabilir.

- 1) Tahmin hataları varyansı minimumdur.
- 2) Tahmin edilenle gerçek değer arasındaki korelasyon en yüksektir.
- 3) Ana yaşı gibi sabit faktörlerin kestirimindeki yansızlık, şansa bağlı faktör olarak alınan babanın genetik değerinin tahmini için de geçerlidir.
- 4) Veriler ve gerçek değerler çok değişkenli normal bir dağılıma sahipse, gerçek değerlerin eşlerinin(tahminlerinin) doğru olarak sıralanma ihtimali maksimumdur.

5) Metodun kullanımı, genellikle kolay olup, çogunlukla standart En Küçük Kareler tahmin yönteminin basit bir modifikasyonu olarak değerlendirilebilir.

6) Gerçek değerler hakkındaki muhtemel sonuçlar, tahmini değerlerden ve doğrudan tahmin hesaplarından elde edilen hata varyansından çıkarılabilir.

7) Verileri düzeltmede, sabit etkilerin bilinen gerçek değerleri değil de, genelleştirilmiş en küçük kareler tahminlerinin kullanıldığı durumlar dışında elde edilen tahminler, seleksiyon indeksi tahminleri ile aynıdır.

Metodun bu özellikleri yanında, bir takım matematiksel dezavantajları vardır.

1) Bu metotta gözlemlerin yalnızca lineer fonksiyonları kullanılır. Oysa, daha karmaşık fonksiyonlar, daha küçük tahmin hataları varyansı verebilir.

2) Yansızlık, arzu edilen bir özellik olmakla birlikte, belirli yanlı tahmin işlemleri daha küçük hatalara sahip olabilirler. Bununla birlikte yanlı işlemin, en iyi doğrusal yansız tahminden daha küçük veya büyük tahmin hataları verdiğini söylemek de mümkün degildir.

3) Şansa bağlı etkilere ait (baba ve hata) varyanslarının oranlarının doğru olarak bilindiği varsayıılır. Damızlık değeri tahminlerinde bu genellikle önemli degildir. Çünkü bu oran uygun sınırlar içinde olduğu bilinen kalitım derecesine bağlıdır (Van Vleck 1976).

Bu metodu sınırlayan diğer bir husus da hesaplamadaki güçlüğtür. Hayvan İslahı problemlerinde, modelde yer alan her faktörün bütün halleri için bir denklem oluşturulmakta ve bunlar eş zamanlı olarak gözülmektedir. Denklem sayısı, genellikle elle çözülemeyecek kadar çok olmaktadır. Metodun ortaya çıktığı yıllarda bilgisayar teknolojisi yeterince gelişmemiş olduğu için metod güncellilik kazanamamıştır. Ancak 1970'li yıllardan itibaren bilgisayar hızı ve kapasitesindeki artışlar sayesinde yaygın olarak kullanılmıştır.

Bu çalışmada gözlem değerlerini açıklamak için genel olarak;

$$y_{ijkl} = \mu + s_{li} + b_j + d_{jk} + e_{ijkl} \quad (3.9)$$

modeli kullanılmıştır.

Burada,

$y_{ijkl}$  = i. yıl-laktasyonda j. babanın k. dölenin l. laktasyonuna ait 305 günlük süt verimidir,

$\mu$  = Populasyon ortalaması,

$s_{li}$  = i. yıl-laktasyonun etki miktarı,

$b_j$  = j. babanın aktarım kabiliyeti(etki miktarı),

$d_{jk}$  = j.babanın k. dölenin aktarım kabiliyeti(etki miktarı),

$e_{ijkl}$  = Hatadır.

### 3.2.3.1 Tekrarlı olan verimlerin kullanılması (EDYT1)

Bir populasyonda aynı bireyin değişik dönemlerde elde edilen verilerini dikkate alan bu modelin unsurları, DD tahmin edilecek bogaların döllerinin değişik dönemlerde tespit edilen laktasyon verimlerini açıklamak için kurulan genel model (3.9)'dekinin aymasıdır. Fakat çalışmada, işlem hacmini azaltmak ve işlemlerde kolaylık sağlamak amacıyla  $\mu$  terimi çıkarılarak model yeniden düzenlenmiştir.

$$Y_{ijkl} = s_i + b_j + d_{jk} + e_{ijkl} \quad (3.10)$$

Bu düzenlemede, gözlem değerleri ortalamadan sapma gibi düşünülmüş olmakla birlikte hesaplamalarda yine gözlem değerleri kullanılmıştır. Böylece modelde sadece sabit faktörlerin etkileri değişmiş, şansa bağlı faktörlerin etkilerinde herhangi bir değişiklik olmamıştır. Bu değişikliklere göre yeni modelin unsurları şu şekilde açıklanabilir,

$Y_{ijkl} = i.$  yıl-laktasyonda  $j.$  babanın  $k.$  dölünün  $l.$  laktasyonuna ait 305 günlük süt verimi,

$s_i$  =  $i.$  yıl-laktasyon grubunun EK ortalaması( $s_i + \mu$ ),

$b_j$  =  $j.$  babanın aktarım kabiliyeti(etki miktarı),

$d_{jk}$  =  $j.$  babanın  $k.$  dölünün aktarım kabiliyeti(etki miktarı),

$e_{ijkl}$  = Hatadır.

Modelde bulunan faktörlerin etki miktarlarını hesaplamak için EK metodu kullanıldığında  $s_i$ ,  $b$  ve  $d$  faktörleri sabit  $e$  ise ortalaması 0 ve varyansı  $\sigma^2_e$  olan şansa bağlı faktör olarak

alınır. Burada e unsuru içinde kalan faktörlerin bütün hayvanlarda rastgele farklılıklar yarattığı, bir başka ifadeyle bu unsura dahil edilen faktörlerin alt gruplar arası ile alt gruplar içindeki varyansın farklı olmadığı kabul edilir. Bu durumda, sl, b ve d sabitlerinin hata terimini minimum yapacak kestirimleri hesaplanır. Bunun için 3.12 numaralı eşitlik,

$$e_{ijkl} = y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk}) \quad (3.11)$$

şeklinde yazılır. Her iki tarafın karesi alınıp, her ijk grubundaki bütün gözlemler için yazılıp toplandığında

$$\sum_{i} \sum_{j} \sum_{k} e^2_{ijkl} = \sum_{i} \sum_{j} \sum_{k} \left[ y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk}) \right]^2 \quad (3.12)$$

elde edilir. Yukarıdaki ifadenin her bilinmeyene göre ayrı ayrı alınan kısmi türevleri alınıp sıfıra eşitlenirse, kestirimini yapılacak her etki için bir denklem elde edilir. Bu şekilde elde edilen denklemler grubuna normal denklem sistemi denir.

sl için:

$$y_{i...} = n_{i...} s_{li} + \sum_j n_{ij..} b_j + \sum_{jk} n_{ijk..} d_{jk} \quad (3.13)$$

b için:

$$y_{j...} = \sum_i n_{ij..} s_{li} + n_{.j..} b_j + \sum_k n_{.jk..} d_{jk} \quad (3.14)$$

d için:

$$y_{...k} = \sum_i n_{ijk..} s_{li} + n_{.jk..} b_j + n_{.jk..} d_{jk} \quad (3.15)$$

Bulunan bu normal denklemlerin eşanlı çözümüyle e'yi minimum yapacak etki miktarları hesaplanır.

Yukarıda anlatılan işlemlerin matris notasyonu ile gösterimi daha kolaydır. Söz konusu model matris notasyonu ile

$$y = X_1\beta + X_2u_1 + X_3u_2 + e \quad (3.16)$$

şeklinde yazılabilir. Burada;

$\beta$  =  $n \times 1$  boyutlu yıl-laktasyon faktörüne ait halleri içeren bir vektördür,

$u_1$  =  $n \times 1$  boyutlu boga faktörüne ait halleri içeren bir vektördür, ( $b_1, b_2, \dots, b_n$ ),

$u_2$  =  $n \times 1$  boyutlu döl faktörüne ait halleri içeren bir vektördür, ( $d_1, d_2, \dots, d_n$ ),

$\beta$ ,  $u_1$  ve  $u_2$  faktörleri En Küçük Kareler Metodu'nun geregi olarak sabit faktör kabul edilmiştir.

$X_1$  =  $m \times n$  boyutlu dizayn matris olup gözlemlerde  $\beta$  vektöründe tanımlanan yıl-laktasyon faktörünün hangi hallerinin bulunduğu gösterir,

$X_2$  =  $m \times n$  boyutlu dizayn matris olup gözlemlerde  $u_1$  vektöründe yer alan baba faktörünün hangi hallerinin bulunduğu gösterir,

$X_3$  =  $m \times n$  boyutlu dizayn matris olup gözlemlerde  $u_2$  vektöründe yer alan döl faktörünün hangi hallerinin bulunduğu gösterir,

$e$  = Her gözleme ait hata değerlerini içeren  $n \times 1$  boyutlu ortalaması 0 ve varyansı  $I\sigma^2_e$  olan bir vektördür.

(3.16) sayılı model kabul edildiginde,  $y$  ve  $e$ 'nin beklenen değerleri

$$E \begin{bmatrix} y \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X_1\beta + X_2u_1 + X_3u_2 \\ 0 \end{bmatrix}$$

şeklinde gösterilebilir.

Eğer  $V(y)=V(e)=R=I\sigma^2_e$  varsayıımı kabul edilirse EK metodunda elde edilen normal denklemler, matris notasyonu ile

$$\begin{bmatrix} X'_1 R^{-1} X_1 & X'_1 R^{-1} X_2 & X'_1 R^{-1} X_3 \\ X'_2 R^{-1} X_1 & X'_2 R^{-1} X_2 & X'_2 R^{-1} X_3 \\ X'_3 R^{-1} X_1 & X'_3 R^{-1} X_2 & X'_3 R^{-1} X_3 \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} \beta \\ u_1 \\ u_2 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'_1 R^{-1} y \\ X'_2 R^{-1} y \\ X'_3 R^{-1} y \end{bmatrix}$$

şekilde yazılabilir.  $X'$ leri içeren başlangıç matrisine  $B$ , faktörleri içeren vektöre de  $\omega$  ve her vektörün halleri için toplam gözlem değerlerini içeren vektöre de  $Y$  denildiginde, matris işlemleri kısaca

$$B \omega = Y$$

şekilde gösterilebilir.  $\omega$ 'lara ait çözümler de;

$$\omega = B^{-1} Y$$

şekilde bulunabilir. Fakat  $B$  matrisi bağımlı bir matris olduğu için determinantı  $|B|=0$  dır. Rankı tam olmadığından, başka bir ifadeyle  $B$  matrisindeki bağımsız satır sayısı, matris boyutundaki satır sayısına ( $n$ ) eşit olmadığından  $r(B) \neq n$ ,  $B^{-1}$  bulunamaz. Bu durumda çözümü ulaşmak için  $r(B) < n$  değerinden hareketle  $B$  matrisi yerine bağımsız ve tam rankı olan  $G$  matrisi elde edilerek,  $G^{-1}$  matrisinin hesaplanması suretiyle

$$\omega = G^{-1} Y$$

şekilde çözümü ulaşılabilir.

Sabitlerin etki miktarları En Küçük Kareler Metoduyla olduğu gibi Maximum Likelihood(ML) Metodu kullanılarak da bulunabilir. Metot, Gauss ve daha sonra R.A.Fisher tarafından sistematik olarak geliştirilmiştir. Metodun amacı, bilinmeyen kütle parametreleri için arzu edilen niteliklerden çoğuna sahip

tahmin ediciler bulmaktadır. Hesaplama işleminin pratik oluşu ve Maximum Likelihood tahmin edicilerinin arzu edilen pek çok özelliği olması nedeniyle kullanım alanı çok genişdir. ML Metodunun sınırlayıcı bir özelliği, tesadüfi değişkenlerin dağılımının şeklinin bilinmesini gerektirmesidir. ML Metodu ile tahminde hareket noktası likelihood fonksiyonudur. Likelihood fonksiyonu,  $X_1, \dots, X_n$  gibi  $n$  tane tesadüf değişkeninin birleşik olasılık fonksiyonudur ve bu fonksiyon kütle parametresi,  $\theta$ 'nın değerlerine bağlı olarak değişen değerler alır.

Likelihood fonksiyonu,

$$L(\theta) = g(X_1, \dots, X_n, \theta)$$

şeklinde olduğunda,  $X_1, \dots, X_n$  değişkenleri  $f(x, \theta)$  dağılımlı (şekli bilinmek şartıyla) bir kütleden alınan  $n$  hacimli bir örneği teşkil ediyorsa,

$$g(X_1, \dots, X_n, \theta) = f(x_1, \theta) \dots f(x_n, \theta) = \prod_{i=1}^n f(x_i, \theta) \text{ dır.}$$

$\theta$  bilinmedigine ve  $X_1, \dots, X_n$  örnek değerleri belli olduğuna göre, öyle  $\theta \in \Omega$  değeri bulunmalıdır ki bu,  $g(X_1, \dots, X_n, \theta)$ 'yi maksimum yapın. Eğer  $\theta$  böyle bir tahmin edici ise bu tahmin ediciye ML tahmin edicisi denir.

$X_1, \dots, X_n$   $n$  hacimli bir örnek ise

$$L(\theta) = \prod_{i=1}^n f(x_i, \theta) \text{ yazılabilir.}$$

Buradaki  $\theta$  değerleri,

$$\theta_1 = d_1(x_1, \dots, x_n)$$

.

.

.

.

$$\theta_k = d_k(x_1, \dots, x_n)$$

Likelihood fonksiyonunu maksimum yapan  $\theta_1, \dots, \theta_k$  tahmin ediciler seti aşağıdaki kısmi türev denklemler setinin eşanlı çözümü ile bulunur.

$$\begin{aligned} \frac{\partial}{\partial \theta_1} L(\theta_1, \dots, \theta_k) &= 0 \\ \cdot & \\ \cdot & \\ \cdot & \\ \frac{\partial}{\partial \theta_k} L(\theta_1, \dots, \theta_k) &= 0 \quad (\text{Korum 1971}). \end{aligned}$$

(3.10) nolu modelde  $e_{ijkl}$  gözleminin maksimum olabilmesi için  $e_{ijkl}$  teriminin eşitlikteki payının minimum olması gereklidir. Modelde  $e_{ijkl}, e_{ijkl}'$  nin fonksiyonu olarak yazılırsa yine (3.11) nolu eşitlik elde edilir. Burada  $e_{ijkl}$  ve diğer faktörler hakkındaki varsayımlar EK metodundakilerle aynıdır. Bu durumda likelihood fonksiyonun beklenen değeri:

$$E[L(e_{ijkl})] = \prod_{v=1}^1 \frac{1}{\sigma_{e_{ijkl}} (2\pi)^{1/2}} \cdot e^{-\frac{1}{2\sigma_{e_{ijkl}}^2} e^{2e_{ijkl}}}$$

$$\begin{aligned}
 &= \frac{1}{\sigma^n e^{(2\pi)^{n/2}}_{ijkl}} \cdot e^{-\frac{1}{2 \sigma^2 e^{ijkl}} \sum e^2_{ijkl}} \\
 &= \left[ \sigma^2 e^{-n/2}_{ijkl} \right] \cdot \left[ 2\pi^{-n/2} \right] \cdot \left[ e^{-\frac{1}{2 \sigma^2 e^{ijkl}} \sum e^2_{ijkl}} \right] \quad (3.17)
 \end{aligned}$$

olur eşitliğin sağ tarafındaki 3. çarpan olan e, tabii logaritma tabanı olup değeri yaklaşık 2.71828 dir (Başpinar 1984).

Bu denklemde son terim hata terimini ifade eder ve bunun eşiti olan,

$[y_{ijkl} - (s_l i + b_j + d_k)]$  terimi yazılırsa denklem;

$$\begin{aligned}
 &= \left[ \sigma^2 e^{-n/2}_{ijkl} \right] \cdot \left[ 2\pi^{-n/2} \right] \cdot \\
 &\quad - \frac{1}{2 \sigma^2 e^{ijkl}} \sum [y_{ijkl} - (s_l i + b_j + d_k)]^2 \\
 &\quad \left[ e^{-\frac{1}{2 \sigma^2 e^{ijkl}} \sum [y_{ijkl} - (s_l i + b_j + d_k)]^2} \right] \quad (3.18)
 \end{aligned}$$

şeklini alır.

Her iki tarafın tabii logaritması alınıp gerekli düzenlemeler yapıldığında,

$$\ln [E(L(e_{ijk}))] = -\frac{n}{2} \ln \sigma^2 e - \frac{n}{2} \ln 2\pi - \frac{1}{2\sigma^2 e} \sum_{ijk} [y_{ijk} - (s_{ij} + b_j + d_{jk})]^2 \quad (3.19)$$

ifadesi elde edilir. Bu ifadenin her sabite göre kısmi türevleri alınıp sıfıra eşitlendiginde bulunan normal denklemler EK metodu ile bulunanların aynısıdır.

Dikkat edilirse, ML metodunda bütün faktörler EK metodunda olduğu gibi sabit alındığında benzer normal denklemler elde edilmektedir.

Bu çalışmada, faktörlerin sabit ve şansa bağlı olarak belirlenmesine ait açıklamalardan faydalananarak e'nin yanında b(bogalar) ve d(döller) faktörleri de şansa bağlı olarak alınmış ve Henderson et al (1959)'dan yararlanarak ML fonksiyonu aşağıdaki şekilde yeniden düzenlenmiştir.

$$L = \prod_{ijk} \left[ \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma^2 e}} \cdot e^{-\frac{1}{2\sigma^2 e} [y_{ijk} - (s_{ij} + b_j + d_{jk})]^2} \right] *$$

$$\left[ \prod_j \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma^2 b}} \cdot e^{-\frac{b^2 j}{2\sigma^2 b}} \right] * \left[ \prod_k \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma^2 d}} \cdot e^{-\frac{d^2 jk}{2\sigma^2 d}} \right]$$

$$L = \left[ \begin{array}{cc} \frac{-1}{\sum_{ijkl} \sum_{ijk} \sum_i \frac{1}{2}} & -\frac{1}{2\sigma^2 e} \sum_{ijkl} \sum_{ijk} [y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk})]^2 \\ \frac{(2\pi\sigma^2 e)}{\cdot e} & \end{array} \right] * \left[ \begin{array}{cc} \frac{-1}{\sum_j \frac{1}{2}} & \frac{-1}{2\sigma^2 b} \sum_j b_j^2 \\ \frac{(2\pi\sigma^2 b)}{\cdot e} & \end{array} \right] * \left[ \begin{array}{cc} \frac{-1}{\sum_{jk} \frac{1}{2}} & \frac{-1}{2\sigma^2 d} \sum_{jk} d_{jk}^2 \\ \frac{(2\pi\sigma^2 d)}{\cdot e} & \end{array} \right]$$

Her iki tarafın tabii logaritması alındığında ,

$$\ln(L) = \sum_{ijkl} \sum_{ijk} \frac{-1}{2} \ln(2\pi\sigma^2 e) - \frac{1}{2\sigma^2 e} \sum_{ijkl} (y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk}))^2 + \sum_j \frac{-1}{2} \ln(2\pi\sigma^2 b) - \frac{1}{\sigma^2 b} \sum_j b_j^2 + \sum_{jk} \frac{-1}{2} \ln(2\pi\sigma^2 d) - \frac{1}{\sigma^2 d} \sum_{jk} d_{jk}^2$$

Eşitliğin maksimum olduğu noktaları bulmak için, fonksiyonun her bilinmeyene göre kısmi türevleri alınarak sıfır'a eşitlenmiştir.

$s_{li}$ 'ye göre kısmi türev:

$$\frac{1}{\sigma^2 e} \sum_{ijkl} \sum_{ijk} (y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk})) = 0$$

$$\sum_{ijkl} y_{ijkl} - \sum_{ijkl} s_{li} - \sum_{ijkl} b_j - \sum_{ijkl} d_{jk} = 0$$

$$\sum_i y_{i...} = \sum_i n_{i...} s_{li} + \sum_{ij} n_{ij..} b_j + \sum_{ijk} n_{ijk..} d_{jk}$$

Bu eşitlik sı faktörünün i. hali için yazılırsa;

$$y_{i...} = n_{i...} s_{li} + \sum_j n_{ij..} b_j + \sum_{jk} n_{ijk.} d_{jk}$$

şeklini alır.

b'ye göre kısmi türev:

$$\frac{1}{\sigma^2 e} \sum_{ijkl} (y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk})) - \frac{1}{\sigma^2 b} \sum_j b_j = 0$$

$$\sum_{ijkl} y_{ijkl} - \sum_{ijkl} s_{li} - \sum_{ijkl} b_j - \sum_{ijkl} d_{jk} = \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} \sum_j b_j$$

$$\sum_j y_{.j..} = \sum_{ij} n_{ij..} s_{li} + \sum_j n_{.j..} b_j + \sum_{jk} n_{.jk.} d_{jk} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} \sum_j b_j$$

$$y_{.j..} = \sum_i n_{ij..} s_{li} + n_{.j..} b_j + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} \sum_k n_{.jk.} d_{jk}$$

$$y_{.j..} = \sum_i n_{ij..} s_{li} + b_j (n_{.j..} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b}) + \sum_k n_{.jk.} d_{jk}$$

d' ye göre kısmi türev:

$$\frac{1}{\sigma^2 e} \sum_{ijkl} (y_{ijkl} - (s_{li} + b_j + d_{jk})) - \frac{1}{\sigma^2 d} \sum_{jk} d_{jk} = 0$$

$$\sum_{ijkl} y_{ijkl} - \sum_{ijkl} s_{li} - \sum_{ijkl} b_j - \sum_{ijkl} d_{jk} = \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d} \sum_{jk} d_{jk}$$

$$\sum_{jk} y_{jk} = \sum_{ijk} n_{ijk} s_{li} + \sum_{jk} n_{jk} b_j + \sum_{jk} n_{jk} d_{jk} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d} \sum_{jk} d_{jk}$$

$$\sum_{jk} y_{jk} = \sum_{ijk} n_{ijk} s_{li} + \sum_{jk} n_{jk} b_j + \sum_{jk} d_{jk} (n_{jk} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d})$$

$$y_{jk} = \sum_i n_{ijk} s_{li} + n_{jk} b_j + d_{jk} (n_{jk} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d})$$

Kısmi türev alınması sonucunda bulunan normal denklemlere Karışık Model Eşitlikleri (KME) denilmektedir ve bunlar genel gösterimleri ile aşağıda toplu olarak verilmiştir;

$$y_{...} = n_{...} s_{li} + \sum_j n_{j..} b_j + \sum_{jk} n_{ijk} d_{jk}$$

$$y_{.j..} = \sum_i n_{ij..} s_{li} + b_j (n_{j..} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b}) + \sum_k n_{jk.} d_{jk}$$

$$y_{.jk.} = \sum_i n_{ijk.} s_{li} + n_{jk.} b_j + d_{jk} (n_{jk.} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d})$$

Dikkat edilirse, yukarıdaki denklemlerle EK metodu ile bulunan denklemler arasındaki fark, şansa bağlı faktörlere ait eşitlıkların ( $b$  ve  $d$ ) diagonallerine sırası ile  $\sigma^2 e / \sigma^2 b$  ve  $\sigma^2 e / \sigma^2 d$  lerin eklenmesinden ileri gelmektedir. Bundan dolayı bu denklemlere, Modifiye Edilmiş En Küçük Kareler Denklemleri de denilmektedir.

Modelde bütün ineklerin (döllerin analarının) akraba olmadığı ve döllerin akraballı yetişmediği kabul edilmektedir. Eklemeli genetik model çerçevesinde, aynı bogenin bir dölünün her bir verimiyle aynı bogenin diger bir dölünün herhangi bir verimi arasındaki kovaryans,  $\sigma^2_b = (1/4)*\sigma^2_a$  dir. Burada  $\sigma^2_a$  eklemeli etkili genlerden kaynaklanan genetik varyansı belirtmektedir. Bu ifade kalitim derecesini de içine alacak şekilde düzenlenirse;

$$\frac{\sigma^2_b}{\sigma^2_y} = \frac{1}{4} * \frac{\sigma^2_a}{\sigma^2_y}$$

$$\frac{\sigma^2_b}{\sigma^2_y} = \frac{1}{4} * h^2$$

$$\sigma^2_b = \frac{1}{4} * h^2 * \sigma^2_y$$

eşitliği elde edilir ve bu durum bogalar, populasyondan rastgele çekilmiş bir örnek olduğunda geçerlidir.

Bu çalışmada toplam varyansın( $\sigma^2_y$ ), babalardan ( $\sigma^2_b$ ), döllerden ( $\sigma^2_d$ ) ve hatadan ( $\sigma^2_e$ ) ileri gelen varyansların toplamına eşit olduğu kabul edilmiştir:  $\sigma^2_y = \sigma^2_b + \sigma^2_d + \sigma^2_e$ . Burada  $\sigma^2_e$  aynı gruptaki değerler, bu çalışmada döllerin kendi verimleri arasındaki farklılığın ölçüsüdür. Bunun toplam farklılıktaki payı da ( $\sigma^2_e/\sigma^2_y$ ) kadardır. Aynı gruptaki değerler arasındaki farklılığın payını, mutlak benzerlik olan 1 değerinden çıkarmak suretiyle, bu değerlerin benzerliği(kovaryans) hesaplanabilir. Bu yaklaşımla, aynı gruptaki değerler arasındaki benzerlik;

$$1 - \frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_y} = \frac{\sigma^2_b + \sigma^2_d}{\sigma^2_y} = r$$

olarak bulunur. Bu eşitliği  $\sigma^2_b + \sigma^2_d = r * \sigma^2_y$  şeklinde de yazmak mümkündür ( $r$ =Tekrarlanma derecesi). Buradan  $\sigma^2_d = r * \sigma^2_y - \sigma^2_b$  eşitliği elde edilir. Babaların seçilmmediği durumda,  $\sigma^2_b = 1/4 * h^2 * \sigma^2_y$  olduğu dikkate alınarak;

$$\sigma^2_d = r * \sigma^2_y - \sigma^2_b$$

$$\sigma^2_d = r * \sigma^2_y - 1/4 * h^2 * \sigma^2_y$$

$$\sigma^2_d = (r - 1/4 * h^2) * \sigma^2_y$$

$$\sigma^2_e = \sigma^2_y - (\sigma^2_b + \sigma^2_d)$$

$$\frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_y} = \frac{\sigma^2_y}{\sigma^2_y} - \frac{\sigma^2_b + \sigma^2_d}{\sigma^2_y}$$

$$\frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_y} = 1 - r$$

$$\sigma^2_e = (1 - r) \sigma^2_y \text{ elde edilir (Henderson 1984).}$$

Yukarıdaki bilgileri kullanarak  $\sigma^2_e/\sigma^2_b$  ve  $\sigma^2_e/\sigma^2_d$  unsurları  $h^2$  ve  $r$  cinsinden hesaplanabilir.

$$\frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_b} = \frac{(1 - r) \sigma^2_y}{1/4 h^2 \sigma^2_y} = \frac{4(1 - r)}{h^2}$$

$$\frac{\sigma^2_e}{\sigma^2_d} = \frac{(1 - r) \sigma^2_y}{(r - 1/4 h^2) \sigma^2_y} = \frac{(1 - r)}{r - h^2/4}$$

Çalışmada  $h^2 = 0.25$   $r = 0.40$  alınmıştır. Böylece  $\frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} = 9.6$  ve

$$\frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d} = 1.778 \text{ olarak bulunmuştur.}$$

ML fonksiyonu matris notasyonuyla;

$$\text{const. exp.} \left[ -\frac{1}{2\sigma^2} (y - X\beta - Z_1 u_1 - Z_2 u_2)' R^{-1} (y - X\beta - Z_1 u_1 - Z_2 u_2) \right. \\ \left. - \frac{1}{2\sigma^2} u_1 B^{-1} u_1 - \frac{1}{2\sigma^2} u_2 D^{-1} u_2 \right]$$

şeklinde yazılabilir. Bu fonksiyonun faktörlere göre kısmi türevleri alındığında aşağıda matris notasyonu ile yazılmış olan normal denklemler elde edilir.

$$\begin{bmatrix} X'_{-1} R^{-1} X_1 & X'_{-1} R^{-1} Z_1 & X'_{-1} R^{-1} Z_2 \\ Z'_{-1} R^{-1} X_1 & Z'_{-1} R^{-1} Z_1 + I B^{-1} & Z'_{-1} R^{-1} Z_2 \\ Z'_{-2} R^{-1} X_1 & Z'_{-2} R^{-1} Z_1 & Z'_{-2} R^{-1} Z_2 + I D^{-1} \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} \beta \\ u_1 \\ u_2 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'_{-1} R^{-1} y \\ Z'_{-1} R^{-1} y \\ Z'_{-2} R^{-1} y \end{bmatrix}$$

$X_1$ =Sabit faktöre (s1) ait  $m*1$  boyutlu dizayn matrisi,

$Z_1$ =Şansa bağlı faktöre (boga) ait  $m*n$  boyutlu dizayn matrisi,

$Z_2$ =Şansa bağlı faktöre(döl) ait  $m \times k$  boyutlu dizayn matrisi,

$\beta$ =Sabit faktör olarak alınan yıl-laktasyon faktörünün hallerini içeren  $1 \times 1$  boyutlu vektör,

$u_1$ = Şansa bağlı faktör olarak değerlendirilen boga faktörünün hallerini içeren  $n \times 1$  boyutlu vektör,

$u_2$ = Şansa bağlı faktör olarak kabul edilen döl faktörünün hallerini içeren  $k \times 1$  boyutlu vektör,

$$V(e) = R = I\sigma^2 e$$

$$V(b) = B = I\sigma^2 b$$

$$V(d) = D = I\sigma^2 d$$

$$E \begin{bmatrix} y \\ u_1 \\ u_2 \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X\beta \\ 0 \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}$$

$$V \begin{bmatrix} u_1 \\ u_2 \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} B & 0 & 0 \\ 0 & D & 0 \\ 0 & 0 & R \end{bmatrix}$$

$$V(y) = Z_1 B Z_1' + Z_2 D Z_2' + R \text{ dir.}$$

### 3.2.3.2. Tekrarlanan verimlerle birlikte akrabalığın kullanılması (EDYTA1)

Önceki bölümlerde açıklanan SAK ve ÇK metodlarında, bogalar arasındaki akrabalıklar, DD hesaplamalarına dahil edilmemekte veya akrabalığın olmadığı varsayılmaktadır.

Hesaplamalarda akrabalığın dikkate alınmaması bilgi kaybına neden olmakta ve dolayısıyla akraba olan hayvanlar aleyhine DD tahminlerindeki isabeti düşürebilmektedir. Bu olumsuzluklar Henderson tarafından EDYT metoduna akrabalığın dahil edilmesiyle giderilmiştir. Böylece, döl sayısı az veya dölü olmayan bogaların DD tahminindeki isabetin doğruluğunu artırmakla birlikte bogaların damızlık değerlerini analarının, analarının bababır kız kardeşlerinin ve kendi kız kardeşlerinin verimlerini kullanarak daha önce tahmin imkanı doğurmuştur (Henderson 1974).

Bireyler arasındaki akrabalığın hesaplanması bir çok metot geliştirilmekle birlikte yaygın olarak kullanılan Wright (1921) tarafından açıklanan ve iz diyagramlarının oluşturulmasına dayanan metottur. Metodun anlaşılması kolay olmakla birlikte, populasyondaki birey sayısının artması ve bireylerin akrabaliyetişmeleri halinde uygulama ve hesaplama işlemi güçleşmektedir. Bu nedenle EDYT metodunda kullanılacak akrabalığın daha kolay hesaplanması ve değerlendirmeye dahil edilmesi için Henderson (1976) tarafından geliştirilen yöntem kullanılmaktadır. Bir Akrabalık Matrisi(A) oluşturmayı amaçlayan ve programlamaya uygun olan bu metodun ön plana çıkmasında büyük rol oynamıştır.

(A) ile gösterilen Akrabalık Matrisi aşağıdaki özelliklere sahiptir.

- a) Akrabalık Matrisi simetriktir:  $a_{ij} = a_{ji}$
- b) Akrabalık Matrisinin diagonal elementleri akrabaliyetişme katsayısunun bir fonksiyonudur:  $a_{ii} = 1 + F_i$

Burada;

$a_{ii}$  = Akrabalık Matrisinin diagonal elementidir.

$F_i$  = i. bireyin akrabali yetişme katsayısidır.

c) Akrabalık Matrisinin diagonal dışı elementleri i ve j bireyleri arasındaki akrabalık derecesinin bir fonksiyonudur:

$$a_{ij} = r_{ij} \sqrt{a_{ii} a_{jj}}$$

$r_{ij}$  = i ve j bireylerine ait akrabalık derecesidir.

Matris elemanlarını elde edebilmek için, pedigri bilgilerinden yararlanarak bir listenin oluşturulması gereklidir. Bu listede, sıralama kesinlikle başlangıç generasyonundan itibaren ve doğum tarihleri büyükten küçüğe doğru olacak şekilde yapılır. Her bireyin karşısında ana ve baba numaraları yer almmalıdır. Daha sonra 1'den başlayarak her birey yeniden numaralandırılır ve tabii ki ebeveyn numaraları da yenisile değiştirilir.

Bu listede N sayıda birey mevcutsa, Akrabalık Matrisi  $A(N,N)$  boyutlarında olacaktır. Başlangıç generasyonunu C kadar birey oluşturuyorsa, bu bireylerin ebeveynleri bilinemediği için Akrabalık Matrisinin sol üst köşesinde  $C*C$  boyutunda bir birim matris oluşacaktır.

Listedeki N bireyin herhangi birine i, bunun ebeveynlerine de p ve q, i bireyinden önceki bütün bireylere de j denirse, daha önceki varsayımlar ve aşağıdaki eşitliklerden de yararlanarak matrisin elemanları elde edilebilir.

a) i bireyinin her iki ebeveyni de biliniyorsa ( $p \neq 0$  ve  $q \neq 0$ )

$$a_{ij} = a_{ji} = 0.5 * (a_{jp} + a_{jq}) \quad j=1, \dots, i-1$$

$$a_{ii} = 1 + 0.5 * a_{pq}$$

b)  $i$  bireyinin sadece bir ebeveyni biliniyorsa ( $p \neq 0$  ve  $q=0$  veya  $p=0$  ve  $q \neq 0$ )

$$a_{ij} = a_{ji} = 0.5 * a_{jp} \quad j=1, \dots, i-1$$

veya

$$a_{ij} = a_{ji} = 0.5 * a_{jq} \quad j=1, \dots, i-1$$

$$a_{ii} = 1$$

c)  $i$  bireyinin iki ebeveyni de bilinmiyorsa ( $p=q=0$ ).

$$a_{ij} = a_{ji} = 0 \quad j=1, \dots, i-1$$

$$a_{ii} = 1$$

Eşitliklerden de anlaşılacağı üzere,  $i$  bireyinin  $j$  bireyi ile ilişkisi, ebeveynleri aracılığıyla gerçekleşmektedir. Yani  $i$  bireyinin ebeveynleri olan  $p$  ve  $q$ 'nun  $j$  bireyiyle olan ilişkisinin yarısı,  $i$  bireyinin  $j$  bireyiyle ilişkisini oluşturmaktadır. Bu bir anlamda ebeveynlerin döllerine kendi genotiplerinin yarısını aktarmalarının bir başka ifadesidir. Eğer  $i$  bireyinin ebeveynleri bilinmiyorsa, kendi generasyonundan önceki generasyondaki bireylerle ilişkisi söz konusu değildir.

Yukarıda açıklanan şekilde hesaplanan matris elemanları (3.2.3.1)'deki KME'ne dahil edilmek suretiyle aşağıdaki eşitlikler elde edilmiştir.

$$y_{i...} = n_{i...} s_{i...} + \sum_j n_{ij..} b_j + \sum_{jk} n_{ijk..} d_{jk}$$

$$y_{ij..} = \sum_i n_{ij..} s_{li} + b_j (n_{.j..}) + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} * \sum_j \frac{1}{a_{jp}} + \sum_k n_{jk..} d_{jk}$$

(p=1.....j)

$$y_{jk..} = \sum_i n_{ijk..} s_{li} + n_{jk..} b_j + d_{jk} (n_{.jk..}) + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 d}$$

Akrabalık Matrisi bu çalışmada sadece bogalar için oluşturulduğundan, KME'nde yalnızca bogalara ait denklemlere dahil edilmiştir. KME'nin matris notasyonu ile gösterimi de aşağıdaki gibidir.

$$\begin{bmatrix} X'_{1R^{-1}}X_1 & X'_{1R^{-1}}Z_1 & X'_{1R^{-1}}Z_2 \\ Z'_{1R^{-1}}X_1 & Z'_{1R^{-1}}Z_1 + A^{-1}B^{-1} & Z'_{1R^{-1}}Z_2 \\ Z'_{2R^{-1}}X_1 & Z'_{2R^{-1}}Z_1 & Z'_{2R^{-1}}Z_2 + ID^{-1} \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} \beta \\ u_1 \\ u_2 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'_{1R^{-1}}y \\ Z'_{1R^{-1}}y \\ Z'_{2R^{-1}}y \end{bmatrix}$$

Yukarıdaki matris gösterimde boga eşitliklerinde yer alan  $A^{-1}$ , Akrabalık Matrisinin tersini(inversünü) belirtmektedir.

$$V(e) = R = I\sigma^2 e$$

$$V(b) = B = A\sigma^2 b$$

$$V(d) = D = I\sigma^2 d$$

$$E \begin{bmatrix} y \\ u_1 \\ u_2 \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} XB \\ 0 \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}$$

$$V \begin{bmatrix} u_1 \\ u_2 \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} B & 0 & 0 \\ 0 & D & 0 \\ 0 & 0 & R \end{bmatrix}$$

### 3.2.3.3 İlk laktasyon veriminin kullanılması (EDYT2)

Hayvancılıkta yıllık genetik ilerlemeyi artırmayı yollarından biri de generasyonlar arası sürenin kısaltılmasıdır. Fakat, döл kontrolü çalışmalarında, DD tahmin edilecek bogaların döllerinin değişik dönemlerde takrarlanan verimlerinin dikkate alınması, bu süreyi uzatmaktadır. Ayrıca işlemin bu şekilde yürütülmesi, çok sayıda hayvanın uzun süre elde tutulmasını zorunlu kılmakta ve buna bağlı olarak organizasyon giderlerini de artırmaktadır. Bu sebepten dolayı, süt verimi açısından döл kontrolü çalışmalarında, genellikle döllerin ilk laktasyon verimleri dikkate alınmakta böylece generasyonlar arası süre kısalığı gibi masraflar da düşürülebilmektedir.

Yukarıda açıklanan sebeplerden dolayı, bu çalışmada bogaların damızlık değerleri kızların ilk laktasyon verimlerine göre de yapılmıştır. İlk laktasyon süt verimlerini tanımlamak için,

$$y_{ijk} = s_{li} + b_j + e_{ijk} \quad (3.20)$$

modeli kullanılmıştır.

$y_{ijk} = i.$  yıl-laktasyonda  $j.$  babanın  $k.$  dölune ait 305 günlük ilk laktasyon süt verimidir.

$s_{ij} = i.$  yıl-laktasyon grubunun EK ortalaması ( $s_{ij} + \mu$ ),

$b_j = j.$  babanın geçirim kabiliyeti(etki miktarı),

$e_{ijk} = \text{hatadır.}$

Yukarıda verilen (3.20) sayılı modelin, Bölüm 3.2.3.1 açıklandığı gibi ML fonksiyonu yazılıp faktörlere göre kısmi türevleri alındığında KME'leri aşağıdaki gibi bulunabilir.

$$y_{i..} = n_{i..} s_{ij} + \sum_j n_{ij} b_j$$

$$y_{.j.} = \sum_i n_{ij} s_{ij} + b_j (n_{.j.} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b})$$

Bu eşitliklerin matris notasyonu ile gösterimi de

$$\begin{bmatrix} X'R^{-1}X & X'R^{-1}Z \\ Z'R^{-1}X & Z'R^{-1}Z + I\sigma^2 b^{-1} \end{bmatrix}^* \begin{bmatrix} \beta \\ u \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'R^{-1}y \\ Z'R^{-1}y \end{bmatrix}$$

şeklindedir. Gösterimde;

$$V(b) = B = I\sigma^2 b$$

$$V(e) = R = I\sigma^2 e$$

$$E \begin{bmatrix} y \\ u \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X\beta \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}$$

$$V \begin{bmatrix} u \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} B & 0 \\ 0 & R \end{bmatrix}$$

$$V(y) = ZBZ' + R \text{ dir.}$$

3.2.3.4 İlk laktasyon verimine akrabalığın dahil edilmesi  
(EDYTA2)

İlk laktasyon verimlerine bogalar arasındaki akrabalığın dahil edilmesi, bölüm 3.2.3.2 de açıklandığı şekilde yapılmış ve KME aşağıdaki gibi elde edilmiştir.

$$y_{ij..} = n_{ij..} s_{li} + \sum_j n_{ij.} b_j$$

$$y_{.j.} = \sum_i n_{ij.} s_{li} + b_j (n_{.j.} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 b} * \sum_j \frac{1}{a_{jp}}) \quad (p=1, \dots, j)$$

KME'nin matris notasyonu ile gösterimi de

$$\begin{bmatrix} X' R^{-1} X & X' R^{-1} Z \\ Z' R^{-1} X & Z' R^{-1} Z + A^{-1} B^{-1} \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} \beta \\ u \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X' R^{-1} y \\ Z' R^{-1} y \end{bmatrix}$$

şeklindedir.

$$V(e) = R = I \sigma^2 e$$

$$V(b) = B = A \sigma^2 b$$

$$E \begin{bmatrix} y \\ u \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X\beta \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}$$

$$V \begin{bmatrix} u \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} B & 0 \\ 0 & R \end{bmatrix}$$

### 3.2.3.5 Gerçek verim kabiliyeti (GVK)

Populasyonda herhangi bir hayvanın, değişik dönemlerde tespit edilen verimleri arasında bir benzerlik olduğu gibi bir farklılık da mevcuttur. Bu farklılığın makro çevre faktörleri dışındaki nedeni, etkisi dönemden döneme değişen ve verimi bazen olumlu bazen de olumsuz yönde etkileyen mikro çevre faktörleridir. İşte her hayvanın değişik dönem verimleri arasında görülen bu farklılığın nedeni yada nedenleri dışında kalan unsurlar farklı dönem verimleri arasındaki benzerliği oluşturur ve bunlar hayvanın, her dönem verebileceği potansiyel verimin belirleyicisi olarak kabul edilir. Potansiyel verim, etkisi dönemden döneme değizmeyen genotip(eklemeli gen etkisi) ve sabit çevre faktörleri tarafından belirlenir ve bu iki faktörün etkileri toplamına veya potansiyel verime Gerçek Verim Kabiliyeti denir.

Dişî hayvanlar herhangi bir verim bakımından damızlığa ayrılrken, GVK'de dikkate alınır. Aslında seleksiyonda, hayvanların üzerinde durulan verim bakımından damızlık değerlerinden hareket edilmesi gerektiği daha önceki bölümlerde belirtilmiştir. Fakat, yukarıdaki açıklamalara dikkat edilirse, GVK'inde eklemler gen etkisi yani damızlık değerinin değerlendirmeye alındığı görülür. Fakat GVK hesaplanırken, damızlık değerinden farklı olarak sabit çevre faktörleri de hesaplamalara dahil edildiginden hayvanların GVK değerlerine ait sıralamayla DD'ne ait sıralama arasında bir ilişki oluşması

beklenir. Sabit çevre faktörleri bu ilişkiye, ters yönde etkilemediği sürece, hem DD hem de üzerinde durulan verim seviyesi bakımından üstün hayvanlar seçilmekte ve populasyonda elde edilen verimle birlikte genetik ilerleme de artırılabilmektedir.

Bir hayvanın herhangi bir dönemdeki verimi genel olarak,

$$y_{ij} = X'_{ij} \beta + Z'_{ij} u + c_i + e_{ij} \quad (3.21)$$

şeklinde ifade edilebilir.

$\beta$  = Sabit etkili faktörleri belirtmektedir,

$X'_{ij}$  = i. hayvanın j. veriminin sabit etkili faktörlerle ilişkisi,

$u$  = Eklemlili gen etkisinin ve sabit çevrenin dışındaki şansa bağlı faktörleri belirtmektedir,

$Z'_{ij}$  = i. hayvanın j. veriminin  $u$  faktörleri ile ilişkisi,

$c_i$  = Genetik değeri ve sabit çevre etkisini içine alan inek etkisi,

$e_{ij}$  = Hata.

Yukarıda açıklanan modelin matris notasyonu ile gösterimi aşağıdaki gibidir.

$$y = X\beta + Zu + Z_C c + e \quad (3.22)$$

Bu modeldeki  $c$ , hem eklemlili gen etkisini(a) hem de sabit çevreden ileri gelen etkiyi(p) içerdigi için model

$$y = X\beta + Zu + Z_C a + Z_C p + e$$

şeklinde yazılabilir.

$$V(u) = G \text{ dir.}$$

İnekler arasında akrabalık olmadığı durumda

$$V(c) = I\sigma^2_c \Rightarrow \sigma^2_c = \sigma^2_a + \sigma^2_p ;$$

akrabalık olduğu durumda da;

$$V(c) = A\sigma^2_a + I\sigma^2_p \text{ dir.}$$

$\sigma^2_p$ , sabit çevre faktörlerinden ileri gelen varyansla birlikte eklemeli olmayan gen etkileri olduğu taktirde bunlardan kaynaklanan varyansı da içermektedir.

$$V(e) = I\sigma^2_e$$

$$\text{Cov}(u, a') = \text{Cov}(u=e') = \text{Cov}(a, e') = 0$$

olduğu kabul edilmektedir (Henderson 1984).

Yukarıda açıklanan genel model ışığında, bu çalışmada kullanılan çeşitli dönem laktasyon süt verimlerini açıklamak için aşağıdaki model kullanılmıştır.

$$y_{ij} = s_{lj} + a_i + p_i + e_{ij} \quad (3.23)$$

$y_{ij}$  = i. hayvanın j. yıl laktasyondaki süt verimi,

$s_{lj}$  = j. yıl-laktasyon etki miktarı (sabit faktör),

$a_i$  = i. hayvanın eklemeli gen etkisi (şansa bağlı faktör),

$p_i$  = i hayvanın sabit çevre etkisi (şansa bağlı faktör),

$e_{ij}$  = Hatadır.

Yukarıdaki modelin daha önce açıklanığı şekilde ML fonksiyonu yazılarak, bilinmeyenlere göre kısmi türevlerinin alınması sonucunda aşağıdaki KME elde edilmiştir.

$$y_{.j} = n_{.j} s_{lj} + \sum_i n_{ij} a_i + \sum_i n_{ij} p_i$$

$$y_{ij} = \sum_j n_{ij} s_{lj} + a_i (n_{i.} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 a}) + n_{i.} p_i$$

$$y_{ij} = \sum_j n_{ij} s_{lj} + n_{i.} a_i + p_i (n_{i.} + \frac{\sigma^2 e}{\sigma^2 p})$$

KME'nin maris notasyonu ile gösterimi

$$\begin{bmatrix} X'R^{-1}X & X'R^{-1}Z_C & X'R^{-1}Z_C \\ Z'_C R^{-1}X & Z'_C R^{-1}Z_C + I B^{-1} & Z'_C R^{-1}Z_C \\ Z'_C R^{-1}X & Z'_C R^{-1}Z_C & Z'_C R^{-1}Z'_C + I D^{-1} \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} s_l \\ a \\ p \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} X'R^{-1}y \\ Z'_C R^{-1}y \\ Z'_C R^{-1}y \end{bmatrix}$$

şeklindedir.

$V(e) = I\sigma^2 e$  ve ineklerin akraba olmadığı kabul edildiği için

$V(c) = I\sigma^2 c = I\sigma^2 a + I\sigma^2 p$  dir.

$$V \begin{bmatrix} a \\ p \\ e \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} B & 0 & 0 \\ 0 & D & 0 \\ 0 & 0 & R \end{bmatrix}$$

### 3.2.3.6 Genetik yönetim

Populasyonda herhangi bir özellik açısından, belirli bir sürede uygulanan seleksyonun başarısı için genotipik değerin yıldan yıla değişimi ölçü olarak alınabilir. Bu değişim genetik yönetim olarak adlandırılmaktadır. Genetik yönetim yıllar bazında

değişimin hangi yönde, ne miktarda olduğu ve bu süre içerisinde kullanılan damızlıkların isabetli seçiliip seçilmeyikleri hakkında bir bilgi vermektedir.

Genetik yönetimlerin bulunabilmesi için herhangi bir yılda doğan ineklere ait ortalama DD'leri ile o peryotta kaydı bulunan ineklerin ortalama DD'leri arasındaki farklar kullanılabilir (Schaeffer 1985: Cebeci 1990). Çalışmada, bu farkların bulunabildiği dönem 1981-1989 dönemi olmuş ve bu dönemdeki yıllık genetik yönetim hesaplanmıştır.

#### 4. ARAŞTIRMA SONUÇLARI

Bu araştırmada, Ankara Şeker Fabrikası Çiftliği Siyah Alaca sigir sürüsünde kullanılan 13 boğanın süt verimi için DD'leri 3 farklı metotta tahmin edilmiştir. Hesaplamalarda bu bogaların 131 dölünün toplam 322 laktasyonundan yararlanılmıştır. Laktasyon süt verimleri 305 güne göre düzeltilmiş olup, mevsimin etkisi de araştırılmış ve herhangi bir farklılık bulunamadığı için düzeltme yapılmamıştır.

DD tahmininde kullanılan 3 metotta, süt verimi için kalitım derecesi ( $h^2$ ) 0.25, tekrarlanma derecesi de ( $r$ ) 0.45 olarak alınmıştır.

##### 4.1. Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma Metodu

Sürü Arkadaşlarını Karşılaştırma Metodu'yla DD tahmininde 322 laktasyonun tamamı kullanılmıştır. Laktasyon süt verimleri farklı yıllara ve laktasyon sıralarına dağılmış durumdadır. Bu iki faktör bakımından düzeltme yapmak yerine, laktasyon sıraları yıllar içerisinde düzenlenmiş ve böylece 37 yıl-laktasyon grubu oluşturulmuştur. Yıl-laktasyon grubuna ait ortalamalar Çizelge 4.1.'de verilmiştir.

Çizelge 4.1.'de verilen bilgilerden yararlanarak döllerin damızlık değerleri (3.5) nolu eşitlik kullanılarak tahmin edilmiş ve sonuçlar EK-1'da sunulmuştur.

Çizelge 4.1. SAK metodunda yıl-laktasyon ortalamaları

YIL	L A K T A S Y O N S I R A S I			
	1	2	3	4
81	6113			
82	5636	7151		
83	5357	5507	5354	
84	4461	5526	6031	6059
85	5604	5008	6193	6926
86	6587	5554	6029	5529
87	6846	7050	6680	5883
88	7064	7809	8135	
89	6649	6974	7685	8365
90	5678	7767	6724	7549
91	5574	5316	6700	5713

Bogaların damızlık değerleri, bogalara göre gruplandırılan döllerin damızlık değeri ortalamasının döl sayısını da dikkate alan (3.7) nolu formülle elde edilen tari faktörleri ile çarpılması suretiyle tahmin edilmiştir. Elde edilen sonuçlar Çizelge 4.2.'de verilmiştir.

#### 4.2. Çağdaşları Karşılaştırma Metodu

SÜRÜ Arkadaşlarını Karşılaştırma Metodu'nun aksine Çağdaşları Karşılaştırma Metodu'nda sadece ilk laktasyon süt verimleri dikkate alındığından, toplam 131 laktasyon verimi kullanılmıştır. Önceki bölümde olduğu gibi laktasyon

**Çizelge 4.2. Bogaların SAK metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Degeri
388	10
407	-88
408	88
409	116
410	-210
885	24
2847	3
3287	-2
3303	65
3495	120
3519	-61
3589	-38
3841	-84

verimleri farklı yıllara dağılmıştır. Yıl faktörüne ait herhangi bir düzeltme yapmak yerine değerlendirmelerin yıllar içi yapılması yoluna gidilmiştir. Yıllara ait ortalama süt verimleri Çizelge 4.3.'te verilmiştir.

Döllerin, Çizelge 4.3.'de verilen ortalamalardan yararlanılarak (3.8) nolu formüle göre tahmin edilen damızlık değerleri EK-1'de dir.

Döllerin damızlık değerlerinin bogalara göre gruplandırılması ve her döl grubu için hesaplanan ortalamaların

Çizelge 4.3. ÇK metodunda yıl ortalamaları

Yıl	Ortalama
81	6113
82	5636
83	5357
84	4461
85	5604
86	6587
87	6846
88	7064
89	6649
90	5678
91	5574

(3.7) sayılı formül ile elde edilen değerle tartılması sonucunda bogaların DD tahminleri elde edilmiştir (Çizelge 4.4.).

#### 4.3. Doğrusal Modeller

##### 4.3.1. EDYT1 metodu

EDYT1 metodu ile DD tahmininde (3.10) nolu model geregi, 322 laktasyonun tamamını kullanılmıştır. Modelde yer alan her faktörün her hali için bir denklem oluşturulmuştur. Böylece yıl-laktasyon faktörü için 37, boga faktörü için 13 ve döl faktörü için de 131 eşitlik olmak üzere toplam 181 eşitlik

**Çizelge 4.4. Bogaların ÇK metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Degeri
388	198
407	-76
408	160
409	304
410	-512
885	-38
2847	153
3287	-77
3303	37
3495	421
3519	-193
3589	-154
3841	-281

elde edilmiştir. Bölüm 3.2.3.1. de gösterildiği şekilde matris düzeneinde elde edilen bu eşitlıkların çözümünde Gauss-Yoketme yöntemi kullanılmıştır. Bu yöntemle sonuca, katsayılar matrisinin doğrudan tersini(invers) alarak gerçekleştirilen çözüme göre, daha kısa sürede ulaşılmaktadır. N. dereceden bir denklem sisteminin matris inversini hesaplayarak gerçekleştirilen çözümü için  $N^{3/2}$  işlem yapılmasına karşın, aynı çözüm Gauss-Yoketme yönteminde  $N^{3/3}$  işlem gerekmektedir (Yunusoglu 1973). Gauss-Yoketme yönteminin uygulanmasına ilişkin FORTRAN dilinde yazılmış bilgisayar programı EK-3'de verilmiştir.

Metodun uygulanmasıyla elde edilen sonuçlardan, yıl-laktasyon grubuna ait olanlar, hem populasyon ortalamasını( $\mu$ ) hem de yıl-laktasyon faktörünün etki miktarını içermesi nedeniyle doğrudan bu grupların EK ortalamalarına karşılık gelmektedir. Çizelge 4.5'te 37 yıl-laktasyon grubuna ait EK ortalamaları verilmiştir.

**Çizelge 4.5. EDYTİ metoduna göre yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları**

YIL	LAKTASYON SIRASI			
	1	2	3	4
81	6000.70			
82	5704.15	7024.37		
83	5408.28	5576.14	5264.14	
84	4960.05	5446.66	5959.99	5953.26
85	5828.73	5512.28	6004.96	6795.93
86	6532.54	5955.06	6379.19	5381.11
87	6652.34	6895.87	7210.54	5710.45
88	6986.30	7670.49	7733.68	
89	6722.26	6970.26	7740.74	8082.64
90	5713.80	7606.18	6651.83	7415.60
91	5495.22	5560.91	6280.28	5606.48

Boga ve döl faktörleri şansa bağlı ( $0, \sigma^2$ ) faktörlerdir. Bu sebeple, modele  $\mu$ 'nın dahil edilmemesi etki miktarlarında herhangi bir sapma meydana getirmemiştir. Böylece, denklem

sisteminin çözümüyle elde edilen boga ve döllere ait etki miktarlarının iki katı alınarak tahmini DD'leri bulunmuştur. Döllere ait olan tahmini DD'leri EK-1'de, bogalara ait olanlar ise Çizelge 4.6'da verilmiştir.

**Çizelge 4.6. Bogaların EDYT1 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Değeri
388	142.95
407	-229.26
408	320.51
409	446.00
410	-1026.54
885	200.64
2847	92.81
3287	10.40
3303	350.39
3495	498.08
3519	-248.84
3589	-173.13
3841	-383.96

#### 4.3.2. EDYTA1 metodu

EDYTA1 metoduyla EDYT1 metodu arasında, bogaların akrabalığının hesaplamalara dahil edilmesi dışında bir farklılık yoktur.

Bogalar arasındaki akrabalığı; akrabalık derecesinin bir fonksiyonu olarak veren Akrabalık Matrisi, pedigri bilgilerinden yararlanarak Bölüm 3.2.3.2 açıklanlığı şekilde düzenlenmiş ve bogalara ait eşitliklere eklenmiştir. Bogalara ait akrabalık matrisi EK-4'de verilmiştir.

Akrabalık matrisinin de hesaplamalara dahil edilmesiyle oluşturulan KME'nin eşanlı çözümü daha önce açıklanlığı gibi gerçekleştirılmıştır. Elde edilen sonuçlardan yıl-laktasyon grubuna ait EK ortalamaları Çizelge 4.7'de sunulmuştur.

Döllere ve bogalara ait DD'leri sırasıyla EK-1 ve Çizelge 4.8'da verilmiştir.

**Çizelge 4.7. EDYTAİ metoduna göre yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları**

YIL	LAKTASYON SIRASI			
	1	2	3	4
81	6119.84			
82	5783.13	7157.82		
83	5421.26	5661.61	5394.61	
84	4943.82	5471.44	6048.28	6083.73
85	5788.16	5499.40	6040.30	6873.59
86	6526.17	5909.88	6380.37	5367.52
87	6648.16	6887.08	7157.70	5731.73
88	6985.34	7665.88	7720.46	
89	6721.45	6969.23	7735.27	8070.05
90	5713.22	7605.50	6650.12	7409.84
91	5495.06	5560.57	6279.35	5604.09

**Çizelge 4.8. Bogaların EDYTA1 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Degeri
388	155.93
407	-322.19
408	-38.50
409	418.19
410	-898.44
885	208.13
2847	94.00
3287	11.32
3303	354.57
3495	497.26
3519	-248.59
3589	-166.66
3841	-384.18

#### 4.3.3 EDYT2 metodu

EDYT2 metodıyla DD tahmininde ÇK metodunda olduğu gibi ilk laktasyon verimleri kullanılmıştır. Verileri tanımlamak için kullanılan (3.20) nolu modelde yer alan her faktörün her hali için bir denklem oluşturulmuştur. Böylece yıl faktörü için 11 ve boga faktörü için de 13 eşitlik olmak üzere toplam 24 eşitlik düzenlenmiştir.

Bu eşitliklerin, Bölüm 4.3.1'de anlatılan metod yardımıyla çözümünden yıllara ait EK ortalamaları ve bogaların DD'leri tahmin edilmiştir. Elde edilen sonuçlar sırasıyla Çizelge 4.9 ve 4.10'de verilmiştir.

**Çizelge 4.9. EDYT2 metodunda yıllara ait EK ortalamaları**

Yıl	Ortalama
81	6157.29
82	5655.46
83	5419.16
84	4523.32
85	5745.88
86	6519.73
87	6748.78
88	6994.97
89	6603.66
90	5666.61
91	5479.59

Hesaplamalarda kullanılan (3.20) nolu modelde döl faktörü yer almadığı için, ineklerin damızlık değeri doğrudan tahmin edilememiştir. Döllerin ölçülen değerlerinde yılların etkisi dışındaki sapmaların genotipik olduğu düşünülverek, döllerin damızlık değerleri, bunların süt verimlerinden yıllara ait EK değerlerinin çıkartılması suretiyle tahmin edilmiş ve sonuçlar EK-1'de verilmiştir.

#### 4.3.4 EDYTA2 metodu

EDYTA2 metodunda bogaların DD tahmini yapılırken hesaplamalara Bölüm 4.3.2'de olduğu gibi bogalar arasındaki akrabalık da dahil edilmiştir. Bu bölümde EK-4'de verilen Akrabalık Matrisinin kullanımıyla elde edilen sonuçlardan yıllara ait etki miktarını da içeren EK ortalamaları Çizelge 4.11, bogalara ait DD'leri de Çizelge 4.12'de verilmiştir.

**Çizelge 4.10. Bogaların EDYT2 metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Değeri
388	232.73
407	-66.41
408	181.97
409	282.27
410	-615.76
885	-14.12
2847	216.26
3287	-34.91
3303	83.21
3495	455.82
3519	-175.97
3589	-145.78
3841	-276.16

Döllere ait DD'leri Bölüm 4.3.3'de açıkladığı şekilde tahmin edilmiş olup, sonuçlar EK-1 da verilmiştir.

**Çizelge 4.11. EDYTA2 metodunda yıllara ait EK ortalamaları**

Yıl	Ortalama
81	6066.90
82	5609.27
83	5414.90
84	4504.38
85	5768.47
86	6521.78
87	6750.65
88	6995.08
89	6604.00
90	5666.64
91	5479.39

#### **4.3.5 Gerçek verim kabiliyeti**

Araştırmayı oluşturan 131 dölün GVK'larının hesaplanabilmesi için Bölüm 3.2.3.5.'de matris dizaynında verilen (3.22) nolu eşitlik kullanılmıştır. Bu eşitliğin daha önce açıklanan Gauss-Yoketme yöntemiyle çözülmesi sonucunda, verimi etkilediği düşünülen yıl faktörü ve şansa bağlı faktör olarak kabul edilen döllerin eklemeli genotipik değerleriyle birlikte, sabit çevre faktörlerinin etki miktarları hesaplanmıştır.

Yıl faktörünün etki miktarlarını da içeren EK ortalamaları Çizelge 4.13'de döllerin eklemeli gen ve sabit çevre etkileriyle birlikte, bunların toplamına karşılık gelen gerçek verim kabiliyetleri de EK-2'de verilmiştir.

**Çizelge 4.12. Bogaların EDYTAZ metodu ile tahmin edilen damızlık değerleri**

Boga No	Damızlık Değeri
388	238.75
407	-113.20
408	-75.37
409	277.68
410	-547.79
885	-11.14
2847	216.42
3287	-34.83
3303	84.33
3495	454.46
3519	-175.94
3589	-140.08
3841	-279.05

#### 4.3.6. Genetik yönelim

Genetik yönelim değerleri, Bölüm 3.2.3.6.'da açıklanıldığı şekilde hesaplanmıştır. Her metoda göre elde edilen sonuçlar Çizelge 4.14.'de toplu olarak verilmiştir.

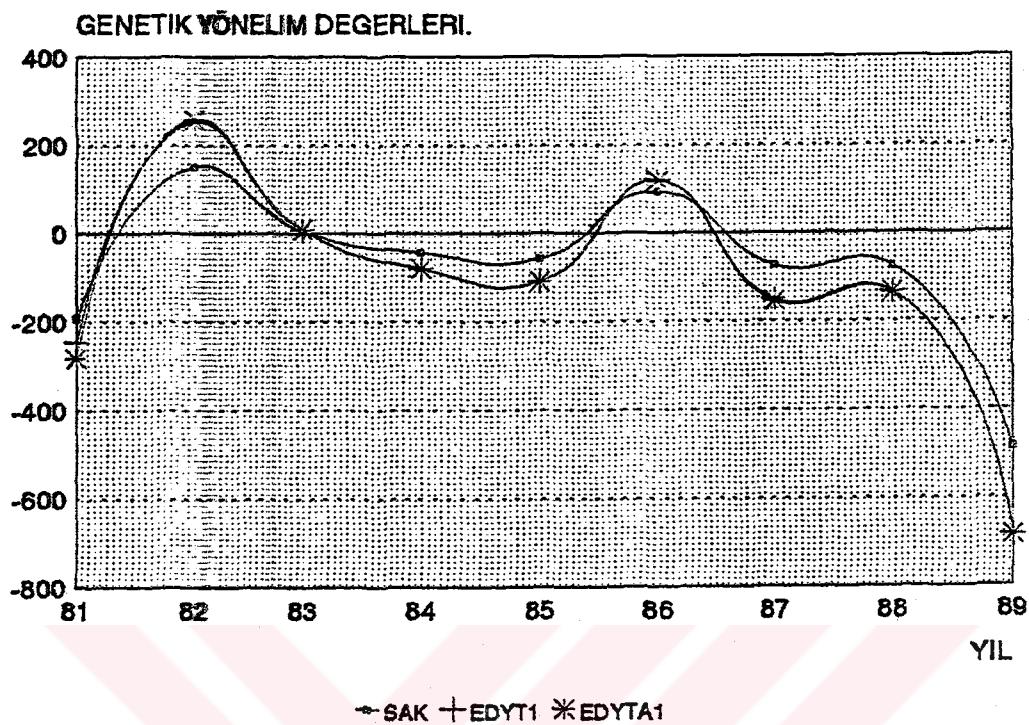
**Çizelge 4.13.** Gerçek verim kabiliyetini tahminde kullanılan yıl-laktasyon gruplarına ait EK ortalamaları

YIL	LAKTASYON SIRASI			
	1	2	3	4
81	6113			
82	5636	7151		
83	5357	5507	5354	
84	4461	5526	6031	6059
85	5604	5008	6193	6926
86	6587	5554	6029	5529
87	6846	7050	6680	5883
88	7064	7809	8135	
89	6649	6974	7685	8365
90	5678	7767	6724	7549
91	5574	5316	6700	5713

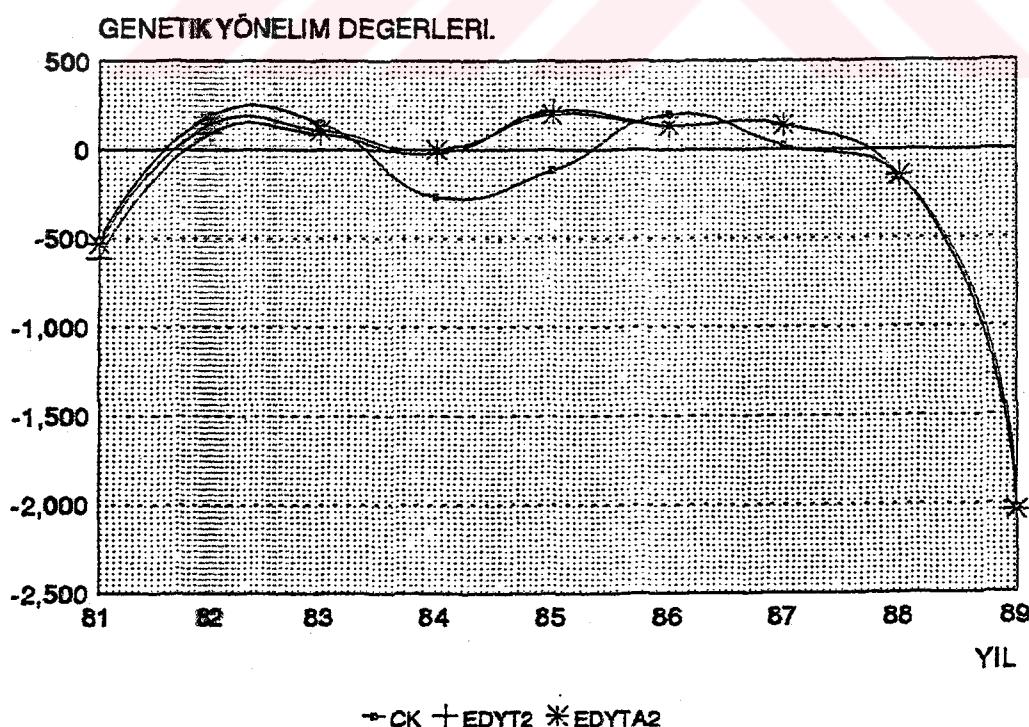
Genetik yönelikimin, hesaplanabildiği 1981-1989 yılları arasındaki değişimini daha kolay izlemek amacıyla Çizelge 4.14.'de verilen değerler grafik haline getirilmiş olup; SAK, EDYTA1 ve EDYTA2 metodlarına ait değerler için Şekil 4.1.'de, ÇK, EDYT2 ve EDYTA2 için olan da Şekil 4.2.'de sunulmuştur.

Çizelge 4.14. Genetik yönelim değerleri

YIL	SAK	EDYT1	EDYTA1	ÇK	EDYT2	EDYTA2
81	-191.53	-246.96	-282.67	-511.62	-612.39	-529.52
82	151.09	252.28	257.51	192.87	97.01	145.73
83	4.79	7.96	8.70	151.00	89.45	110.70
84	-43.36	-78.60	-79.52	-265.68	-19.44	1.51
85	-57.49	-108.06	-109.03	-115.44	219.62	198.32
86	93.56	120.17	119.09	198.34	137.03	135.11
87	-73.62	-149.85	-154.10	22.55	141.08	139.49
88	-74.72	-132.87	-134.69	-153.84	-145.99	-146.12
89	-486.95	-684.77	-686.12	-2028.50	-2039.69	-2040.23



Şekil 4.1. SAK, EDYT1 ve EDYTA1 metodlarına göre hesaplanan genetik yönelim.



Şekil 4.2. CK, EDYT2 ve EDYTA2 metodlarına göre hesaplanan genetik yönelim.

## 5. TARTIŞMA

Daha önceki bölümlerde ifade edildiği gibi, damızlık değeri tahmininde kullanılan farklı metodların mukayesesine için değişik yaklaşımlar kullanılabilir. Bunlardan biri, metodların teorik tabanlarının mevcut durumu açıklama bakımından yeterlilikidir. Bu yeterlilik irdelenirken, söz konusu metodun varsayımlarının populasyon için geçerlilik derecesi, bir başka ifade ile kabul ettiği ortamın, gerçek ortamla kesişim alanı dikkate alınır. Bu tip bir yaklaşımla hareket edildiğinde EDYT metodlarının en etkili metodlar olduğu ileri sürülmektedir (Van Vleck 1976).

Damızlık değeri tahmin metodlarının seçiminde dikkate alınan bir başka husus da yöntemin gereklerinin kolay karşılanabilmesi ve uygulamasının yeterince anlaşılır ve kolay olmasıdır. Nitekim çok önceleri geliştirilen EDYT metodunun yaygın kullanımının geçmişinin daha kısa olması bunlardan kaynaklanmaktadır. Çünkü metodun yaygın uygulanışı ancak hızlı ve büyük kapasiteli bilgisayarların kullanımıyla mümkün olabilmistiştir.

Araştırmada aynı sürüde bulunan hayvanların damızlık değerleri farklı yöntemlerle hesaplanmıştır. Bu noktada en uygun kabul edilen EDYT yöntemlerinin hem birbirleri hem de diğer yöntemlerle mukayesesinde elde edilen damızlık değer tahminleri karşılaştırılarak bir değerlendirme yapılmaya çalışılacaktır.

Bogaların farklı yöntemlerle hesaplanmış damızlık değerleri Çizelge 5.1.'de, dişilere ait damızlık değerleri de EK-1'de topluca verilmiştir.

**Çizelge 5.1. Bogaların farklı metodlarla tahmin edilen damızlık değerleri**

BABA NO	SAK	ÇK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
388	10	198	71.474	77.963	116.363	119.373
407	-88	-76	-114.630	-161.094	-33.203	-56.601
408	88	160	160.255	-19.252	90.986	-37.683
409	116	304	223.003	209.097	141.134	138.841
410	-210	-512	-513.272	-449.219	-307.881	-273.894
885	24	-38	100.321	104.067	-7.059	-5.570
2847	3	153	46.403	46.999	108.131	108.208
3287	-2	-77	5.200	5.659	-17.457	-17.415
3303	65	37	175.197	177.283	41.606	42.165
3495	120	421	249.042	248.630	227.910	227.230
3519	-61	-193	-124.422	-124.297	-87.983	-87.972
3589	-38	-154	-86.563	-83.331	-72.890	-70.038
3841	-84	-281	-191.981	-192.209	-138.082	-139.525

Seleksiyon çalışmalarında, mutlak değer veya sapma olarak hesaplanan damızlık değerleri kadar, sıralamanın da önemli olduğu düşünülerek, bogaların farklı yöntemlerle tahmin edilmiş damızlık değerleri bakımından sıralamaları da Çizelge 5.2.'de verilmiştir.

Farklı metodlarla elde edilmiş damızlık değerleri arasında korelasyon hesaplanarak, metodların birbirleri ile ilişkisi hakkında bilgi sağlanmaya çalışılmıştır. Dişi ve erkekler için ayrı ayrı yapılan hesaplamalar sonucu elde edilen değerler Çizelge 5.3. ve 5.4.'de verilmiştir.

**Çizelge 5.2. Bogaların damızlık değerlerine göre sıralama değerleri**

BABA NO	SAK	ÇK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
388	8	11	8	9	11	11
407	2	6	4	3	5	5
408	11	10	10	6	9	6
409	12	12	12	12	12	12
410	1	1	1	1	1	1
885	9	7	9	10	7	8
2847	7	9	7	8	10	10
3287	6	5	6	7	6	7
3303	10	8	11	11	8	9
3495	13	13	13	13	13	13
3519	4	3	3	4	3	3
3589	5	4	5	5	4	4
3841	3	2	2	2	2	2

**Çizelge 5.3. Bogaların damızlık değerleri ve sıralama değerleri arası korelasyonlar**

	SAK	ÇK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
SAK	-	0.912	0.983	0.914	0.915	0.852
ÇK	0.885	-	0.920	0.893	0.993	0.957
EDYT1	0.978	0.912	-	0.965	0.937	0.883
EDYTA1	0.912	0.852	0.940	-	0.909	0.927
EDYT2	0.885	0.989	0.907	0.885	-	0.963
EDYTA2	0.841	0.934	0.885	0.940	0.967	-

\* Üst diagonal damızlık değerleri, alt diagonal de sıralama değerleri arası korelasyon katsayılarını göstermektedir.

Çizelge 5.3. ve 5.4. incelendiginde bütün korelasyon katsayılarının pozitif ve önemli olduğu görülmektedir. Ayrıca farklı metodlar arasındaki korelasyon katsayıları arasında da büyük farklılıklar yoktur. Nitekim bogaların farklı yöntemlerle hesaplanan damızlık değerleri arasındaki korelasyonlar 0.852-

0.993 arasında değişirken dişilerde en küçük değer 0.770, en büyük değer de 0.999 olmuştur.

Damızlık değerlerini hesaplamada kullanılan SAK, EDYT1 ve EDYTA1 yöntemlerinde birden fazla verim dikkate alınırken, ÇK, EDYT2 ve EDYTA2 yöntemlerinde sadece ilk laktasyon verimleri kullanılmıştır. Yöntemler kullanılan kayıt sayıları (bir veya birden fazla) için de karşılaştırılırsa, aralarındaki ilişkinin daha homojen olduğu görülmektedir. Buna karşılık akrabalığı dikkate alarak yapılan tahminlerin diğerleriyle ilişkisinin görece zayıf olduğu da dikkati çekmektedir. Bogalar arası akrabalığın düşük olduğu materyalde, akrabalığa bağlanabilecek az da olsa bir farklılığın oluşması dikkat çekicidir.

**Çizelge 5.4. Dişilerin damızlık değerleri ve sıralama değerleri arası korelasyonlar**

	SAK	ÇK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2	GENTP	S.ÇEV	GVK
SAK	-	0.771	0.984	0.988	0.770	0.770	0.994	0.994	0.994
ÇK	0.755	-	0.761	0.763	0.997	0.997	0.775	0.775	0.775
EDYT1	0.979	0.753	-	0.999	0.756	0.756	0.985	0.985	0.985
EDYTA1	0.984	0.753	0.998	-	0.758	0.758	0.989	0.989	0.989
EDYT2	0.750	0.995	0.744	0.749	-	1.000	0.772	0.772	0.772
EDYTA2	0.750	0.996	0.745	0.749	0.999	-	0.772	0.772	0.772
GENTP.	0.994	0.759	0.981	0.987	0.752	0.751	-	1.000	1.000
S.ÇEV.	0.994	0.759	0.981	0.987	0.752	0.751	1.000	-	1.000
GVK	0.994	0.759	0.981	0.987	0.752	0.751	1.000	1.000	-

\* Üst diagonal damızlık değerleri, alt diagonal de sıralama değerleri arası korelasyon katsayılarını göstermektedir.

Sıralamalar arası ilişkiler incelendiğinde de elde edilen değerler korelasyon katsayılarından bir miktar düşük olmakla birlikte bunlar arasındaki ilişkiler daha önce söylenenlere benzerdir.

Bu ilişkiler ve metodların uygulama açısından kolaylıklarını dikkate alarak, ÇK ve SAK metodları damızlık değerleri tahmini için önerilebilir. Fakat bu metodlara akrabalığın dahil edilmemesi hem bilgi kaybına hem de akrabalığın yüksek olduğu durumlarda sonuçların önemli derecede değişmesine neden olacaktır. Bundan dolayı, akrabalığın dahil edildiği ve dişilere ait bütün laktasyonları dikkate alan böylece, dişilerin de damızlık değerini tahmin etmeye imkan sağlayan EDYTA1 metodun en uygun metot olarak görülmelidir. Ayrıca Çizelge 5.4. incelendiğinde EDYTA1 ile GVK arasındaki korelasyonun yüksek olması dikkat çekicidir. Bu da bize, EDYTA1 metodunun diş damızlıklarda en üstün genotipik değere sahip ve aynı zamanda süt verimi en yüksek olanı seçmeye imkan sağladığını ortaya koymaktadır. Metot bu avantajlarına rağmen uygulamada diğer metodlara göre daha ileri bir teknoloji gerektirmektedir. Bu da günümüzde kolayca sağlanabilecek bir husustur. Bütün bunlara ek olarak, bu yolla dişilerin tahmin edilen DD'inden yararlanarak populasyonun genetik yönelimi de belirlenmekte ve böylece damızlık seçimindeki isabet kontrol edilebilmektedir.

Verilerin elde edildiği süre içerisindeki genetik yönelimin, önce pozitif olduğu sonrada negatif bir değer aldığı

görülmektedir. Öyleki 1989 yılındaki genetik seviye 1981 yılının oldukça altına inmektedir. Bu durum damızlık seçimine yeterli özenin gösterilmemesinin sonuçlarını çarpıcı biçimde ortaya koymaktadır. Aslında düşük damızlık değerli bogaların diğerlerinden daha yaygın kullanıldığı populasyonlarda, bu sonucun ortaya çıkması kaçınılmazdır. Bu nedenle damızlık değeri tahmininin isabetli bir şekilde yapılması için gerekli alt yapının oluşturulmasını (metot, veri toplama) ve uygulamanın devamlılığını bir zorunluluk olarak görmek gereklidir.

## KAYNAKLAR

- AKMAN, N., ERTUĞRUL, M. ve TURKOĞLU, M. 1992. Türkiye'de Hayvansal Üretim. Türk Cumhuriyetleri Tarım Sempozyumu. 24-26 Haziran 1992 Ankara.
- ANONYMOUS, 1991. FAO Production Yearbook. Food and Agricultural Organization. ROME.
- BAPTIST, R. and GRAVERT, H.O., 1973. Die Fruchtbarkeit der Töchter in der Bullenselektion. Züchtungskunde 45, 399.
- BAŞPINAR, E., 1984. İvesi Kuzularında Bazı Çevre Faktörlerinin Doğum ve Sütten Kesim Ağırlığı Üzerine Etkilerinin Çeşitli Metotlarla Tahmin Edilmesi. A.U. Fen Bil. Ens. Yüksek Lisans Tezi(Yayınlanmamış), Ankara.
- BERESKIN, B. and LUSH, J.L., 1965. Genetic and Environmental Factors in Dairy Sire Evaluation III J. Dairy Sci. 48, 356-360.
- BRASCAMP, E.W., 1973. Model Calculations Concerning Economic Optimization of AI. Breeding with Cattle. II. Z. Tierzüchtg. Züchtungsbiol. 90, 126.
- CEBECİ, Z., 1990. Süt Sığırlarında Damızlık Seçiminde En İyi Doğrusal Yansız Tahmin (Best Linear Unbiased Prediction) Yöntemi, Yönteme İlişkin Bilgi İşlem Algoritmaları ve Ceylanpınar Tarım İşletmesi Siyah-Alaca Sığır Poپulasyonuna Uygulanması. Ç.U. Fen Bil. Enst. Doktora Tezi(Yayınlanmamış) Adana.
- CONRAD, P.U., and GRAVERT, H.O. 1966. Zuchtwertschätzung von Bullen als Modell Fall Einer Multiplen Regression Züchtungskunde 38, 195-201.
- CORDOVI, J., GUERRA, D. and MENENDEZ, A., 1986. Comparison of Methods Used in The Evaluation of Bulls for Milk Production. Animal Breeding Abstracts 054-02061.
- DUZGUNES, O., ELİÇİN, A. ve AKMAN, N., 1991. Hayvan İslahı. A.U. Ziraat Fak. Yayınları No:1003, Ders Kitabı, s:1-296, Ankara.

- EDWARD, J., 1932. The Progeny Test As A Method of Evaluating The Dairy Sire. *J. Agric. Sci.* 22, 811.
- EKER, M., KESİCİ, T., TUNCEL, E., YENER, S.M. and GURBUZ, F., 1982. Orta Anadolu D.U. Çiftliklerinde Yetiştirilen Esmer Sığırarda Süt Verimini Ergin Çağ ve 305 Güne Göre Düzeltme Katsayılarının Saptanması. *Doga Bilim Dergisi Seri: D, Cilt: 6, Sayı: 25-35.*
- ELİÇİN, A. ve AKMAN, N., 1984. Hayvancılık Kayıtlarının Tutulması ve Degerlendirilmesi. *TOKB. Hayvancılıkta İleri Teknikler Semineri, S: 304-327, 3-9 Temmuz 1984 Tahirova-Gönen.*
- FIMLAND, E.A., 1977. Berücksichtigung der Fruchtbarkeit als Selektionskriterium der Tierzüchter. 4, 142.
- FOLEY, R.C., BATH, D.L., DICKINSON, F.N. and TUCKER, H.A., 1973. *Dairy Cattle: Principles, Practices, Problems, Profits.* Lea & Febiger. Philadelphia.
- GEISSLER, B. and ZELFEL, S., 1988. Further Development of The Breeding Values Estimation of German Black Pied Dairy Bulls in The German Democratic Republic Animal Breeding Abstracts 056-05431.
- GELDERMANN, H., 1976. Biochemische Aspekte in der Haustiergenetik II. Zielrichtungen Biochemischegenetischer Arbeiten in der Haustiergenetik Züchtungskunde 48, 339-361.
- GIFFORD, W., 1930. The Mode of Inheritance of Yearly Butterfat Production. *No. Agr. Expl. Staa. Bull.* 144.
- GOODALE, H.D., 1927. Selecting A Herd Sire Mt. Hope Farm Public.
- GOWEN, I.W., 1920. Inheritance of Crosses of Dairy and Beef Breeds of Cattle. *J. Hered.* 11(7).
- GÜNLÜL, T., 1971. Sığırarda Degişik Süt Verim Kontrol ve Hesaplama Metotları Üzerinde Araştırmalar. Ege Univ. Ziraat Fak. Yayınları No: 177. İzmir.
- GRAVES, R.R., 1926. Transmitting Ability of 23 Holstein Friesian Sires. *USDA Bull.* 1372.
- GURNANI, M. and NAGARCENKAR, R., 1982. Comparison of Breeding Value of Sires by Henderson's BLUP and Robertson's Method. 2nd World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, p. 195-199, Madrid.

- HAIGER, A. and SÖLKNER, J., 1992. Comparison of Breeds Under Extensive Production Systems. 8th World Holstein Friesian Conference. Budapest, Hungary, 1-6 June 1993.
- HANSSON, N., 1913. Kan man med Ekonomiks Fördel Höja Meddelfetthalten iden av vara nötk Reatursstammar Lömnade Mjöiken. Centralanst Försökvasendet p. Jordbruksomradef. Meddelande 75, 85.
- HARING, H.J.F., 1972., Zuchtplanung in der Rinderzucht aus Ökonomischer Sicht. Diss. Göttingen.
- HEIDHUES, T., VAN VLECK, L.D. and HENDERSON, C.R., 1961. Actual and Expected Accuracy of Sire Proofs Under The New York System of Sampling Bulls. Z. Tierzuchtg. Züchtungsbiol. 75, 323-330.
- HENDERSON, C.R., KEMPTHORNE, O., SEARLE, S.R. and KROSIKG, C.M.V., 1959. The Estimation of Environmental and Genetic Trends From Record Subject to Culling. Biometrics 15: 192-217.
- HENDERSON, C.R., 1973. Sire Evaluation and Genetic Trends Proc. Anim. Breed. Genet. Symp. in Honor. of J.L.Lush 10-41, ASAS USDA Champaign, Illinois.
- HENDERSON, C.R., 1974. Use of Relationship Among Sires to Increase Accuracy of Sire Evaluation. J. Dairy Sci. Vol. 58 No:11, 1731-1738.
- HENDERSON, C.R., 1976. A Simple Method for Computing The Inverse of A Numerator Relationship Matrix Used in Prediction of Breeding Values. Biometrics 32: 69-83.
- HENDERSON, C.R., 1984. Application of Linear Models in Animal Breeding. Univ. of Guelph. Canada.
- IGNASHKINA, A.A., and KUZNETSOV, V.M., 1989. Estimation of Breeding Value by Modified Contemporary Comparisons and BLUP. Animal Breeding Abstracts 057-04765.
- JANSON, L., 1981. Studies on Fertility Traits in Swedish Cattle III. Acta Agric. Scand. 31, 299.
- JOHANSSON, I., 1954. An Analysis of Data From The Danish Bull Progeny Testing Stations Z. Tierzuchtg. Züchtungsbiol. 63, 105-126.

- JOHANSSON, I., 1961. Genetic Aspects of Dairy Cattle Breeding. Univ. Illinois Press, Urbana, Illinois.
- JOVANOVAC, S., 1990. Estimation of The Breeding Value of Holstein-Fresian Bulls by The BLUP Method Animal Breeding Abstracts 058-01408.
- KAVUNCU, O., 1991. Teorik Dağılımlar Ders Notları. A.U. Ziraat Fak. Zooteknik Böl.(Yayınlanmamış), Ankara.
- KHINKOVSKI, T., NASEV, D., NASEVA, S. and MANAFOV, A., 1986. A Comparison of Breeding Value Estimation of Bulls for Dairy Performance Using the Blup and CC Methods. Animal Breeding Abstracts 054-01540.
- KORUM, U., 1971. Matematiksel İstatistikte Giriş. A.U. Siyasal Bilgiler Fak. Yayınları No:317 Ankara.
- KRAUBLICH, H., et al. 1970. Die Besamungszucht Beim Rind in Bayer. Bayr. Landw. Jahrb. 47, 3-85.
- KRAUBLICH, H., OSTERKORN, K. and RICHTER, H., 1977. Die Züchterische Auswirkung von Non-Return-Werten in Besamungspopulation Züchtungskunde 49, 92.
- KUTSAL, A., 1960. Evcil Hayvanların Yavru Denemesi Metodu ile Damızlık Değerinin Tayini. Lalahan Zooteknik Araştırma Enstitüsü Yayın No:3. Ankara.
- LAMPRECHT, E., 1949. Die Wirkung der Kriegsverhältnisse auf die Milchleistung beim Schwarzbunten Rind in Mecklenburg. Die Milchwissenschaft 4, 416.
- LUSH, J.L., 1931. The Number of Daughters Necessary to Prove A Sire. J. Dairy Sci. 14, 209.
- LUSH, J.L. and LACY; M.D., 1932. The Ages of Breeding Cattle and The Possibility of Having Proved Sires Ia. Ag. Expt. Sta. Bull. 290.
- LUSH, J.L., 1933. The Bull Index Problem In The Light of Modern Genetics. J. Dairy Sci. 15, 501.
- LUSH, J.L., 1935. Progeny Testing and Individual Performance As Indicators of An Animal's Breeding Values. J. Dairy Sci. 18, 1.
- LUSH, J.L., 1944. The Optimum Emphasis on Dam's Records When Proving Dairy Sires. J. Dairy Sci. 27, 937.

- MAIJALA, K., 1978. Breeding for Improved Reproduction in Cattle  
29th Anm. Meet EAAP.
- MINGFENG, L., YINGWU, L. and SHUSHENG, K., 1988. Estimation of  
Breeding Value and Genetic Trend of Xinong Saanen Goat.  
J. Dairy Sci. 71: 2241-2245.
- MITYU'KO, V.I., 1989. Evaluation of Bulls by Contemporary  
Comparisons, Modified Contemporary Comparisons and BLUP.  
Animal Breeding Abstracts 057-04766.
- NIEBEL, E., 1974. Methodik der Zuchtplanung fur die Reinzucht  
beim Rind bei Optimierung Zuchtfortschritt und  
Züchtungsgewinn, Diss. Hohenheim.
- NIEBEL, E. and FEWSON, D., 1974. Untersuchungen zur Zuchtplanung  
für die Reinzucht beim Zweinutzungs rind I.  
Züchtungskunde 48, 3.
- PEARL, R., GOWEN, I.W. and MINER, J.R. 1919. Me. Agric. Col. Ext.  
Bull. 281.
- PETERS, J., 1934. Vorschlage zur Aenderung des Deutschen  
Rinderleistungsbuches DLT.
- PHILIPSSON, J. and BANOS, G., 1992. Harmonization of Breeding  
Value. 8th World Holstein Friesian Conference. Budapest,  
Hungary, 1-6 June 1993.
- PIRCHNER, F., 1970. Eignug Verschiedener Vergleichsdurchschnitte  
zur Nachkommensprüfung beim Rind Z. Tierzüchtg.  
Züchtungsbiol. 87,20.
- PIRCHNER, F., 1984. History of Progeny Testing. IDF/EAAP  
Symposium, Prague-Czechoslovakia, September 1984.
- REINECKE, P., SEELAND, G., SCHÖNMUTH, G., LEUTHOLD, G. and SEGAL,  
L., 1984. Beziehungen Zwischen Schilddrusenaktivität  
Weiblicher Junggrindern und Ihrer Späteren Milchleistung  
I. Archiv Tierzucht 27, 1.
- RICE, V.A., 1942. A New Method of Indexing Dairy Bulls. J. Dairy  
Sci. 27, 921.
- RITTLER, A., MOOSER, D., WERKMEISTER, F., 1968. Milchleistungsprüfungen  
beim Rind als Grundlage für die Zuchtwertschatzung I. Z. Tierzüchtg.  
Züchtungsbiol. 84, 161-178.
- ROBERTSON, A. and MASON, I.L., 1956. The Progeny Testing of Dairy  
Bulls A Comparison of Special Station and Field Results.  
J. Agr. Sci. 47, 376-381.

- ROBERTSON, A. and RENDEL, J.M., 1950. The Use of Progeny Testing with Artificial Insemination in Dairy Cattle J. Genet. 50, 21.
- ROBERTSON, A. and RENDEL, J.M., 1954. The Performance by Heifers Got by Artificial Insemination. J. Agric. Sci., Camb. 44:184-192.
- SCHAEFFER, L.R., 1985. Advances in Estimating Breeding Values and Population Parameters. Course Notes. Institute of Animal Production, Technical University Berlin, Lentzealle 75, D-1000 Berlin 33, W.Germany.
- SCHAEFFER, L.R., 1987. BLUP Lecture Notes
- SCHMIDT, G.H and VAN VLECK, L.D., 1974. Principles of Dairy Sci. W.H. Freeman and Company/San Francisco.
- SCHNEEBERGER, M., GAILLARD, C., KUNZI, N. and WEBER, F., 1977. Comparison of Sire Evaluation Methods for Carcass Gain Using Field Data. Livestock Production Science, 4(1977) 11-17.
- SCHWAB, M., 1984. Das Verhalten Stoffwechselbezogener Blutinhaltsstoffe Vor und Nach Hungerbelastung im Zusammenhang mit den Zuchtwerten für Milchleistungskriterien Bei Stieren. EAAP, Den Haag, 1984 Vol. 1.
- SKJERVOLD, H. and SANVIK, O., 1959. The Hedmark System for Progeny Testing of Dairy Bulls with Special Reference to Artificial Insemination. Imperial J. Exper. Agr. 27, 59-65.
- SKJERVOLD, H. and LANGHOLZ, H.J., 1964. Factors Affecting The Optimum Structure of AI. Breeding in Dairy Cattle Z. Tierzüchtg. Züchtungsbiol. 80, 25.
- SOBEK, Z., 1986. Estimation of Breeding Value of Bulls in The Pedigree Herds with BLUP and CC Methods. World Review of Animal Production Vol. XXII, No:1 75-78.
- SOLLER, M., BAR ANAN, R. and PASTERNAK, H., 1966. Selection of Dairy Cattle for Growth Rate and Milk Production Anim. Prod. 8, 109-119.
- TANEJA, K.R. and RAI, A.V., 1990. Efficiency of Sire Evaluation Methods to Improve Milk Yield of Sahiwal\*Holstein-Fresian Cattle. Animal Breeding Abstracts 058-04135.

TILAKARATNE, N., ALLISTER, J.C., CARR, W.R., LAND, R.B. and OSMONO, T.J., 1980. Physiological Attributs as Possible Selection Criteria for Milk Production I. Anim. Prod. 30, 327.

TOUCHBERRY, R.W., ROTTENSTEIN, K. and ANDERSON, H., 1960. A Comparison of Dairy Sire Progeny Tests Made at Special Danish Testing Stations with Test Made in a Farmer's Herd. J. Dairy Sci. 43, 529-545.

TURNER, C.W., 1925. A Comparison of Guernsey Sires. Mo. Ag. Expt. Sta. Res. Bull. 79.

VAN VLECK, L.D., HEIDHUES, T., O'BLENESS, G.V. and HENDERSON, C.R., 1961. Comparison of Procedures Used for Evaluating Dairy Sires Used in Artificial Insemination. J. Dairy Sci. 44, 708-714.

VAN VLECK, L.D., 1964. Sampling The Young Sire in Artificial Insemination. J. Dairy Sci. 47, 411.

VAN VLECK, L.D., 1976. Prediction of Genetic Values of Dairy and Beef Bulls in North Amerika S:49-81 CEC.

WERF, J.H.J., KAMPHOF, J. and BROEK, H., 1990. A Simulation Study Comparing Methods of Within-Herd Estimation of Breeding Values for Dairy Cows. Animal Breeding Abstracts 058-01449.

WRIHGT, S., 1921. Correlation and Causation. J. Arg. Research XX. No: 7.

WRIGHT, S., 1931. On The Evaluation of Dairy Sires. Am. Soc. Anim. Prod. Proc. 71-78.

YAPP, W.W., 1924. Transmitting Ability of Dairy Sires. Amer. Soc. Anim. Prod., Ann. Proc. Dec. 1924.

YUNUSOGLU, A., 1974. Uygulamalı Sayısal Çözümleme (Numerik Analiz) 1. Kitap. Türkiye Bilişim Derneği Yayınları Sayı: 1. Ankara.

ZUK, B., ZWOLINSKA-BARTCZAK, I. and SZYSZKOWSKI, I., 1991. Testing of Dairy Bulls on Data from Small Herds. 42nd. Annual Meeting of The EAAP 71. Berlin.

## EK-1

Dişilerin farklı metodlarla tahmin edilen damızlık değerleri

NO	SAK	CK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
5	686.00	2644.00	1101.98	1110.49	2479.53	2502.12
10	373.00	1491.00	530.59	530.55	1556.22	1558.27
15	457.00	386.00	729.23	734.88	451.22	453.27
16	334.00	25.00	469.37	484.18	-139.47	-116.88
17	-467.00	464.00	-675.32	-674.74	529.22	531.27
18	448.00	661.00	583.11	599.75	496.53	519.12
21	-169.00	-94.00	-280.31	-279.06	-28.78	-26.73
22	63.00	-264.00	180.51	185.01	-198.78	-196.73
23	-20.00	-33.00	-12.80	-12.22	32.22	34.27
24	397.00	754.00	585.07	585.31	819.22	821.27
25	-461.00	-69.00	-680.53	-678.50	-3.78	-1.73
26	-112.00	-395.00	-185.05	-185.69	-329.78	-327.73
29	-107.00	-427.00	-197.17	-195.63	-361.78	-359.73
30	-91.00	-363.00	-174.13	-172.59	-297.78	-295.73
39	-951.00	-885.00	-1343.82	-1341.23	-819.78	-817.73
40	41.00	-294.00	83.41	82.38	-198.65	-196.78
49	-48.00	247.00	-98.42	-97.53	342.35	344.22
51	458.00	507.00	664.66	665.55	602.35	604.22
54	10.00	42.00	21.77	22.52	137.35	139.22
56	-821.00	-1664.00	-1223.52	-1224.61	-1568.65	-1566.78
70	-342.00	-28.00	-502.09	-503.18	67.35	69.22
73	492.00	1515.00	778.78	777.67	1610.35	1612.22
86	42.00	87.00	59.99	60.20	155.92	156.03
87	-288.00	447.00	-431.27	-430.86	515.92	516.03
93	-170.00	-374.00	-227.08	-226.59	-305.08	-304.97
96	515.00	1486.00	804.73	805.22	1554.92	1555.03
104	-138.00	-734.00	-332.05	-331.01	-665.08	-664.97
111	-534.00	-624.00	-753.12	-753.00	-555.08	-554.97
122	72.00	-895.00	103.66	103.88	-826.08	-825.97
123	-194.00	-775.00	-307.22	-307.10	-730.00	-729.66
141	302.00	1209.00	516.90	490.73	1255.10	1164.71
142	-138.00	929.00	-66.41	-117.41	975.10	884.71
144	200.00	623.00	269.58	302.11	669.10	578.71
209	-153.00	-612.00	-235.06	-235.02	-600.64	-600.61
225	202.00	810.00	276.82	276.86	821.36	821.39
351	-110.00	-441.00	-261.28	-260.92	-429.64	-429.61
427	342.00	1366.00	462.13	462.13	1377.36	1377.39
443	-62.00	-249.00	-117.88	-117.75	-204.00	-203.66
471	54.00	214.00	81.82	80.95	259.00	259.34
540	55.00	249.00	47.51	82.90	295.10	204.71
545	332.00	340.00	423.49	474.89	386.10	295.71
546	97.00	154.00	111.55	146.94	200.10	109.71
547	-459.00	-1836.00	-579.22	-605.38	-1789.90	-1880.29
548	-132.00	-473.00	-46.72	-103.43	-426.90	-517.29
549	-103.00	-668.00	-187.10	-154.56	-621.90	-712.29

NO	SAK	CK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
550	141.00	-152.00	186.98	215.15	-105.90	-196.29
551	-46.00	-378.00	-107.46	-31.02	-331.90	-422.29
552	412.00	-382.00	527.31	594.39	-355.27	-401.46
553	-291.00	-598.00	-380.36	-404.09	-571.27	-617.46
554	-289.00	-1333.00	-349.03	-374.04	-1306.27	-1352.46
555	-143.00	1182.00	-330.27	-270.46	1208.73	1162.54
556	-578.00	-1167.00	-831.93	-850.86	-1140.27	-1186.46
557	-166.00	-662.00	-320.52	-284.33	-635.27	-681.46
558	-88.00	1102.00	-44.25	-69.27	1128.73	1082.54
559	-42.00	-168.00	-43.74	-55.45	-141.27	-187.46
560	401.00	1478.00	467.95	420.39	1504.73	1458.54
561	-54.00	-294.00	8.02	-17.00	-267.27	-313.46
562	545.00	2180.00	679.93	656.51	2206.73	2160.54
563	-234.00	-1336.00	-323.19	-342.13	-1309.27	-1355.46
564	395.00	1325.00	748.21	764.04	1267.10	1262.84
565	-39.00	555.00	-114.41	-17.00	497.10	492.84
566	-20.00	183.00	38.73	53.33	125.10	120.84
567	211.00	47.00	472.23	485.44	-10.90	-15.16
569	96.00	1274.00	261.82	275.70	1216.10	1211.84
570	192.00	216.00	210.10	200.78	158.10	153.84
571	-16.00	595.00	-119.28	-125.85	537.10	532.84
572	227.00	51.00	262.72	253.39	-6.90	-11.16
573	64.00	256.00	258.46	230.73	198.10	193.84
574	278.00	4.00	323.38	316.81	-53.90	-58.16
575	-508.00	-1276.00	-473.37	-517.28	-1333.90	-1338.16
576	-165.00	457.00	175.51	112.21	399.10	394.84
577	-349.00	-1183.00	-620.74	-627.31	-1240.90	-1245.16
578	-298.00	-1192.00	-262.78	-290.51	-1249.90	-1254.16
579	-210.00	-1319.00	-187.14	-221.07	-1376.90	-1381.16
580	-177.00	-98.00	-256.16	-282.37	-141.38	-160.32
581	-180.00	-335.00	-122.51	-165.70	-378.38	-397.32
582	-304.00	-394.00	-419.36	-453.73	-437.38	-456.32
583	442.00	1294.00	358.61	484.02	1250.62	1231.68
584	-117.00	-467.00	-162.99	-180.20	-510.38	-529.32
586	-101.00	-155.00	-44.00	-55.21	-319.47	-296.88
587	-581.00	-537.00	-755.76	-766.97	-701.47	-678.88
588	-68.00	-271.00	6.31	-2.14	-435.47	-412.88
590	199.00	10.00	401.47	390.26	-154.47	-131.88
592	-675.00	-1902.00	-894.45	-905.66	-2066.47	-2043.88
593	535.00	1020.00	885.83	874.62	855.53	878.12
594	-664.00	-1727.00	-920.37	-931.58	-1891.47	-1868.88
614	-45.00	228.00	-31.36	-20.94	63.53	86.12
634	459.00	-243.00	757.53	760.85	-177.78	-175.73
641	67.00	-324.00	99.47	98.82	-258.78	-256.73
660	-283.00	-1933.00	-410.18	-411.21	-1837.65	-1835.78

NO	SAK	CK	EDYT1	EDYTA1	EDYT2	EDYTA2
668	417.00	66.00	631.65	631.94	161.35	163.22
672	307.00	1074.00	506.92	504.66	1169.35	1171.22
677	-3.00	-40.00	-35.86	-37.44	28.92	29.03
682	-163.00	-410.00	-207.28	-206.54	-341.08	-340.97
698	-61.00	58.00	-88.24	-87.83	126.92	127.03
700	-56.00	-624.00	-71.73	-71.09	-555.08	-554.97
701	235.00	-284.00	366.61	366.89	-215.08	-214.97
703	-399.00	-148.00	-594.75	-594.11	-79.08	-78.97
709	214.00	1081.00	377.21	377.41	1149.92	1150.03
710	539.00	1064.00	920.89	921.06	1132.92	1133.03
718	367.00	876.00	630.82	630.96	921.00	921.34
724	426.00	-86.00	562.46	562.49	-17.08	-16.97
726	-29.00	907.00	8.89	9.04	918.36	918.39
731	-168.00	374.00	-176.63	-176.50	419.00	419.34
733	298.00	783.00	440.11	440.19	828.00	828.34
738	137.00	556.00	282.77	282.90	601.00	601.34
739	-755.00	-1948.00	-1228.16	-1228.17	-1903.00	-1902.66
755	244.00	463.00	368.52	370.81	558.35	560.22
790	157.00	627.00	182.63	182.70	672.00	672.34
795	308.00	1321.00	379.80	379.80	1332.36	1332.39
799	-462.00	-455.00	-595.71	-595.39	-410.00	-409.66
802	188.00	754.00	168.89	169.24	765.36	765.39
812	-238.00	-951.00	-357.09	-357.05	-939.64	-939.61
815	-15.00	-60.00	-51.19	-51.19	-48.64	-48.61
827	-106.00	-424.00	-120.72	-120.56	-412.64	-412.61
830	189.00	756.00	283.79	283.64	850.61	850.41
836	45.00	181.00	138.30	138.31	275.61	275.41
843	-211.00	-845.00	-292.52	-292.68	-750.39	-750.59
854	61.00	245.00	26.90	27.11	339.61	339.41
855	-522.00	-2089.00	-725.49	-725.60	-1994.39	-1994.59
870	-250.00	-1001.00	-304.11	-303.82	-989.64	-989.61
946	-12.00	57.00	9.33	9.70	68.36	68.39
948	339.00	1355.00	385.23	385.59	1366.36	1366.39
949	-57.00	-1136.00	-93.66	-93.49	-1124.64	-1124.61
952	-784.00	-2394.00	-1134.66	-1134.29	-2382.64	-2382.61
953	247.00	669.00	392.87	393.23	680.36	680.39
954	362.00	1450.00	419.43	419.78	1461.36	1461.39
959	-381.00	-1525.00	-530.68	-531.64	-1513.64	-1513.61
960	42.00	166.00	78.03	77.08	177.36	177.39
962	438.00	1751.00	569.02	569.23	1845.61	1845.41
963	-80.00	-319.00	-96.56	-97.51	-307.64	-307.61

## EK-2

Dışilerin doğrusal modelle hesaplanan gerçek verim kabiliyetleri

INEK NO	GENOTİPİK DEĞER	S.ÇEV. ETKİSİ	GVK
5	784.887	470.932	1255.82
10	365.585	219.351	584.94
15	546.999	328.199	875.20
16	409.768	245.861	655.63
17	-453.032	-271.819	-724.85
18	500.202	300.121	800.32
21	-177.316	-106.390	-283.71
22	152.681	91.608	244.29
23	-6.067	-3.640	-9.71
24	387.403	232.442	619.85
25	-446.246	-267.748	-713.99
26	-129.781	-77.868	-207.65
29	-113.915	-68.349	-182.26
30	-97.915	-58.749	-156.66
39	-861.297	-516.778	-1378.07
40	47.194	28.317	75.51
49	-27.449	-16.470	-43.92
51	478.940	287.363	766.30
54	35.509	21.305	56.81
56	-820.378	-492.227	-1312.60
70	-341.629	-204.977	-546.61
73	518.213	310.928	829.14
86	39.240	23.544	62.78
87	-290.401	-174.241	-464.64
93	-172.068	-103.241	-275.31
96	512.654	307.592	820.25
104	-140.124	-84.074	-224.20
111	-501.658	-300.995	-802.65
122	68.704	41.223	109.93
123	-216.462	-129.877	-346.34
141	321.299	192.779	514.08
142	-112.572	-67.543	-180.11
144	224.928	134.957	359.89
209	-163.215	-97.929	-261.14
225	192.285	115.371	307.66
351	-120.465	-72.279	-192.74
427	331.285	198.771	530.06
443	-84.962	-50.977	-135.94
471	30.788	18.473	49.26
540	80.964	48.578	129.54
545	335.873	201.524	537.40
546	123.009	73.805	196.81

INEK NO	GENOTİPİK DEĞER	S.ÇEV. ETKİSİ	GVK
547	-439.951	-263.971	-703.92
548	-105.854	-63.513	-169.37
549	-78.127	-46.876	-125.00
550	166.492	99.895	266.39
551	5.899	3.540	9.44
552	408.780	245.268	654.05
553	-311.023	-186.614	-497.64
554	-291.561	-174.937	-466.50
555	-163.246	-97.947	-261.19
556	-611.622	-366.973	-978.59
557	-189.614	-113.769	-303.38
558	-91.448	-54.868	-146.32
559	-66.114	-39.668	-105.78
560	398.325	238.995	637.32
561	-57.129	-34.278	-91.41
562	520.886	312.532	833.42
563	-268.408	-161.045	-429.45
564	491.919	295.152	787.07
565	22.809	13.686	36.49
566	19.404	11.642	31.05
567	290.228	174.137	464.36
569	157.948	94.769	252.72
570	271.591	162.955	434.55
571	45.726	27.435	73.16
572	306.137	183.682	489.82
573	82.180	49.308	131.49
574	339.476	203.686	543.16
575	-468.454	-281.072	-749.53
576	-85.795	-51.477	-137.27
577	-287.052	-172.231	-459.28
578	-279.820	-167.892	-447.71
579	-228.938	-137.362	-366.30
580	-235.795	-141.477	-377.27
581	-176.047	-105.628	-281.67
582	-356.372	-213.823	-570.20
583	445.999	267.599	713.60
584	-154.921	-92.952	-247.87
586	-109.395	-65.637	-175.03
587	-589.573	-353.744	-943.32
588	-56.060	-33.636	-89.70
590	191.141	114.685	305.83
592	-683.145	-409.887	-1093.03
593	507.947	304.768	812.71
594	-690.665	-414.399	-1105.06
614	53.865	32.319	86.18
634	521.945	313.167	835.11

INEK NO	GENOTİPIK DEĞER	S.ÇEV. ETKİSİ	GVK
641	58.934	35.360	94.29
660	-276.896	-166.138	-443.03
668	422.160	253.296	675.46
672	329.670	197.802	527.47
677	-5.540	-3.324	-8.86
682	-159.904	-95.942	-255.85
698	-62.762	-37.657	-100.42
700	-52.177	-31.306	-83.48
701	231.383	138.830	370.21
703	-395.586	-237.351	-632.94
709	246.199	147.719	393.92
710	618.963	371.378	990.34
718	430.267	258.160	688.43
724	393.178	235.907	629.09
726	13.325	7.995	21.32
731	-105.566	-63.340	-168.91
733	308.233	184.940	493.17
738	199.295	119.577	318.87
739	-809.967	-485.980	-1295.95
755	319.280	191.568	510.85
790	134.038	80.423	214.46
795	262.353	157.412	419.77
799	-451.588	-270.953	-722.54
802	178.285	106.971	285.26
812	-247.965	-148.779	-396.74
815	-25.215	-15.129	-40.34
827	-116.215	-69.729	-185.94
830	189.042	113.425	302.47
836	45.292	27.175	72.47
843	-211.208	-126.725	-337.93
854	61.292	36.775	98.07
855	-522.208	-313.325	-835.53
870	-260.465	-156.279	-416.74
946	-58.004	-34.803	-92.81
948	328.535	197.121	525.66
949	-103.361	-62.017	-165.38
952	-829.790	-497.874	-1327.66
953	200.746	120.447	321.19
954	352.285	211.371	563.66
959	-391.465	-234.879	-626.34
960	31.285	18.771	50.06
962	437.792	262.675	700.47
963	-89.965	-53.979	-143.94

## EK-3

=====  
GAUSS YOKETME YÖNTEMİ  
=====

\* A1.DAT KATSAYILARI İÇEREN DOSYA  
 \* Y.DAT TOPLAM GÖZLEM DEĞERLERİNİ İÇEREN DOSYA  
 \* CIKTI.DAT SONUCLARI İÇEREN DOSYA  
 \* K.DAT DENKLEM SAYISINI İÇEREN DOSYA

```
DIMENSION A(299, 299), B(299), IX(299), AB(299, 300), X(299)
OPEN(1,FILE='A1.DAT',STATUS='OLD')
OPEN(2,FILE='Y.DAT',STATUS='OLD')
OPEN(3,FILE='CIKTI.DAT',STATUS='OLD')
OPEN(4,FILE='K.DAT',STATUS='OLD')
```

## \*\*\*\*\* N DEĞERİNİN AKTARILMASI \*\*\*\*\*

```
READ(4,7)N
7 FORMAT(I3)
```

## \*\*\*\*\* A VE B MATRİSLERİNE DEĞERLERİN AKTARILMASI \*\*\*\*\*

```
DO 10 I=1,N
  READ(2,105) B(I)
  WRITE(*,105) B(I)
DO 16 J=1,N
  WRITE(*,*) 'I=',I
  READ(1,103) A(I,J)
  WRITE(*,103) A(I,J)
16  CONTINUE
10  CONTINUE
103 FORMAT(F9.6)
105 FORMAT(F7.0)
N1=N+1
DM=1.
```

## \*\*\*\*\* GENİŞLETİLMİŞ AB MATRİSİNİN ELDE EDİLMESİ \*\*\*\*\*

```
DO 13 II=1,N
  AB(II,N1)=B(II)
DO 13 JJ=1,N
13   AB(II,JJ)=A(II,JJ)
```

## \*\*\*\*\* DEĞİŞKEN SIRASININ SAPTANMASI \*\*\*\*\*

```
DO 15 IK=1,N
15   IX(IK)=IK
```

## \*\*\*\*\* YOKETME ADIMLARI \*\*\*\*\*

```

N2=N-1
DO 50 K=1,N2
  K1=K+1
  L=K
  ENB=0.0

```

## \*\*\*\*\* SATIR ICINDE EN BUYUK ELEMANIN PIVOT YAPILMASI \*\*\*\*\*

```

DO 30 JK=K,N
  IF(ABS(AB(K,JK)).LE.ENB) GO TO 30
  ENB=ABS(AB(K,JK))
  L=JK
30  CONTINUE
  IF(ABS(AB(L,L)).LE.1.E-8) GO TO 75

```

## \*\*\*\*\* SUTUN DEGIŞTİRME \*\*\*\*\*

```

35  IL=IX(K)
  IX(K)=IX(L)
  IX(L)=IL
  DM=-DM
  DO 40 M=1,N
    C=AB(M,K)
    AB(M,K)=AB(M,L)
40  AB(M,L)=C

```

## \*\*\*\*\* SUTUN ELEMANLARININ SIFIRLANMASI VE \*\*\*\*\* \*\*\*\*\* DIGER ELEMANLARIN HESAPLANMASI \*\*\*\*\*

```

20  DO 47 IM=K1,N
  DO 45 JM=K1,N1
45    AB(IM,JM)=AB(IM,JM)-AB(IM,K)*AB(K,JM)/AB(K,K)
47  AB(IM,K)=0.0
50  CONTINUE

```

## \*\*\*\*\* ÇÖZÜMÜN BULUNMASI \*\*\*\*\*

```

B(N)=AB(N,N1)/AB(N,N)
DO 65 L=1,N2
  I=N-L
  B(I)=AB(I,N1)
  I1=I+1
  DO 60 JS=I1,N
60  B(I)=B(I)-AB(I,JS)*B(JS)
65  B(I)=B(I)/AB(I,I)

```

## \*\*\*\*\* ÇÖZÜMÜN SIRAYA KONULMASI \*\*\*\*\*

```
DO 70 IF=1,N
70  X(IX(IF))=B(IF)
    L=1
    DO 51 IG=1,N
51   WRITE(3,108) X(IG)
108  FORMAT(E12.6)
      GO TO 52
75   L=2
      WRITE(3,109)
109  FORMAT('MATRIS TEKILDİR')
52   END
```

Ex-1

Boğalara ait akrabalık matrisi

## ÖZGEÇMIŞ

1967 yılında Ankara'da doğdu. İlk, orta ve lise öğrenimini Ankara'da tamamladı. 1985 yılında girdiği Ankara Üniversitesi Ziraat Fakültesi Zootekni Bölümü'nden 1989 yılında Ziraat Mühendisi olarak mezun oldu. Aynı yıl Ankara Üniversitesi Fen Bilimleri Enstitüsü, Zootekni Anabilim Dalı'nda Yüksek Lisans öğrenimine başladı. Halen 1991 yılında Araştırma Görevlisi olarak girdiği Ankara Üniversitesi Ziraat Fakültesi Zootekni Bölümü Hayvan Yetiştirme ve İslahı Anabilim Dalı'nda görev yapmaktadır.